

1P0554
ミズクラゲの状態で伴って発現上昇するリソソーム酵素遺伝子 *aspartylglucosaminidase* の解析

 辻田 菜摘¹, 桑原 宏行¹, 今井 つかさ¹, 矢中 規之¹, 小路 淳¹, 荒川 賢治², 国吉 久人¹ (¹広島大・院生物圏, ²広島大・院先端研)

1P0555
稲の高温登熟障害発生を診断できる遺伝子発現マーカーの開発

 白久 武士¹, 佐藤 徹¹, 東 聡志¹, 三ツ井 敏明^{2,3} (¹新潟農総研・作物研, ²新潟大院・自然科学, ³新潟大農・応生化)

ポスター会場3(神戸国際展示場2号館1F)

1P0556 ~ 1P0588
ゲノムと遺伝情報 -1) ゲノム、染色体、核の構造と機能
1P0556 (1T25-01)
5-hydroxymethylcytosine marks sites of DNA damage and is required for genome stability

 Georgia R Kafer¹, Xuan Li¹, Takuro Hori², Isao Suetake^{3,4}, Shoji Tajima^{3,4}, Izuho Hatada², Peter M Carlton^{1,4} (¹iCeMS, Kyoto Univ., ²Biosignal Genome Resource Ctr. Inst. for Mol. and Cell. Regulation, Gunma Univ., ³Inst. for Protein Rsrch., Osaka Univ., ⁴CREST, Japan Science and Technology Agency)

1P0557 (1T25-02)
メタノール資化酵母 *Hansenula polymorpha* の新規な接合型変換機構

前川 裕美, 金子 嘉信 (阪大・院工・酵母リソース工学)

1P0558
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: モデル両生類のゲノム進化における TGF-beta シグナル伝達経路のユニークな変化とその生物学的意義**

 鈴木 厚¹, 高橋 秀治¹, 宇野 好宣², 回瀧 修治³, Jane Grimwood⁴, 松田 洋一², 伊藤 道彦³, Daniel Rokhsar⁵, 平良 真規⁶ (¹広島大・院理・両生類研, ²名大・院農・動物遺伝, ³北里大・理・生物, ⁴HudsonAlpha Genome Seq. Center, USA, ⁵Dept. of Energy, Joint Genome Inst., USA, ⁶東大・院理・生物科学)

1P0559
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: 転写因子をコードする遺伝子群の初期発生および成体器官における発現パターンの解析**

 渡部 稔¹, 回瀧 修治^{2,3,4}, 安岡 有理⁵, 伊藤 道彦⁶, 近藤 真理子⁶, 越智 陽樹⁷, 荻野 肇⁸, 福井 彰雅⁹, 平良 真規¹⁰, 木下 勉¹⁰ (¹徳島大・教養教育, ²北里大・理・生物科学, ³北里大・生命科学研, ⁴東大・院理・生物科学, ⁵沖縄科技大・マリンゲノム, ⁶東大・院理・臨海, ⁷山形大・医, ⁸長浜バイオ大・アニマルバイオ, ⁹北大・院先端生命・組織構築, ¹⁰立教大・理・生命理学)

1P0560
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: 異質四倍体アフリカツメガエルにおける Hand と Twist の発現の共進化**

 越智 陽樹¹, 鈴木 菜花¹, 川口 茜², 荻野 肇² (¹山形大 医学, ²長浜バイオ大 アニマルバイオ)

1P0561
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: 同祖遺伝子の進化過程における シス変異とコード変異の相互作用**

 荻野 肇¹, 越智 陽樹², 川口 茜¹ (¹長浜バイオ大・アニマルバイオ, ²山形大・医)

1P0562
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: 異質四倍体の細胞内シグナル経路関連遺伝子におけるホメオログの保存性と機能分担**

 道上 達男¹, 後藤 利保², 木下 勉³, 山元 孝佳⁴, 平良 真規⁴, 中山 卓哉⁵ (¹東大・院総文・広域科学, ²東京医歯大・難治研, ³立教大・理, ⁴東大・院理・生物科学, ⁵バージニア大・理)

1P0563
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: アフリカツメガエルの性染色体と W および Z 特異的領域の解析**

 回瀧 修治^{1,2,3}, 和田 美加子², 高橋 秀治⁴, 宇野 好宣⁵, 松田 洋一⁵, 近藤 真理子⁶, 福井 彰雅⁷, 高松 信彦², 平良 真規³, 伊藤 道彦² (¹北里大・生命研, ²北里大・理・生物科学, ³東大・院理・生物科学, ⁴広大・院理・両生研, ⁵名大・院生命農, ⁶東大・院理・臨海, ⁷北大・院・先端生命・組織構築)

1P0564
***Xenopus laevis* 全ゲノム解析: 細胞周期制御関連遺伝子について**

 田中 利明¹, 越智 陽樹², 高橋 秀治³, 平良 真規⁴ (¹東工大・院・生命理工, ²山形大・医, ³広島大・院理・両生類研究施設, ⁴東京大・院理)

1P0565

Xenopus laevis全ゲノム解析：アフリカツメガエルnodal5とnodal6遺伝子クラスターについての解析

高橋 秀治¹, 豊田 敦², 宇野 好宣³, 黒木 陽子⁴, 彦坂 暁⁵, 原本 悦和⁶, 田中 利明⁷, 西城 智仁¹, 野口 英樹⁸, 松田 洋一³, 近藤 真理子⁹, 藤山 秋佐夫², 上野 直人¹⁰, 平良 眞規¹¹, 浅島 誠⁶ (1) 広大・院理・両生類研, (2) 遺伝研・生命情報研究センター, (3) 名大・院農・動物遺伝, (4) 東北大・東北メディカル・メガバンク機構, (5) 広大・院総科・人間科学, (6) 産総研・創薬基盤・幹細胞工学, (7) 東工大・院・生命理工, (8) 遺伝研・先端ゲノミクス推進センター, (9) 東大・院・理・臨海, (10) 基生研・形態形成部門, (11) 東大・院理・生物科学)

1P0566

Xenopus laevis全ゲノム解析：アフリカツメガエルの siamois ファミリー遺伝子クラスターについての解析

西城 智仁¹, 原本 悦和², 田中 利明³, 古野 伸明⁴, 鈴木 厚¹, 近藤 真理子⁵, 平良 眞規¹, 高橋 秀治¹ (1) 広大・院理・両生類研, (2) 産総研・創薬基盤・幹細胞工学, (3) 東工大・院・生命理工, (4) 東大・院理・生物科学, (5) 東大・院・理・臨海)

1P0567

Xenopus laevis全ゲノム解析：異質四倍体化によって生じた8つのHoxクラスターの構造と遺伝子発現の解析

近藤 真理子^{1,2}, 山元 孝佳³, 高橋 秀治⁴, 平良 眞規³ (1) 東大・院理・臨海, (2) 東大・海洋基礎生物学研究推進セ, (3) 東大・院理・生物科学, (4) 広大・理・両生類研)

1P0568 (1T25-03)

Xenopus laevis全ゲノム解析：異質四倍体ゲノムの全貌とサブゲノム

平良 眞規¹, *Xenopus laevis*ゲノムプロジェクト 国際コンソーシアム² (1) 東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻, (2) 日本・米国)

1P0569 (1T25-04)

DNAトポイソメラーゼIIβは遺伝子間領域に作用し遠隔ゲノム部位間の相互作用を媒介する

古田 良平¹, 宮地 まり¹, 佐野 調明¹, 細谷 修¹, 姜志 始², 館野 賢², 筒井 公子¹, 筒井 研¹ (1) 岡山大・院・医歯薬・神経ゲノム, (2) 兵庫東大院・生命理学・機能理論)

1P0570 (1T25-05)

STEMIによる3次元染色体高次構造観察

兼古 航平, 笹倉 颯馬, 高田 英昭, 内山 進, 福井 希一 (阪大・院工・生命先端)

1P0571 (1T25-06)

染色体スキャフォールドはスキャフォールドタンパク質の2本鎖構造をもつ

Ravin Poonperm¹, 高田 英昭¹, 濱野 徹¹, 松田 厚志^{2,3}, 内山 進¹, 平岡 泰², 福井 希一¹ (1) 阪大・院工・生命先端, (2) 阪大・院生命機能, (3) 未来ICT研・情通研)

1P0572 (1T25-07)

Overlapping dinucleosomeの構造生物学的および物理化学的解析

足立 風水也¹, 越阪部 晃永¹, 堀越 直樹^{1,2}, 有村 泰宏¹, 七種 和美^{3,4}, 明石 知子³, 西村 善文³, 杉山 正明³, 松本 淳⁶, 河野 秀俊⁶, 胡桃坂 仁志^{1,2} (1) 早大・院・先進理工, (2) 早大・理工学研究所, (3) 横浜市立大・生命医科, (4) 広島大・院・理, (5) 京大・原子炉実験所, (6) 日本原子力研究開発機構)

1P0573 (1T25-08)

染色体タンパク質複合体コヒーシンのDNA結合・解離反応の生化学的再構成

村山 泰斗¹, Frank Uhlmann² (1) 東工大・生命理工・生シ, (2) フランシスクリック研)

1P0574 (1T25-09)

ヒストンH1シャペロンTAF-Iの分子内相互作用による活性制御機構

鍛谷 香織^{1,2}, 加藤 広介², 永田 恭介¹ (1) 筑波大, (2) 筑波大・医学医療系/人間総合科学・感染生物学)

1P0575 (1T25-10)

クロマチンを基質としたコンデンシンの機能解析

竹内 康造¹, 木下 和久¹, 新富 圭史¹, 大隅 圭太², 平野 達也¹ (1) 理研, (2) 名大・院理・生命理学)

1P0576 (1T25-11)

遺伝子の転写開始点におけるコンデンシンIとIIの局在の生理的意義の解明

坂田 豊典, 中戸 隆一郎, 加藤 由起, 須谷 尚史, 坂東 優篤, 白髭 克彦 (東京大学分子細胞生物学研究所)

1P0577 (1T25-12)

染色体構築過程におけるクロモキネシンKIF4AによるコンデンシンIの動態制御

高橋 元子, 広田 亨 (がん研究会がん研究所 実験病理部)

1P0578 (1T25-13)
hnRNPU/SAF-A/SP120とDNAトポイソメラーゼIIβ複合体による神経細胞核のグローバルなクロマチン構造変換

宮地 まり, 細谷 修, 古田 良平, 佐野 訓明, 筒井 公子, 筒井 研 (岡大・院・医歯薬・神経ゲノム学)

1P0579 (1T25-14)
Pli1, an E3 Ligase for Tpz1 SUMOylation in Telomere Regulation, Interacts with Rif1 In Fission Yeast

Mutiara P. Ningtyas, Shiho Fujisawa, Tomoaki Arita, Katsunori Tanaka (Dept. of Bioscience, Grad. Sch. of Sci and Tech., Kwansei Gakuin Univ.)

1P0580 (1T25-15)
DNA損傷依存的な姉妹染色分体間接着への核膜タンパク質の関与

 折原 行希¹, 尾岡 由佳子¹, 小西 辰紀¹, 堀籠 智洋², Susan Gasser², 原田 昌彦¹ (¹東北大・院農・分子生物, ²FMI, Basel)

1P0581 (1T25p-01)
オートファジーは減数分裂における正常な染色体分配に必要である

 松原 央達¹, 山本 歩^{1,2} (¹静大院・創造・バイオ, ²静大院・理・化学)

1P0582 (1T25p-02)
減数分裂期のテロメアによるセントロメア制御とスピンドル形成における役割

 勝保 和夫¹, 平安 亜美¹, 建徳 一樹¹, 松原 央達³, 市川 絢登¹, 西 絵里子², 和久田 愛理², 三好 純平², 山本 歩^{1,2,3} (¹静大・院理・化学, ²静大・理・化学, ³静大・創造・バイオサイエンス)

1P0583 (1T25p-03)
細胞核の形態変化を指標としたスクリーニングから明らかにされた多倍体細胞における細胞老化の進行

 定家 真人^{1,2}, Christian Dillon³, 成田 昌子¹, Andrew R.J. Young¹, Claire J. Cairney⁴, Lauren S. Godwin⁵, Christopher J. Torrance⁶, Dorothy C. Bennett⁵, W. Nicol Keith⁴, 成田 匡志¹ (¹CRUK, CI, Univ. of Cambridge, ²京大・院生命科学・細胞周期学, ³CRT, DL, ⁴ICS, WWCRC, Univ. of Glasgow, ⁵St. George's, Univ. of London, ⁶Horizon Discovery Ltd)

1P0584 (1T25p-04)
白血病病因因子Nup98-HoxA9の機能解析

 岡 正啓¹, 村 苑子², 山田 幸司¹, Percival Sangel¹, 大川 恭行³, 木村 宏⁴, 米田 悦啓⁵ (¹医薬基盤健康・細胞核輸送, ²阪大・生命機能・細胞内分子移動, ³九大・医・先端医療医学, ⁴東工大・生命理工・生体システム, ⁵医薬基盤健康)

1P0585
出芽酵母新規セントロメア同定により得られた、ポイントセントロメア進化における新たな知見

 小林 徳彦^{1,7}, 鈴木 穰², Lori W. Schoenfeld^{3,4}, Carolin A. Muller⁵, Conrad Nieduszynski², Kenneth H. Wolfe⁶, 田中 智之¹ (¹ダンディー大・生命科学部・遺伝子発現制御, ²東大・新領域・メデイカルゲノム, ³ホワイトヘッド研究所・生物学研, ⁴マサチューセッツ工大・ハーワードヒューズ医研・生物部, ⁵オックスフォード大・サー・ウイリアム・ダン病理学研究所, ⁶ユニバーシティ・カレッジ・ダブリン・医薬科学部・コンウェイ研究所, ⁷現所属(国立国際医療研究センター研究所・疾患制御))

1P0586
マウスのアセチルコリンに対する感受性を決定する遺伝子の解析

 田中 聖一¹, 一之瀬 岳夫¹, 松山 充², 高屋敷 優子², 永島 博², 鳥越 大輔³, 森松 正美⁴, 安居院 高志¹ (¹福大・アニマルセンター, ²(株)アニマルケア, ³熊大・生命資源研究支援センター, ⁴北大・院獣医・実験動物)

1P0587
DNAトポイソメラーゼIIαのC末端領域による酵素反応制御機構の解析

 河野 真二¹, 加藤 佑梨¹, 岡染 夏海¹, 佐野 訓明², 筒井 研², 筒井 公子², 池田 正五¹ (¹岡山理大・理・生物化学, ²岡山大・院・医歯薬)

1P0588
転移因子の新規転移が引き起こすクロマチン構造変化

柳川 麦, 梶川 正樹 (東工大・院生命理工・生体システム)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0589 ~ 1P0626

ゲノムと遺伝情報-2)クロマチン、エピジェネティクス**1P0589** (1T25p-05)**ヒストンバリエントH2A.Bは、ヌクレオソーム中で自らを他のH2Aバリエントと置き換える**
有村 泰宏, 矢島 成人, 白山 一義, 野田 真美子, 藤田 理紗, 胡桃坂 仁志 (早稲田大・先進理工)**1P0590** (1T25p-06)**新規ヒストンH3バリエントH3mm7は骨格筋分化能を制御する**原田 哲仁¹, 前原 一満¹, 田口 裕之², 佐藤 優子³, 謝 炎², 立花 太郎⁴, 木村 宏³, 胡桃坂 仁志², 大川 恭行¹ (九大・医大・エ
ピジェネティクス,²早稲田大・院・先進理工,³東工大・生命理工,⁴大阪市大・工・細胞工学)**1P0591** (1T25p-07)**ヒストンH1ユビキチン化によるG1-S遺伝子群の転写制御**加藤 広介^{1,2}, 永田 恭介¹ (¹筑波大学,²医学医療系/人間総合科学・感染生物学)**1P0592** (1T25p-08)**ES細胞におけるChd2クロマチンリモデリング因子の機能解析**仙波 雄一郎^{1,2}, 小田原 淳^{1,2}, 林 正康^{1,2}, 工藤 健介^{1,3}, 國吉 勇樹¹, 前原 一満¹, 原田 哲仁¹, 立花 太郎⁴, 沖 真弥⁵, 目野 主税⁵,
大川 恭行⁵ (九州大学 医学研究院先端医療医学部門 エピジェネティクス分野,²九州大学 医学研究院病態修復内科学,
³九州大学大学院 消化器・総合外科,⁴大阪市立大学 大学院工学研究科化学系生物系専攻,⁵九州大学大学院 発生再
生医学分野)**1P0593** (1T25p-09)**クロモドメインタンパクCdy12はES細胞の未分化性維持に関与している**服部 奈緒子¹, 木村 佳那¹, 田口 純平³, 飯田 直子¹, 竹島 秀幸¹, 今井 俊夫², 山田 泰弘³, 牛島 俊和¹ (国立がん研セ・研・エ
ピゲノム解析分野, 国立がん研セ・研・動物実験支援施設,³京大iPS研・初期化機構解析部門・幹細胞腫瘍学)**1P0594** (1T25p-10)**異性型ポリコム複合体構成因子の欠損がES細胞の分化に与える影響**相下 結貴^{1,2}, 近藤 隆³, 古関 明彦^{1,2} (¹理研・IMS,²千葉大・医学薬学府・医科学専攻,³神奈川科学技術アカデミー)**1P0595** (1T25p-11)**ヒトPRC2 (Polycomb Repressive Complex 2) 複合体構成因子の解析**石本 祥平, 蛭名 峰子, 柴田 幸子, 山口 康祐, 磯部 真也, 大久保 義真, 長尾 恒治, 小布施 力史 (北大・院先端生命・分子
細胞生物)**1P0596** (1T25p-12)**Luminal型乳癌に重要なヒストンデメチレーズJARID1B (KDM5B)の機能解析**山本 昌司^{1,4}, Zhenhua Wu^{1,5}, Hege G. Russnes^{1,2}, 高木 慎二^{1,6}, 丸山 玲緒^{1,3}, Kornelia Polyak¹ (¹ダナファーマー癌研究所,
²オスロ大学病院,³札幌医科大学・医・分子生物学,⁴第一三共株式会社,⁵H3 Biomedicine,⁶武田薬品工業株式会社)**1P0597** (1T25p-13)**Regulation of p53 activity by the lysine demethylase KDM7A**Masato Yonezawa^{1,2}, Andreas Schmidt^{3,4}, Karl Mechtler^{2,3}, Thomas Jenwein^{2,5}, Hiroyuki Aburatani¹ (RCAST, The
Univ. of Tokyo,²Research Institute of Molecular Pathology (IMP),³Institute of Molecular Biotechnology (IMBA),
⁴University of Vienna,⁵Max-Planck Institute of Immunobiology and Epigenetics)**1P0598** (1T25p-14)**ヒストンH4テイルのリジンアセチル化によるヌクレオソーム構造への影響**梅原 崇史^{1,2,3}, 若森 昌聡^{1,2}, 藤井 佳史^{2,4}, 須賀 則之^{2,5}, 白水 美香子^{1,2}, 坂本 健作^{1,2}, 横山 茂之^{2,4} (理研・CLST,²理研・
SSBC,³JST・さががけ,⁴理研・横山構造生物学,⁵明星大・総合理工)**1P0599** (1T25p-15)**ヒストンメチル化酵素Setdb1は造血幹前駆細胞のエネルギー代謝に必須である**小出 周平¹, 田久保 圭誉², 大島 基彦¹, 宮城 聡¹, 更屋 敦則¹, 青山 和正¹, 王 長山¹, 松井 啓隆³, 木村 宏¹, 眞貝 洋一⁵, 須田 年
生², 岩間 厚志¹ (千葉大・院医・細胞分子,²慶應大・院医・発生分化,³広大・院医・がん分子病態,⁴東工大・院理・生
体システム,⁵理研・細胞記憶研究室)**1P0600****転移因子LINEの新規転移が引き起こすDNAのメチル化修飾**

佐久間 敦丈 (東工大・大学院・生命理工)

1P0601
ヒストンメチル基転移酵素 Ezh2 欠損造血幹細胞における Ezh1 の役割

青山 和正¹, 望月(樫尾) 牧子¹, 大島 基彦¹, 小出 周平¹, 指田 吾郎^{1,2}, 岩間 厚志¹ (千葉大・医・細胞分子医学,²熊本大・国際先端医学研究拠点施設)

1P0602
TNF-alpha treatment in fathers programs telomere shortening in mouse offspring

Binbin Liu^{1,2}, Toshio Maekawa¹, Shunsuke Ishii^{1,2} (Laboratory of Molecular Genetics, RIKEN Tsukuba Institute, ²Graduate School of Comprehensive Human Sciences, University of Tsukuba)

1P0603
残基特異的ヒストンアセチル化を含むdi-nucleosomeを鋳型とするクロマチン転写の経時検出

若森 昌聡^{1,2}, 岡部 弘基^{3,4}, 浦 聖恵⁵, 横山 茂之^{2,6}, 船津 高志³, 梅原 崇史^{1,2,4} (理研・CLST,²理研・SSBC,³東大院・薬,⁴JST・さきがけ,⁵千葉大院・理,⁶理研・横山構造生物学)

1P0604
SUMO E3-ligase P1AS4 regulates DNA damage-dependent exchange of the histone variant H2A.Z-2

Atsuhiko Fukuto, Yasunori Horikoshi, Satoshi Tashiro (Dept. Cell. Biol., RIRBM, Hiroshima Univ.)

1P0605
Functional analyses of Drosophila histone methyltransferase G9a

Kohei Shimaji^{1,2}, Takahiro Konishi^{1,2}, Shintaro Tanaka^{1,2}, Hideki Yoshida^{1,2}, Yasuko Kato¹, Yasuyuki Ohkawa³, Tetsuya Sato⁴, Mikita Suyama⁴, Hiroshi Kimura⁵, Masamitsu Yamaguchi^{1,2} (Dept. of Applied Biol., Kyoto Inst. of Tech.,²Insect Biomed. Res. Ctr., Kyoto Inst. of Tech.,³Dept. of Adv. Med. Initiatives, Univ. of Kyushu,⁴Div. of Bioinformatics, Med. Inst. of Bioregulation, Univ. of Kyushu,⁵Dept. of Bio. Sci. Grad. Sch. of Biosci. and Biotech., Tokyo Inst. of Tech.)

1P0606
新生仔マウスの精原幹細胞の形成と分化における全ゲノムDNAメチル化およびトランスクリプトーム解析

久保 直樹^{1,2}, 藤 英博¹, 白根 健次郎¹, 白川 峰征³, 小林 久人⁴, 佐藤 哲也⁵, 曾根 秀利³, 佐藤 康人³, 富澤 信一³, 鶴崎 美徳⁶, 柴田 弘紀⁷, 才津 浩智⁸, 鈴木 稔³, 松本 直通⁹, 須山 幹太¹, 河野 友宏³, 大保 和之³, 佐々木 裕之¹ (九大・生医研・エピゲノム,²九大・医研院・胸研,³横浜市大・医研・組織学,⁴東京農大・ゲノム解析,⁵九大・生医研・バイオインフォマティクス,⁶横浜市大・医研・遺伝学,⁷九大・生医研・ゲノム機能学,⁸東大・新領域・メディカルゲノム,⁹東京農大・応用生物・バイオサイエンス)

1P0607
タングステン酸化による5ヒドロキシメチルシトシン検出に有望なDNAポリメラーゼ

三浦 史仁^{1,2}, 伊藤 隆司^{1,2} (九州大学大学院医学研究院,²CREST)

1P0608
エピジェネティックな発現制御を受けるDDI3の解析

沖 昌也^{1,2}, 荻野 裕平¹, 日吉 裕紀³, 内田 博之¹ (福井大・院工・生物化学,²福井大・生命センター)

1P0609
マウスにおける再構築刷り込みメチル化記列の活性の検証

松崎 仁美^{1,2}, 倉持 大地³, 谷本 啓司^{1,2} (筑波大・生命環境系,²筑波大・TARAセンター,³筑波大・生命環境学群)

1P0610
ヌクレオソームの新たな立体構造解析法の開発

浦野 一輝¹, 堀越 直樹², 鯨井 智也², 田口 裕之², 胡桃坂 仁志², 香川 亘¹ (明星大・理工,²早大・院・先進理工/理工研)

1P0611
Hi-Cデータ検索サーバ「ChromContact」の利用

佐藤 哲也, 須山 幹太 (九大・生医研・情報生物)

1P0612
デフォルト神経分化による神経特異的ゲノム刷り込み領域における縦断的エピジェネティック解析

栄徳 勝光¹, 近藤 伸二², 鈴木 稔³, 高田 豊行^{2,4}, 加藤 英政⁵, 城石 俊彦^{2,4}, 菅沼 成文¹, 清澤 秀孔^{1,2} (高知大学・医学部・環境医学教室,²情報・システム研究機構・新領域融合研究センター,³東京大学・新領域創成科学研究科・メディカル情報生命専攻・情報生命科学講座,⁴国立遺伝学研究所・哺乳動物遺伝研究室,⁵埼玉医科大学・ゲノム医学研究センター・トランスレーショナルリサーチ部門)

1P0613

エピソーム型プラスミドベクターの長期培養後にみられるde novo DNAメチル化誘導の解析
菅谷 茂, 松坂 恵介, 船田 さやか, 眞野 恭伸, 福世 真樹, 喜多 和子, 金田 篤志 (千葉大・院・医・分子腫瘍)

1P0614

GABPAは早期G1期における転写の再活性化を促進する
後藤 峻也, 中里 浩章, 高橋 将史, 山内 凜朗, 加藤 大, 柏葉 脩一郎, 村上 康文 (東理大・基礎工・生物工)

1P0615

分裂酵母fbp1の転写抑制時のクロマチン再構築機構の解明
梅田 未来, 廣田 耕志 (首都大・院理工・化学)

1P0616**SmcHD1機能欠損マウス胚におけるX染色体不活性化**

柿原 祐樹¹, 佐々木 裕之¹, Blewitt Marnie², 佐渡 敬³ (九州大学生体防御医学研究所 ゲノム機能制御学部門 エピゲノム制御学分野, ²The Walter and Eliza Hall Institute of Medical Research, ³近畿大学 農学部 バイオサイエンス学科)

1P0617**脂肪細胞のレプチン発現に対するDNAメチル化の意義**

中川 香澄^{1,2}, 黒田 雅士¹, 西口 実佐¹, 堤 理恵¹, 原田 永勝¹, 阪上 浩^{1,2} (徳島大学大学院医歯薬学研究所代謝栄養学分野, ²徳島大学糖尿病臨床・研究開発センター)

1P0618**Structural analysis of histone demethylase LSD2/KDM1B in complex with 2-PCPA derivatives**

Hideaki Niwa^{1,2}, Shin Sato^{1,2}, Mariko Ikeda^{1,2}, Noboru Ohsawa^{1,2}, Motoaki Wakiyama^{1,2}, Shigeyuki Yokoyama^{2,3}, Mikako Shirouzu^{1,2}, Takashi Umehara^{1,2,4} (RIKEN CLST, ²RIKEN SSBC, ³RIKEN Struct. Biol. Lab., ⁴JST PRESTO)

1P0619**ヒト特異的レトロコピーが形成する新規キメラ型転写産物の同定**

鈴木 俊介^{1,2}, 森 沙織¹, 稲垣 隼³, 大島 卓司³, 立石 健³, 林 正晃⁴ (信大・農・近未来・エピゲノミクス, ²信大・先鋭領域・バイオメディカル研究所・代謝ゲノミクス, ³信大・院農・応用生命, ⁴信大・農・応用生命)

1P0620**イルミナHiSeqにおけるソフトウェアのアップデートが全ゲノムバイサルファイトシーケンシングに及ぼす影響**

藤 英博¹, 白根 健次郎¹, 三浦 史仁², 久保 直樹¹, 一柳 健司¹, 須山 幹太³, 伊藤 隆司², 佐々木 裕之^{1,4} (九大・生医研・エピゲノム, ²九大・院医・医化学, ³九大・生医研・情報生物学, ⁴日本医療研究開発機構)

1P0621**ショウジョウバエエピジェネティック制御因子Jumonji(dJmj)/Jard2の精子形成過程における核小体局在を制御する仕組み**

後藤 萌¹, 戸田 成美¹, 吉田 英樹¹, 井上 喜博², 木村 宏³, 山口 政光^{1,2} (京工織・院工芸科学・応生, ²京工織・院工芸科学・昆虫バイオ, ³東工大・院生命理工・生体システム)

1P0622**CBX2によるH3K27me3ヌクレオソーム認識の分子機構**

川口 隆之¹, 町田 晋一², 村越 大夢², 胡桃坂 仁志², 中山 潤一¹ (名古屋大・院・システム, ²早大院・先進理工研)

1P0623**部分的機能欠損Xistアレルからの発現様式の組織差**

中島 達郎^{1,2}, 久木 裕子¹, 佐々木 裕之¹, 佐渡 敬^{1,3} (九大・生医研・エピゲノム制御学, ²九大・院医, ³近畿大・農・バイオサイエンス)

1P0624**転写因子による部位特異的DNA脱メチル化と人為的部位特異的DNA脱メチル化誘導**

鈴木 貴城^{1,2}, 中西(清水) 友理¹, 降旗 絵里奈¹, 前田 紫緒里¹, 木嶋 真美¹, 西村 創¹, 林崎 良英³, 鈴木 治和¹ (理研・CLST・DGT, ²横浜市大・院生命医科学, ³理研・PMI)

1P0625**成体心臓におけるPcgf5 (Polycomb ring finger 5)遺伝子の機能的解析**

白井 学¹, 金 美花², 大谷 健太郎³, 土持 裕胤², 瀧原 義宏⁴, 森崎 隆幸^{1,5} (国循セ・研・分子生物, ²心臓生理, ³再生医療, ⁴大・原研・幹細胞, ⁵阪大院・薬・分子生理病理)

1P0626
Two post-translational modifications in mammalian Bcmt/Cfdp1, a potential epigenetic factor: S250 phosphorylation and K268 acetylation in the conserved C-terminal region

 岩下 新太郎¹, 中島 健太郎², 鈴木 健裕³, 安田 武嗣⁴, 坂本 泰一⁵, 河野 俊之⁶, 高橋 一郎⁷, 小林 孝安⁸, 大野(岩下) 淑子¹, 今城(大海) 忍⁹, 堂前 直⁴, 宋 時栄² (1)いわき明星大・薬・生化, (2)徳島文理大・神経科学研・香川薬学・病態生理, (3)理研 CSRS・生命分子解析ユニット, (4)放医研・緊急被ばく医療研究セ, (5)千葉工大・工・生命環境, (6)北里大・医・生化, (7)薬健栄研・霊長類, (8)東北大・加齢研・プロジェクト研究, (9)東大・医科研)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0627 ~ 1P0671
ゲノムと遺伝情報 -3) DNA複製、DNA組換え、DNAの変異と修復
1P0627
高度好熱菌メガプラスミドの複製にはプラスミドにコードされるリボヌクレオチド還元酵素が必須である
大谷 直人, 富田 勝, 板谷 光泰 (慶大・先端生命研)

1P0628
低線量率ガンマ線照射オス親マウス由来仔マウスに生じた変異の頻度

 小倉 啓司¹, 原田 千尋², 藤川 勝義¹, Ignacia Tanaka-Braga¹, 小村 潤一郎¹, 田中 聡¹ (1(公財)環境科学技術研究所, 2(株)ジェー・エー・シー)

1P0629
大腸菌の*recA*または*dinB*遺伝子の過剰発現による複製フォーク進行の遅延

Kang Wei Tan, Tuan Minh Pham, 吉郡 麻子, 真木 寿治, 秋山 昌広 (奈良先端大・バイオ)

1P0630
高LET重粒子線照射により誘発される2つの異なる染色体間にもたがるクラスター DNA損傷の同定

 新美 敦子¹, 山内 基弘², リムシリチャイクル シリバン³, 関根 峻太⁴, 磯野 真由⁵, 尾池 貴洋⁶, 佐藤 浩史⁷, 鈴木 啓司⁷, 中野 隆史^{1,5,6}, 柴田 淳史⁴ (1群馬大・未来先端研究機構, 2長崎大・原研・放射線生物・防護学分野, 3Silpakorn大・薬学部, 4群馬大・先端科学研究指導者育成ユニット, 5群馬大・重粒子線医学研究センター, 6群馬大・腫瘍放射線学分野, 7長崎大・原研・放射線災害医療学研究分野)

1P0631
遺伝子破壊細胞株を用いたヒトNudixファミリータンパク質の機能解析

 橋口 一成¹, 石井 健士², 早川 浩², 関口 睦夫¹ (1福菌大・先端科学, 2福菌大・老化制御)

1P0632
FTO polymorphisms increase obesity risk more than double in Turkish population

 Mustafa Inanc¹, BEYHAN Geniz², AHMET Uludag³, ALI Saklamaz⁴, Mehmet Zeynel Cilek⁵, LUTFIYE FUSUN Saygili⁶, HUSEYIN Arikani⁷ (1Dep. of Med. Services and Techniques, Vocational Sch. of Health Services, Canakkale Onsekiz Mart Univ., 2Dep. of Med. Genetics, Faculty of Med., Gazi Univ., 3Dep. of Med. Genetics, Faculty of Med., Canakkale Onsekiz Mart Univ., 4Dep. of Nutrition and Dietetics, Faculty of Med., Sifa Univ., 5Dep. of Med. Genetics, Emine-Bahaeddin Nakiboglu Med. Sch., Zirve Univ., 6Internal Med. Dep. of Endocrinology and Metabolism Unit, Faculty of Med., Ege Univ., 7Dep. of Biol., Faculty of Sci., Ege Univ.)

1P0633
酵母Rad59-Rad52複合体の生化学的解析

五月女 美香, 香川 亘 (明星大・理工)

1P0634
高度好熱菌*Thermus thermophilus*の突然変異検出系の構築

 塩谷 詩織¹, 河東 祐季², 江崎 和音², 牧野 耕三^{1,3}, 布柴 達男², 平津 圭一郎^{1,3} (1防衛大・理工研・応化, 2国基大・教養, 3防衛大・応化)

1P0635
ヒト由来ERCC1-XPFエンドヌクレアーゼはDNA中に取り込まれた鎖停止ヌクレオシドアナログを取り除く

 山元 淳平¹, 高畑 千晶¹, 倉岡 功¹, 廣田 耕志², 岩井 成憲¹ (1阪大・院基礎工, 2首都大・院理工)

1P0636
ゲノミクスのアプローチによる出芽酵母ORC制御因子の探索

川西 智人, 川上 広宣, 片山 勉 (九大院・薬・分子生物)

1P0637

発芽酵母Rad51とRad52による直鎖二本鎖DNA多量体の形成促進

崎山 大輝¹, 新井 直人¹, 此村 直人², 柴田 武彦³ (¹日本大・生物資源・応用生物, ²横浜市大院・生体超分子, ³理研)

1P0638

O⁶メチルグアニンによりひき起こされるミスマッチ修復依存のアポトーシス誘導に関わる新規因子の同定藤兼 亮輔¹, 関口 睦夫², 日高 真純¹ (¹福歯大・口腔歯学部・細胞分子生物学, ²福歯大・先端科学研究センター)

1P0639

大腸菌トランスポソンの切り出し反応に関与するIEEタンパク質の機能解析

柳瀬 勇暉, 阿部 大翔, 田坂 徹悟, 関根 靖彦 (立教大・院理・生命理学)

1P0640

シロイヌナズナ根における領域特異的なDNA複製機構のイメージング解析

横山 諒平, 松永 幸大 (東理大・院・理工・応用生物科学)

1P0641

THE NOVEL ROLES OF *DROSOPHILA* MCM10 AND HETEROCHROMATIN PROTEINS IN DNA REPLICATION, DIFFERENTIATION OF PHOTORECEPTOR CELLS AND THE FORMATION OF POSSIBLE MELANOTIC TUMOURSThi Thanh The Vo¹, Sue Cotterill², Eiji Kotani¹, Hideki Yoshida¹, Masamitsu Yamaguchi¹ (¹Dept. of Applied Biol, Kyoto Institute of Tech, ²St Georges, University of London)

1P0642

放射線抵抗性細菌におけるDNA修復応答制御遺伝子ppr1の機能解析

黒澤 飛翔¹, 佐藤 勝也², 鳴海 一成¹ (¹東洋大院・生命科学, ²原子力機構・量子ビーム)

1P0643

DNAの負の超らせん導入下におけるSV40ラージT抗原によるDNA解鎖反応の1分子直接観察

高橋 俊介^{1,2}, 本岡 伸也¹, 川崎 祥平¹, 栗田 弘史², 水野 武³, 松浦 俊一⁴, 水野 彰², 大重 真彦¹, 桂 進司¹ (¹群馬大学・大学院理工学府・環境創生部門, ²豊橋技科大学・大学院工学研究科・環境・生命工学系, ³理化学研究所, ⁴産総研・コンパクト化学システム研究センター, ⁵JSPS特別研究員)

1P0644

蛍光複製タンパク質を用いた1本鎖DNA標識によるDNA合成反応の1分子観察

高橋 俊介^{1,2}, 石川 裕一¹, 柳 基成¹, 小和瀬 聡実¹, 川崎 祥平¹, 栗田 弘史², 水野 武³, 松浦 俊一⁴, 水野 彰², 大重 真彦¹, 桂 進司¹ (¹群馬大学・大学院理工学府・環境創生部門, ²豊橋技科大学・大学院工学研究科・環境・生命工学系, ³理化学研究所, ⁴産総研・コンパクト化学システム研究センター, ⁵JSPS特別研究員)

1P0645

DNA損傷時にWRNIP1はPrimPolと結合する

吉村 明¹, 及川 瑞穂¹, 関 政幸², 榎本 武美¹ (¹武蔵野大・薬・分子細胞生物学, ²東北薬科大・生化学)

1P0646

次世代シーケンサー Ion Protonを用いた哺乳類染色体複製ドメイン構造の解析

柴田 隆豊¹, 緒方 進¹, 緒方 正人², 奥村 克純¹, 竹林 慎一郎² (¹三重大院・生物資源・分子細胞生物学, ²三重大院・医・機能プロテオミクス)

1P0647

イノシン三リン酸分解酵素ITPAの組織特異的欠損マウス作成と解析

土本 大介, 古賀 祐一郎, 米嶋 康臣, 浅田 真司, 中別府 雄作 (九大・生医研・脳機能)

1P0648

Cell cycle-dependent regulation of non-homologous end joining at unprotected telomeres

Anastasiya T Kadiombo, Akimitsu Konishi, Takashi Izumi (Dept. of Biochem., Grad. Sch. of Med., Gunma Univ.)

1P0649

ガンマ線照射後に認められるDSBは、DNA複製ストレスに伴って形成される

皆川 祐輔^{1,2}, 熱海 悠子^{1,2}, 村上 康文², 中釜 斉¹, 吉岡 研一¹ (¹国立がん研究センター研究所 発がん・予防研究分野, ²東京理科大学 基礎工学研究科 生物工学専攻, ³北里大学 理学研究科 生物化学専攻)

1P0650**DNAチェックポイント因子Rad9の分解を促進するCdk-Pik1依存的機構**郡司 未佳¹, 井倉 正枝², 土生 敏行³, 井倉 毅⁴, 古谷 寛治¹ (¹京大・放生研・システム, ²京大・放生研・突然変異・クロマチン制御, ³武庫川女子大)**1P0651****炭素線特異的なDNA end resection機序の解析**萩原 慶彦¹, 磯野 真由², 新美 敦子³, 尾池 貴洋¹, 佐藤 浩史¹, 関根 峻太⁴, 中野 隆史^{1,2}, 柴田 淳史¹ (¹群馬大・院医・腫瘍放射線学, ²群馬大・重粒子線医学研究センター, ³群馬大・未来先端研究機構, ⁴群馬大・先端科学研究指導者育成ユニット)**1P0652****標準マウス系統C57BL/6Jにおける自然発生突然変異の解析法の確立**権藤 洋一¹, 福村 龍太郎¹, 石塚 祐一¹, 小瀧 逸人¹, 牧野 茂¹, 森 一樹², 久原 豊², 豊田 敦³, 藤山 秋佐夫³ (¹理研バイオリソースセンター, ²九大・院農・生命機能, ³遺伝研・比較ゲノム)**1P0653****p53遺伝子欠損マウス細胞での放射線誘発突然変異頻度の解析**

高須賀 貴優, 立花 章 (茨大・院理工・生物)

1P0654**ミスマッチ修復に依存したアポトーシス誘導に関わるクロマチン動態の解析**武石 幸容¹, 藤兼 亮輔², 関口 陸夫¹, 日高 真純² (¹福歯大・先端科学研究センター, ²福歯大・細胞分子生物学)**1P0655****細胞増殖抑制因子 Ebp1 1 および相互作用因子類の DNA 結合能に関する研究**

今村 光均, 伊豆田 俊二 (熊大・院・自然科学)

1P0656**複製ストレス時におけるATR及び関連因子のクロマチン結合動態の解析**

倉重 誠一郎, 吉田 和真, 杉本 のぞみ, 藤田 雅俊 (九大・院薬・医薬細胞)

1P0657**ヌクレオチド除去修復を制御するクロマチン構造動態の解析**各務 恵理菜^{1,2}, 中西 正哉^{1,2}, 酒井 恒^{1,2}, 足立 直子¹, 齋藤 尚亮¹, 田嶋 正二³, 菅澤 薫^{1,2} (¹神戸大・バイオリシグナル, ²神戸大・院理, ³阪大・蛋白質)**1P0658****ヒトORCのDNA結合に及ぼす転写の影響のin vitro解析**

山崎 翠, 保科 祥子, 弓井 絵利夏, 和賀 祥 (日本女子大学 理学部 物質生物科学科)

1P0659**複製開始因子/転写抑制因子AIF-C2のDNA結合における転写の影響**塚澤 真衣¹, 中島 ゆいな¹, 星野 宏味¹, 斎藤 靖史², 堤 賢一², 和賀 祥¹ (日本女子大学 理学部 物質生物科学科, ²岩手大学 農学部 寒冷バイオフィロンティア研究センター)**1P0660****次世代シーケンサーによるニホンウズラ機能的MhcクラスIIB遺伝子座の多様性解析**朝治 桜子¹, 鈴木 進悟², 平野 貴¹, 原 ひろみ¹, 椎名 隆², 半澤 恵¹ (¹東農大・農学, ²東海大・医学)**1P0661****高線量ガンマ線に対するヨコヅナクマムシの応答解明に向けた経時的微量トランスクリプトーム解析**吉田 祐貴^{1,2}, 堀川 大樹³, 坂下 哲哉⁴, 國枝 武和⁵, 桑原 宏和⁵, 豊田 敦⁶, 片山 俊明⁷, 小林 泰彦⁴, 富田 勝^{1,2}, 荒川 和晴^{1,2} (¹慶大・先端生命, ²慶大・環境情報, ³慶大・SFC研, ⁴原子力機構・マイクロビーム細胞照射, ⁵東大・院理・生物化学, ⁶遺伝研, ⁷ライフサイエンス統合データベースセンター)**1P0662****複製フォーク停止に伴う細胞増殖抑制因子Ebp1および複製関連因子の細胞内挙動に関する研究**

池田 桃子, 伊豆田 俊二 (熊大・院・自然科学)

1P0663

真核生物複製ヘリカーゼCMG複合体のクロマチン基質に対する活性

日詰 光治^{1,2}, 矢倉 勝¹, 遠藤 静子¹, 荒木 弘之^{1,2} (¹遺伝研・微生物遺伝, ²総合研究大学院大学)

1P0664

オキサリプラチンによって誘起されるDNA損傷応答とdUTPase遺伝子発現抑制の分子機構

清成 信一^{1,2}, 飯森 真人³, 門松 健治³, 前原 喜彦⁴, 北尾 洋之^{1,3} (¹九大・レドックスナビ, ²名大・医学院・分子生物学, ³九大・医学院・がん分子病態学, ⁴九大・医学院・消化器総合外科)

1P0665

Mcm8-9複合体の生化学的機能解析

金原 良樹^{1,2}, 西村 浩平¹, You Zhiying³, 正井 久雄³, Alessandro Costa⁴, 長尾 恒治⁵, 小布施 力史⁵, 鐘巻 将人^{1,2} (遺伝研・新分野創造センター, ²総研大・遺伝学, ³都医学研・ゲノム医科学, ⁴London Inst., Cancer Res. UK, ⁵北大・生命科学院)

1P0666

DNA複製におけるhINO80の機能解析

山下 迪, 今井 綾香, 寺井 佑里, 浅尾 麻由, 石原 諒子, 加藤 大, 柏葉 脩一郎, 村上 康文 (東理大・基礎工・生物工)

1P0667

姉妹染色分体間接着の確立に必須なEco1アセチラーゼは複製装置中の複数部位と相互作用する

吉村 充顕, 須谷 尚史, 白髭 克彦 (東大・分生研・ゲノム情報)

1P0668

損傷乗り越え複製におけるhINO80複合体の機能解析

今井 綾香, 山下 迪, 寺井 佑里, 浅尾 麻由, 石原 諒子, 足立 知也, 加藤 大, 柏葉 脩一郎, 村上 康文 (東京理・院基礎工・生物工学)

1P0669

DNA-タンパク質クロスリンク損傷の新規な定量法

瀬川 敬文¹, 久保山 政弥¹, 中野 敏彰¹, 徐 徐¹, Amir Salem¹, Mahmoud Shoukamy¹, 平山 亮一², 嶋澤 玲子², 井出 博¹ (広島大・院理・数理分子生命理学, ²放医研・重粒子医科学セ)

1P0670

種々のDNA傷害因子が誘発するDNA-タンパク質クロスリンク損傷の解析

久保山 政弥, 瀬川 敬文, 謝 明章, 合田 美月, Mahmoud Shoukamy, Amir Salem, 井出 博, 中野 敏彰 (広島大・院理・数理分子生命理学)

1P0671

重粒子線照射後のDNA損傷応答におけるNHEJ関連因子XRCC4とArtemisの機能解析

勝部 孝則¹, 劉 強², 王 冰¹, 根井 充¹, 森 雅彦¹, 辻 秀雄¹, 塩見 忠博¹, 小野田 真¹ (¹放射線医学総合研究所, ²中国医学科学院放射医学研究所)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0672 ~ 1P0720

ゲノムと遺伝情報 - 4) 転写調節

1P0672

下流ORFの翻訳量を高めるエンハンサー活性を有する5'非翻訳領域の機能解析

青木 裕美¹, 寺村 浩¹, 榎本 裕介⁵, Mikhail Schepetilnikov², Lyubov A Ryabova², 佐々木 忠将³, 草野 博彰¹, 島田 浩章¹ (¹東京理科・生物工, ²TBMP, Univ. of Strasbourg, ³現 理研, ⁴現 神戸大, ⁵現 広尾学園高校)

1P0673

ヌクレオソーム配置状態の動的変化と遺伝子共発現の関係性

青木 裕一¹, 大林 武¹, 木下 賢吾^{1,2,3} (¹東北大・院・情報科学, ²東北大・加齢医学研究所, ³東北大・ToMMO)

1P0674

PKCシグナル伝達経路の活性化を介してPARP-1はビタミンK2変換酵素UBIAD1遺伝子を正に制御する

廣田 佳久^{1,2}, 中川 公恵², 渡辺 雅人², 須原 義智³, 岡野 登志夫² (¹鈴鹿医療大・衛生薬学, ²神戸薬大・衛生化学, ³芝浦工大・創薬化学)

1P0675

枯草菌胞子形成のトリガー遺伝子である*kinB*の転写制御

藤田 泰太郎, 仁井 里美, 広岡 和丈 (福山大・生物工学)

1P0676

インスリン誘導性時計遺伝子と *SIRT1* 遺伝子の発現相関塚田 見子¹, 浅野 公介², 山田 一哉^{1,2} (¹松本大院・健康科学, ²松本大・人間健康・健康栄養)

1P0677

AhRの活性化過程におけるHDAC6の関与

小林 葵, 下山 修司, 葛西 秋宅, 菊池 英明 (弘前大・農生)

1P0678

転写因子FOXG1による幼虫スポット紋様形成の制御

上村 望, 山口 淳一, 藤原 晴彦 (東大・院新領域・先端生命)

1P0679

脂肪細胞分化におけるGATA因子の発現抑制機構の解析

石嶋 康史, 大森 慎也, 青木 佑介, 采女 愛, 丹野 志保, 前川 悠理, 大根田 絹子 (高崎健康福祉大・薬)

1P0680

YB-1遺伝子発現は骨格筋の分化過程で転写因子の交代によって一定に保たれ、その後神経支配下に移行する

田中 融, 大橋 祥世, 小林 俊亮 (日大・薬・生化学)

1P0681

Knocking the CLPG mutation in the mouse genome partially recapitulates the sheep callipyge phenomenon

Haruko Takeda, Dimitri Pirottin, Carole Charlier, Huijun Cheng, Michel Georges (Animal Genomics, GIGA Research Center and Faculty of Veterinary Medicine, Univ. of Liege, Belgium)

1P0682

イネ苗立枯細菌病菌*Burkholderia plantarii*における三成分制御系TroK, TroR1, TroR2によるトロポロン合成制御システム三輪 瞬平¹, 吉岡 誠訓¹, 紀平 絵梨¹, 仲曾根 薫², 五十嵐 雅之³, 波多野 和樹³, 吉川 博文^{4,5}, 兼崎 友⁵, 江口 陽子⁶, 内海 龍太郎¹ (¹近大院農バイオ, ²近大工, ³微化研, ⁴東京農大応生バイオ, ⁵東京農大ゲノム解析セ, ⁶近大生物理工)

1P0683

Improving the cell conversion efficiency by combination of transcription factors overexpression and knocking-down

Jing-ru Li, Takahiro Suzuki, Hajime Nishimura, Mami Kishima, Shiori Maeda, Harukazu Suzuki (RIKEN Center for Life Science Technologies Division of Genomic Technologies)

1P0684

ストレス下で転写・翻訳の活性を制御する転写因子の探索

吉田 秀司¹, 島田 友裕², 牧 泰史¹, 古池 晶¹, 上田 雅美³, 和田 千恵子³, 和田 明³, 石浜 明⁴ (¹大阪医大・物理, ²東工大・資源研, ³吉田生物研, ⁴法政大・マイクロナノ研)

1P0685

がん原遺伝子RASによる遺伝子サイレンシングの分子機構の解析

舟山 亮, 細金 正樹, 長嶋 剛史, 中山 啓子 (東北大・院・医)

1P0686

p63(TP63)はTCF/ β -カテニンによる遺伝子発現誘導を制御する倉田 俊¹⁻², 福西 菜穂子², 藤室 雅弘³, 畑 隆一郎¹, 加藤 伊陽子^{1,4} (¹神奈川歯大・口腔難治疾患研究セ, ²東京医歯大・難治研, ³京都薬大・細胞生物学, ⁴山梨大学・医・医学教育セ)

1P0687

ヒト表皮角化細胞を用いたセマフォリン3A遺伝子の近位プロモーター領域の解析

鎌田 弥生, 富永 光俊, 梅原 芳恵, 高森 建二 (順天堂大・院医・環境研)

1P0688**進化的アプローチによる熱ショック因子HSF1の転写関連領域の解析**

瀧井 良祐, 藤本 充章, 高木 栄一, 譚 克, 中井 彰 (山口大学・院医・医化学)

1P0689**ラット SHAR-2 遺伝子のインスリンによる発現誘導機構の解析**羽石 歩美¹, 金井 祐起子^{1,2}, 山田 一哉² (¹松本大・人間健康・健康栄養, ²松本大・院健康科学)**1P0690*****Streptococcus intermedius* の *Dily* 遺伝子発現制御領域の探索**

日下 慎也, 友安 俊文, 長宗 秀明, 田端 厚之 (徳島大院・STS・ライフシステム)

1P0691**転写因子ArtAのDNA結合能解析のための新しい手法の開発とその結合部位**

松谷 佐知子 (国立衛研・微生物)

1P0692**クロシヨウジョウバエのペプチドグリカン認識タンパク-LB(PGRP-LB) 転写物の特徴**

北川 浩子 (城西大・理・化)

1P0693**大腸菌べん毛マスターレギュレーター FlhDCの新規転写調節因子の同定と機能解明**増井 祥平¹, 石塚 俊行¹, 石浜 明³, 小笠原 寛^{1,2} (¹信大・院理工・応生, ²信大・ヒト環境・遺伝子, ³法政大・マイクロナノテック研)**1P0694****大腸菌バイオフィーム形成統括因子CsgDの新規転写制御因子の同定と機能解明**石塚 俊行¹, 小笠原 寛², 石浜 明³ (¹信大・院理工・応生, ²信大・ヒト環境・遺伝子, ³法政大・マイクロナノテック研)**1P0695****バイオフィーム統括制御因子CsgDによって制御される新規Curli線毛抑制機構の解明**佐野 晃太郎¹, 小笠原 寛¹ (¹信大・院理工・応生, ²信大・ヒト環境・遺伝子)**1P0696****マウス精母細胞におけるTessp-2遺伝子の転写活性化機構**佐藤 優衣¹, 米田 竜馬^{1,3}, 吉田 郁也^{1,2}, 木村 敦^{1,2} (¹北大・院生命, ²北大・院理, ³埼玉医科大・ゲノム医学研究センター)**1P0697****マウス軟骨・生殖腺特異的Sox9エンハンサーの同定と機能解析**加藤 朋子¹, 原 聡史¹, 玉野 萌恵¹, 小川 湧也¹, 岡安 春佳¹, 乾 雅史¹, 浅原 弘嗣², 高田 修治¹ (¹成育セ・システム発生, ²東医歯大・システム発生)**1P0698****ペリオスチンは正常および異常造血幹・前駆細胞を支持する**前川 品保¹, 田中 里和¹, 今西 梓¹, 矢野 雅也¹, 松原 怜央¹, 長谷川 菜摘¹, 浅野 茂隆^{2,3}, 伊藤 光宏^{1,2,4} (¹神戸大・院保・病態解析, ²早稲田大・ナノライフ創新機構, ³神戸大・院医・システム病態生物, ⁴ロックフェラー大・生化学/分子生物)**1P0699****T細胞におけるCCR7発現制御機構の解析**

竹内 裕美, 八代 拓也, 笠倉 和巳, 西山 千春 (東理大・院基礎工・生物学)

1P0700**Regulation of *Agrobacterium fabrum* hydroxycinnamic acid metabolic pathway**

Thibault Meyer, Sebastien Renoud, Ludovic Vial, Vincent Gaillard, Laurence Loiseau, Xavier Nesme, Gilles Comte, Celine Lavire (Microbial Ecology Laboratory, UMR CNRS 5557, USC INRA 1364, Univ. of Lyon 1)

1P0701**マウスランゲルハンス細胞においてCd207遺伝子は転写調節因子PU.1によって転写制御される**

中村 秀輔, 八代 拓也, 笠倉 和巳, 西山 千春 (東理大・院基礎工・生物学)

1P0702**出芽酵母コリプレッサー Tup1pのヒストン結合領域がもつ新たな役割**

田中 直子, 向 由起夫 (長浜バイオ大院・バイオサイエンス)

1P0703**ショウジョウバエ転写因子DREFとその相互作用因子群との細胞内相互作用の可視化**吉野 那月¹, The Thi Thanh Vo^{1,2}, 廣瀬 富美子³, Mario Zurita¹, 吉田 英樹^{1,2}, 山口 政光^{1,2} (¹京都工織・応用生物, ²京都工織・昆虫バイオメディカル研究センター, ³兵庫県立大学・生命理学, ⁴メキシコ国立自治大学)**1P0704****Bacterial Two-Hybrid法による二成分制御系のヒスチジinkinナーゼ間の相互作用の探索**羽田 朋子¹, 江川 広紀², 江口 陽子², 内海 龍太郎¹ (¹近大・院農・バイオ, ²近大・生物理工・食品衛生管理学)**1P0705****MED1結合蛋白CCAR1とCoCoAはPPAR γ 2誘導性の白色脂肪細胞分化を司る**武元 優允¹, 松井 啓治¹, 前川 茜¹, 長崎 洋樹¹, 井之上 菜名子¹, 物延 沙耶¹, 今西 梓¹, 長谷川 菜摘¹, Robert G. Roeder³, 伊藤 光宏^{1,2,3} (¹神戸大・院保・病態解析, ²早稲田大・ナノ/ライブ創新研究機構, ³ロックフェラー大・生化学/分子生物)**1P0706****CpGオリゴ核酸によるTLR9を介した転写制御機構の解析**山本 誠司^{1,2}, 萩原 榮子², 堀内 祥行², 奥井 文², 和仁 翔太郎¹, 吉田 徳幸^{3,4}, 井上 貴雄³, 田中 亜紀¹, 松久 明生², 廣瀬 豊¹, 大熊 芳明^{1,5} (¹富山大・院薬, ²扶桑薬品・研開, ³国立衛研, ⁴阪大・院薬, ⁵長崎大・医)**1P0707****AICAR によるインスリン誘導性転写因子 SHARP-2 遺伝子の発現調節機構の解析**

柳澤 有希, 山田 一哉 (松本大院・健康科学)

1P0708**出芽酵母のRNAポリメラーゼII系遺伝子における新規コアプロモーターエレメントの同定ならびにその機能解析**
渡邊 清, 矢部 誠, 古久保 哲朗 (横市大院・生命医)**1P0709****線虫におけるCRISPR/cas9ゲノム編集技術を用いた転写因子DAF-16の転写活性化能欠損変異体の樹立**新生 翔¹, 大徳 浩照^{1,2}, 金子 悠太¹, 深水 昭吉^{1,2} (¹筑波大・院・生命環境, ²筑波大・TARA)**1P0710****鞭毛レギュロンを制御するグローバルネットワーク**

宮川 暁, 番掛 和弘 (岡大・院自然科学・生物科学)

1P0711**ショウジョウバエDNAヘリカーゼRecQ5の発現制御機構**河村 香寿美¹, 桜井 晴奈², 筒井 彩夏², 吉岡 泰秀¹, 川崎 勝己¹ (¹摂南大・理工・生命科学・分子生物, ²摂南大・薬・生化学)**1P0712****概日時計抑制因子PERとCRYの時間依存的な標的遺伝子プロモーターへの結合**嶋谷 寛之¹, 土居 雅夫^{1,2}, 岡村 均^{1,2} (¹京大・院薬・医薬創成情報科学, ²科学技術振興機構・CREST)**1P0713****顕花植物の光依存転写制御の解析**

井戸(宮崎) 綾香, 岩田 真也, 岩田 有加, 藤井 冬馬, 湯川 泰 (名市大院・システム自然科学)

1P0714**ヒトとマウスにおける転写制御情報を用いたp38alpha MAPK基質のクラスター分析**阿子島 圭¹, 宮崎 智² (¹東理大・院薬・薬科学, ²東理大・薬・生命創薬科学)**1P0715****TFIIAによるTLPの安定化によるDNA傷害応答制御機構**

磯貝 桃子, 鈴木 秀文, 田村 隆明 (千葉大・院理)

1P0716

miRNA Regulation of the Unique Expression of ADAMT51 at Acute Hypoxia

Mehmet Zeynel Cilek¹, Mehri Igci², Filiz Gulsen³ (¹Zirve Univ. Emine Bahaeddin Nakiboglu Sch. of Med. Dept. of Medical Genetics, ²Gaziantep Univ. Sch. of Med. Dept. of Medical Biology, ³Zirve Univ. Inst. of Health Sci. Dept. of Medical Biochemistry)

1P0717

ADAMT59 Has Unique mRNA Expression Pattern at Hypoxic Endothelial Cells

Candan Sanli¹, Mehmet Zeynel Cilek², Filiz Gulsen³, Fatma Taskin¹, Nesibe Cataltas¹, Humeyra Yuceturk¹, Gulnur H Sagliksever¹ (¹Zirve Univ. Emine Bahaeddin Nakiboglu Sch. of Med., ²Zirve Univ. Emine Bahaeddin Nakiboglu Sch. of Med. Dept. of Medical Genetics, ³Zirve Univ. Inst. of Health Sci. Dept. of Medical Biochemistry)

1P0718

T-box転写因子eomesoderminはマウス胸腺腫BW5147細胞においてIfng遺伝子座の複数の保存された非コード配列に結合する

原田 美鈴¹, 福岡 菜月¹, 西田 愛¹, 伊藤 ゆう子¹, 塩田 秀樹^{1,2}, 片岡 孝夫^{1,2} (¹京都工芸繊維大学大学院工芸科学研究科応用生物学専攻, ²東京工業大学バイオ研究基盤支援総合センター)

1P0719

新規エピゲノム因子Brd4を介した単回のグルコース応答性炎症関連遺伝子の発現持続機構

今井 千裕¹, 望月 和樹², 久保田 健夫³, 合田 敏尚¹ (¹静県大・薬食専攻, ²山梨大・生命環境, ³山梨大・医学部)

1P0720

フルクトース誘導性の肝臓代謝関連遺伝子のBrd4を介した発現調節機構

山田 有純¹, 本間 一江¹, 望月 和樹², 久保田 健夫³, 合田 敏尚¹ (¹静岡県大院 薬食生命科学, ²山梨大学 生命環境学部 地域食物科学科, ³山梨大学 医学部 環境遺伝医学講座)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0721 ~ 1P0764

ゲノムと遺伝情報 -5) RNAプロセッシング、輸送、翻訳、非コードRNA

1P0721

RNA結合タンパクFUSによる転写開始制御の解析

武田 淳一, 増田 章男, 大野 欽司 (名大・院医・神経遺伝)

1P0722

NOVA2 roles in the central nervous system development and HITS-CLIP application into neural cell type-specific resolution in vivo

Yuhki Saito, Robert B. Darnell (Laboratory of neuro-oncology)

1P0723

CRISPR-Cas9システムを用いたカイコpiRNA因子変異培養細胞株の作製

細山田 舜, 佐藤 薫, 塩見 美喜子 (東大・院理・生物学)

1P0724

TRA2 β 4とnucleolinの相互作用を介した大腸癌細胞増殖メカニズムの解明

佐竹 謙, 桑野 由紀, 狩野 静香, 藤田 絹代, 板井 美樹, 田中 裕基, 西田 憲生, 六反 一仁 (徳大・院医・病態生理学)

1P0725

Regulatory network prediction of microRNA, long non-coding RNA and mRNA interactions in HIV-1 infection and pathogenesis

Neil H. Tan Gana^{1,2}, Leo Lope M. Lofranco², Hadrian Paulo M. Lim³, Ann Florence B. Victoriano¹, Hiroyuki Kato⁴, Takashi Okamoto¹ (¹Dept. of Mol. and Cell. Biol., Nagoya City Univ. Grad. Sch. of Med. Sci., ²Dept. of Bio., Sch. of Sci. and Eng., Ateneo de Manila Univ., ³Dept. of E.C.C.E. Sch. of Sci. and Eng., Ateneo de Manila Univ., ⁴Cancer Biol. Prog., Cancer Sci. Inst. of Singapore, Natl. Univ. of Singapore Centre for Translational Med.)

1P0726
Investigation of molecular mechanism of *yki* mRNA targeted to the endoplasmic reticulum in SRP-independent pathway

Takanari Umegawachi¹, Hiromu Koshida¹, Momoko Yamada¹, Kazuma Usui¹, Tetsuya Sato², Mikita Suyama², Megumi Ito³, Yasuyuki Ohkawa³, Masamitsu Yamaguchi⁴, Krause M. Henry^{5,6}, Hideki Yoshida^{1,4} (¹Dept. of Appl. Biol., Kyoto Inst. of Technol., ²Div. of Bioinfo., Med. Inst. of Bioregulation, Kyushu Univ., ³Dept. of adv. Med. Initiatives, Fac. of Med., Kyusyu Univ., ⁴Insect Biomed. Res. Ctr., Kyoto Inst. of Technol., ⁵Banting and Best Dept. of Med. Res., Univ. of Toronto, ⁶Terrence Donnelly CCB, Univ. of Toronto, 7) Dept. of Med. Genetics and Microbiol., Univ. of Toronto)

1P0727
RNAサイレンシングと抗ウイルス応答のクロストーク機構の解析

中野 悠子¹, 高橋 朋子¹, 尾野本 浩司², 米山 光俊², 程 久美子^{1,3} (¹東京大学大学院理学系研究科生物科学専攻, ²千葉大学真菌医学研究センター, ³東京大学大学院新領域創成科学研究科メディカル情報生命専攻)

1P0728
RNA-seqの結果からの網羅的プロテオーム解析による新規蛋白質の探索

宮嶋 伸行 (株)次世代生命研)

1P0729
染色体分離を制御するSatellite I ncRNP複合体におけるIMP-3の機能

本田 杏子¹, 井手上 賢¹, 長 裕紀子¹, 荒木 令江², 谷 時雄¹ (熊本大・自然科学, ²熊本大・生命科学)

1P0730
肝臓がんで発現上昇するノンコーディングRNA

橋本 浩介¹, Ana Maria Suzuki¹, Alexandre Dos Santos², Christophe Desterke², Emilie Braun², Alessandro Bonetti¹, Alexandrick Fort¹, Xian-Yang Qin¹, Bogumil Kaczkowski¹, Alistair R.R. Forrest¹, Soichi Kojima¹, Didier Samuel², Marie Annick Buendia², Jamila Faivre², Piero Carninci¹ (¹理化学研究所, ²INSERM)

1P0731
Poly(A)denylome analysis to examine target transcripts of Nocturnin, a circadian deadenylase

Shihoko Kojima^{1,2}, Kerry L. Gendreau¹, Veronica C. Taylor¹, Elaine L. Sher-Chen², Carla B. Green² (¹Dept. of Biol. Sci., V.B.L., Virginia Tech, ²Dept. Neurosci., UT Southwestern Med Ctr)

1P0732
Genome-wide identification of A-to-I editing in human miRNA by ADAR isoform-specific RIP-sequencing

石黒 宗^{1,2}, ガリボン ジョセフィース¹, 石井 倫太郎³, 鈴木 穰³, 近藤 伸二¹, 岡田 眞里子⁵, 富田 勝³, 程 久美子^{1,3} (¹東大・理院・生物科学, ²慶大・先端生命, ³東大・新領域・情報生命, ⁴国立極地研, ⁵理研・統合生命医科学)

1P0733
植物において翻訳促進機能を有するアンチセンスRNAの網羅的探索

御田 洋介¹, 松浦 秀幸¹, 高橋 弘喜², 岸田 百世¹, 加藤 晃³, 平田 收正¹ (¹阪大・院薬, ²千葉大・真菌, ³奈良先端大・バイオ)

1P0734
病原性大腸菌O157株が持つType Iトキシン-アンチトキシン系*z3289-sRNA1*の発現制御

多田 峻佑¹, 高橋 知里², 増田 道明², 米崎 哲朗¹, 大塚 裕一² (¹阪大・院理・生物科学, ²獨協医大・医・微生物学)

1P0735
Small Regulatory RNA Esr41に結合するタンパク質複合体解析

須藤 直樹¹, 齋藤 健太¹, 相馬 亜希子², 伊豫田 淳³, 関根 靖彦¹ (¹立教大・理・生命理学, ²千葉大・園芸, ³国立感染症研究所・細菌第一部)

1P0736
HfqによるsRNA非依存的な遺伝子発現抑制機構の解析

齋藤 健太^{1,2}, 須藤 直樹¹, 相馬 亜希子², 伊豫田 淳³, 関根 靖彦¹ (¹立教大学・理・生命理学, ²千葉大・園芸, ³国立感染症研究所・細菌第一部)

1P0737
二種類の線虫ダイサー関連リカーゼの生化学的性状解析

杉野 美里¹, 渡部 周二¹, 洲崎 和真¹, 広瀬 佑², 浴 俊彦¹ (¹豊橋技科大・院工・環境生命, ²豊橋技科大・EIIRIS)

1P0738

RNA結合タンパク質遺伝子*hfg*と合成致死になる遺伝子の探索小野田 千鶴¹, 須藤 直樹¹, 野村 航², 森 浩禎², 関根 靖彦¹ (¹立教大・理・生命理, ²奈良先端大・バイオ)

1P0739

ペプチジル tRNA 加水分解酵素の構造・機能解析上原 祐二¹, 伊東 孝祐¹, 村上 僚¹, 松本 愛弥¹, 三好 智博¹, 清水 義宏², 横川 隆志³, 上田 卓也⁴, 内海 利男¹ (¹新潟大院・自然研・生命食料, ²理研・生命システム研究センター, ³岐阜大院・工・化学生命工学, ⁴東京大院・新領域・メディカル情報生命)

1P0740

翻訳終結段階および異常停止時におけるリボソームストークタンパク質のはたらき今井 大達¹, 三好 智博², 伊東 孝祐¹, 内海 利男¹ (¹新潟大院・自然科学・生命食料科学, ²新潟大・超域)

1P0741

piRNA増幅機構ping-pong cycleに関わるVasa様タンパク質の同定と機能解析

榊原 和洋, 西田 知訓, 塩見 美喜子 (東大・院理・生物科学)

1P0742

高温ストレス条件下の植物における転写開始点とmRNA翻訳状態の網羅的解析岸田 百世¹, 松浦 秀幸¹, 高橋 弘喜², 岡本 晃典¹, 御田 洋介¹, 加藤 晃³, 平田 収正¹ (¹阪大・院薬, ²千葉大・真菌, ³奈良先端大・バイオ)

1P0743

新規神経分化関連microRNAの探索

山路 隆平 (岡大・院自然)

1P0744

Xist RNAの核内係留因子を探索する系の確立千木 雄太¹, 佐々木 裕之², 佐渡 敬¹ (¹近畿大・院・農・バイオサイエンス, ²九州大・生医研)

1P0745

翻訳伸長停滞に起因する品質管理機構の解析池内 健¹, 佐藤 史弥¹, 松尾 芳隆¹, 土屋 光², 佐伯 泰², 田中 啓二², 稲田 利文¹ (¹東北大・院薬, ²都医学研)

1P0746

NRDにおけるリボソームのユビキチン化の機能解析

市村 淳, 池内 健, 稲田 利文 (東北大・院薬・遺伝子制御薬学)

1P0747

肝臓におけるCNOT8によるEgfr発現制御機構の解析松木 泰子¹, 高橋 明格², 山本 雅², 稲田 利文¹ (¹東北大・院薬・生命薬科学, ²沖縄科学技術大学院大学)

1P0748

ゼブラフィッシュを用いたダイヤモンド・ブラックファン貧血の新たな原因遺伝子の同定石田 詩織¹, 上地 珠代¹, 池田 史圭², 土岐 力², 吉田 健一³, 小川 誠司³, 伊藤 悦朗², 剣持 直哉¹ (¹宮崎大・フロンティア, ²弘前大・医・小児科, ³京大院・医・腫瘍生物学)

1P0749

Post-transcriptional regulation of RNA abundance under hypoxiaSho Maekawa¹, Sumio Sugano¹, Nobuyoshi Akimitsu², Yutaka Suzuki¹ (¹Dept. of Comp. Biol. and Med. Sci, Grad. Sch. of Front. Sci, Univ. of Tokyo, ²Radioisotope Center, Univ. of Tokyo)

1P0750

乳酸菌におけるAUAコドン翻訳のゆらぎ富川 千恵¹, Sylvie Auxilien², Vincent Guerineau³, 吉岡 裕也¹, 三好 規代¹, 堀 弘幸¹, 高井 和幸¹, 吉澤 聡子² (¹愛媛大学・院理工, ²I2BC・CNRS, ³ICSN・CNRS)

1P0751

二本鎖RNA結合タンパク質TRBPとHIV-1 TAR RNAおよびmicroRNAとの相互作用小森 千晶¹, 高橋 朋子², 村上 文則², 程 久美子^{1,2,3} (¹東大・理・生物情報, ²東大・院理・生物科学, ³東大・院新・情報生命)

1P0752
好熱菌tRNA硫黄修飾塩基の生成機構

 朝井 真一¹, 渡辺 公綱¹, 嶋 直樹¹ (¹JBIC・JBIRC, ²産総研・BIRC, ³産総研・創薬基盤)

1P0753
古細菌リボソームにおける種特異的な翻訳因子受容性をもたらす分子要因

須田 真広, 今井 大達, 三好 智博, 伊東 孝祐, 内海 利男 (新潟大院・自然科学・生命食料科学)

1P0754
リボソームストロークC末端と翻訳因子間の結合親和性の分析

丸山 圭, 三好 智博, 伊東 孝祐, 内海 利男 (新潟大・理・生物)

1P0755
TPD52mRNAの転写後遺伝子発現制御機構の検索

本橋 宏美, 椋代 義樹, 加藤 光佑, 伊藤 千洋, 近藤 誠二, 代田 達夫 (昭和大・歯・口腔外科)

1P0756
SINEUP: AS long non-coding RNAs for targeted translation enhancement

 Harshita Sharma¹, Hazuki Takahashi¹, Ana Kozhuharova¹, Silvia Zucchelli^{2,3}, Stefano Gustincich², Piero Carninci¹ (¹Division of Genomic Technologies, RIKEN Center for Life Science Technologies, Yokohama, Japan, ²Area of Neuroscience, International School for Advanced Studies (SISSA), Trieste, Italy, ³Dipartimento di Scienze della Salute, Università del Piemonte Orientale, Novara, Italy)

1P0757
セロトニン2C型受容体mRNAにおける2'-O-メチル化とA-to-I編集の相互作用

大蔵 一聡, 山口 彰太, 福田 将虎, 弟子丸 正伸 (福岡大・理・化学)

1P0758
Neuronal SH-SY5Y cells use the C-dystrophin promoter coupled with exon 78 skipping and display multiple patterns of alternative splicing including two intronic insertion events

 Atsushi Nishida¹, Maki Minegishi^{1,2}, Atsuko Takeuchi², Hiroyuki Awano³, Niba T. E. Emma¹, Masafumi Matsuo¹ (¹Dept. of Med. Rehab, Fac. of Rehab., Kobegakuin Univ., ²Kobe pharm. Univ., ³Dept. of Pediatr., Grad. Sch. of Med., Kobe Univ.)

1P0759
ゼブラフィッシュを用いたリボソーム病発症メカニズムの解明

 上地 珠代¹, 中島 由香里¹, 吉浜 麻生¹, 鈴木 穰², 菅野 純夫², 剣持 直哉¹ (¹宮崎大・フロンティア, ²東大・新領域)

1P0760
ミツバチの羽化後成熟過程におけるRNA編集の変動

 犬塚 美和¹, 野本 有華¹, 友池 真紀¹, 藍 浩之², 弟子丸 正伸¹ (¹福岡大・理・化学, ²福岡大・理・地球圏科学)

1P0761
eIF4Aファミリータンパク質の機能性ドメインの互換性検証

 奥村 知之^{1,2}, 田村 浩二^{1,3}, 伊藤 耕一² (¹東京理大・基礎工・生物工学, ²東大・新領域・メディカル情報生命, ³東京理大・総合研究院)

1P0762
改変U1 snRNAを用いた変異カテプシンAスプライス異常の修復

 木村 麻里安¹, 金澤 慶祐¹, 斎藤 朱里¹, 山崎 尚志¹, 池 啓伸², 伊藤 孝司², 南川 典昭³, 滝口 祥令¹ (¹徳島大学・薬学部・薬物治療学, ²徳島大学・薬学部・創薬生命工学, ³徳島大学・薬学部・生物有機化学)

1P0763
分裂酵母における減数分裂特異的な転写産物の空間的制御は発現抑制に重要である

七野 悠一, 山下 朗, 山本 正幸 (基礎生物学研究所)

1P0764
Analysis of long non-coding RNAs functions in the human genome

Supat Thongjuea, Jordan Ramilowski, Chung-Chau Hon, Jae Woo Shin, Takeya Kasukawa, Naoto Kondo, Masayoshi Itoh, Harukazu Suzuki, Michiel J.L. De Hoon, Piero Carninci (RIKEN Center for Life Science Technologies (Division of Genomic Technologies), RIKEN Yokohama Institute)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0765 ~ 1P0777

ゲノムと遺伝情報 -6) その他**1P0765****FAM213Aのアミノ酸変異が繁殖能力に及ぼす影響**杉本 真由美¹, 杉本 喜憲² (家畜改良センター, ²動物遺伝研究所)**1P0766****ハトclaw ケラチン遺伝子群の解析**

高橋 理恵子 (城西大・理学・分析)

1P0767**転移因子SINEの転移増幅機構解析**

小暮 修司 (東工大・院理・生体システム)

1P0768**転移因子LINEタンパク質のRNA認識機構**

松本 拓磨, 梶川 正樹 (東工大 生命理工学科 生体システム専攻)

1P0769**LINE RNAを特異的に認識するペプチドの構造解析**大津 舞菜¹, 梶川 正樹², 河合 剛太¹ (¹千葉工大・工, ²東工大・院生命理工)**1P0770****病原性大腸菌O157株が持つType I トキシン-アンチトキシン系 *z3289-sRNA1* の毒性の分子機構**大塚 裕一¹, 米崎 哲朗², 増田 道明¹ (¹獨協医大・医・微生物学, ²阪大・院理・生物科学)**1P0771****HCVゲノムRNAのNS5Bタンパク質コード領域におけるRNA-RNA相互作用の解析**片平 智子¹, 松永 美穂¹, 大友 裕貴¹, Pratima Chaudhuri², 河合 剛太¹ (¹千葉工大・工, ²Amity Inst. of Bio. Tech., Amity Univ.)**1P0772****NGSデータを用いたトランスポゾン挿入解析**

早野 崇英, 山田 忠郎, 中岡 博史, 井ノ上 逸朗 (遺伝研・人類遺伝)

1P0773**腸管出血性大腸菌O157株のStx2ファージとべん毛遺伝子群の双方向的制御**満仲 翔一¹, 須藤 直樹¹, 相馬 亜希子², 伊豫田 淳³, 関根 靖彦¹ (¹立教大・理・生命理学, ²千葉大・園芸, ³国立感染症研究所・細菌第一部)**1P0774****カイコがABCトランスポーター ABCB, ABCC mRNA発現解析**山野 史佳¹, 伊藤 克彦¹, 横山 岳¹, 坊農 秀雅², 天竺桂 弘子¹ (¹農工大院・農, ²DBCLS)**1P0775****抗ウイルス因子MAVSの一塩基多型**Fei Xing¹, 松宮 朋穂¹, 早狩 亮¹, 吉田 秀見¹, 高橋 一平², 中路 重之², 今泉 忠淳¹ (¹弘前大・院医・脳血管病態学, ²弘前大・院医・社会医学)**1P0776****川上犬における色素型スイッチ遺伝子多型と毛色の関係**小黑(岡野) 美枝子^{1,2}, 小方 宗次¹, 岡野 桂樹² (¹ヤマザキ学園大・動物看護, ²秋田県立大・生物資源)**1P0777****カイコとクワコの染色体置換による家畜化の過程で生じた量的形質変化の再現と遺伝的メカニズム解析**竹田津 桜¹, 内梨 菜摘¹, 門野 敬子², 伴野 豊², 小林 淳¹ (¹山口大・院農・生物資源, ²九大・院農, ³生物研)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0778 ~ 1P0787

バイオテクノロジー、新領域、進化-1) バイオインフォマティクス
1P0778
がん関連タンパク質/遺伝子相互作用データベースCancerProViewの新しい機能

満山 進 (慶應大・医・遺伝子医学)

1P0779
統合的シングルセルデータベースの開発

野口 修平, Imad Abugessaisa, Michael Boettcher, 河野 掌, Timo Lassmann, Piero Carninci, Jae Woo Shin, Charles Guillaume Plessy, 粕川 雄也 (理研・CLST)

1P0780
運動能が亢進したSPORTSラットの遺伝子発現解析

 堀口 大吾¹, 三好 圭子¹, 谷村 綾子¹, Hiroko Hagita¹, 宮武 由美子², 阪上 浩², 野間 隆文¹ (¹徳島大・院医歯薬・分子医化学, ²徳島大・院医歯薬・代謝栄養学)

1P0781
ゲノム3次元構造データに基づく共局在遺伝子の網羅的探索

斎藤 裕, 光山 統泰 (産総研・創薬基盤)

1P0782
次世代シーケンサーのベースコール精度の検証

松本 秀太, 中村 建介 (前工大・院工・生命情報)

1P0783
メタゲノム配列群集からのウイルスゲノムの検出と系統推定手法の開発

 佐藤 研朗¹, 池村 淑道², 阿部 貴志¹ (新潟大院・自然科学, ²長浜バイオ大)

1P0784
生命科学系データベースに含まれる外部データベースへのリンク及びダウンロードデータの状況調査と傾向分析

 大波 純⁻¹, 信定 知江¹, 畠中 秀樹¹, 宮崎 敦子¹, 杉崎 太一郎², 平井 信一², 牧口 大旭², 大久保 克彦³, 井上 圭介^{1,4}, 川本 祥子^{5,6}, 高木 利久^{1,7,8} (¹科学技術振興機構・バイオサイエンスデータベースセンター, ²三井情報・バイオメディカル, ³日立製作所/情報・通信システム, ⁴日立公共システム・自治2, ⁵情報・システム研究機構・ライフサイエンスデータベースセンター, ⁶近畿大・院総合理工・遺伝カウンセラー, ⁷遺伝研・DDBJセンター, ⁸東大・院理・生物科学)

1P0785
ゲノムワイドアプローチによる日本人侵襲性歯周炎の疾患関連遺伝子探索

 北垣 次郎太¹, 宮内 静香¹, 今井 敦子³, 朝野 仁裕³, 河合 伸浩², 道上 郁美², 山下 元三¹, 山田 聡¹, 北村 正博¹, 村上 伸也¹ (¹阪大・院歯・口腔分子免疫制御学講座・口腔治療・歯周科, ²阪大・院歯・口腔科学フロンティアセンター・「口の難病」プロジェクト, ³阪大・院医・循環器内科学)

1P0786
遺伝子データベースアノテーションのクラスタリング

村上 勝彦 (東京工科・応用生物)

1P0787
Vibrio spp. is implicated in "ice-ice" disease in *Kappaphycus alvarezii* as revealed by whole genome sequencing

Wilberto D. Monotilla, Edward William K Uy, Joanna Marie Perez, Cynthia Palmes-Saloma (National Institute of Molecular Biology and Biotechnology, University of the Philippines-Diliman)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0788 ~ 1P0798

バイオテクノロジー、新領域、進化-2) システムバイオロジー、合成生物学
1P0788
合成生物学の展開に向けた光応答性大腸菌の創成

岡 駿佑, 堀 慎佑子, 杉江 よしみ, 大塚 北斗, 齋場 浩文 (名大・院創薬・微生物)

1P0789**定量的実験と数学モデルによるNF-kappaB活性化システムの統合解析**

井上 健太郎, 篠原 久明, 岡田 真里子 (理研・IMS・統合細胞システム)

1P0790**バイオミメティックパラメロンモデルによるDNAナノ構造体の固有振動制御機構の解析**

平林 美樹 (情報通信研・未来ICT・バイオICT)

1P0791**インスリン時間パターン依存的な遺伝子発現の選択的応答**佐野 貴規¹, 川田 健太郎², 角田 裕品¹, 久保田 浩行³, 宇田 新介³, 柚木 克之², 藤井 雅史², 国田 勝行², 星野 太佑², 鈴木 稔¹, 黒田 真也^{1,2} (¹東京大学・大学院新領域創成科学研究科・メディカル情報生命専攻, ²東京大学・大学院理学系研究科・生物科学専攻, ³九州大学・生体防御医学研究所・トランスオミクス医学研究センター・統合オミクス分野)**1P0792****仮想代謝ネットワークの分類**

太田 潤 (岡山大・院医歯薬総・生化学)

1P0793**脱水・再水和操作を用いた組換えバキュロウイルス膜融合法によるプロテオリポソーム調製**

中西 航平, 西上 美佐子, 富田 昌弘, 湊元 幹太 (三重大・院工・分子生物工学)

1P0794**生命動態情報と細胞・発生画像情報の統合データベースSSBD**

京田 耕司, 遠里 由佳子, ホー ケネス, 大浪 修一 (理研QBiC・発生动態)

1P0795**B細胞の生存を制御する内因性および外因性要素の数理解析の試み**安田 翔也¹, Ji-Yang Wang², 山村 雅幸¹ (¹東工大・院総理・知能システム, ²復旦大・基礎医・免疫)**1P0796****人工遺伝子回路を組み込んだ大腸菌の遺伝子発現解析**百瀬 一樹¹, 酒井 洋子¹, 横森 真麻¹, 柘植 謙爾², 陶山 明¹ (¹東大・総文・生命環境, ²慶応大・先端生命研)**1P0797****光遺伝学による遺伝子発現リズムの動的応答の定量計測**磯村 彰宏^{1,3}, 小串 典子^{3,4}, 郡 宏^{3,4}, 影山 龍一郎^{1,2,3} (¹京大・ウイ研, ²京大・iCeMS, ³JST, CREST, ⁴お茶大・院情報)**1P0798****摂動に対するカイコ培養細胞株BmN4-SID1のトランスクリプトーム変化とその情報を利用したネットワークモデリング**佐藤 昌直^{1,2}, 門 宏明³, 徐 劍³, 李 在萬³, 笠嶋 めぐみ⁴, 鈴木 誉保⁴, 坪田 拓也⁴, 小林 悟⁵, 瀬筒 秀樹⁴, 日下部 宜宏³ (¹慶應義塾大学先端生命科学研究所, ²慶應義塾大学大学院政策・メディア研究科, ³九州大学大学院生物資源環境科学府, ⁴農業生物資源研究所遺伝子組換えカイコ研究開発ユニット, ⁵筑波大学生命領域学際研究センター)

ポスター会場3(神戸国際展示場2号館1F)

1P0799 ~ 1P0808**バイオテクノロジー、新領域、進化-3)分子進化、分類****1P0799****クサリヘビ科ヘビの毒ホスホリパーゼA₂遺伝子の形成と起源**山口 和晃¹, 千々岩 崇仁¹, 池田 直樹¹, 林 みず紀¹, 柴田 弘紀², 上田(小田) 直子³, 服巻 保幸², 服部 正策⁴, 大野 素徳¹ (¹崇城大・院工・応用生命科学, ²九大・生医研・トランスオミクス医研, ³崇城大・薬・生化研, ⁴東大・医科研)**1P0800****n-gram塩基出現頻度に基づく微生物系統樹解析**中野 善夫¹, 桑田 文幸¹, 谷口(鈴木) 奈央² (¹日大・菌・化学, ²福歯大・口腔健康科学)**1P0801****Graph Splitting法：トワイライトゾーンを越える新たな系統解析アプローチ**松井 求^{1,2}, 岩崎 渉¹ (¹東大・院理・生物学, ²日本学術振興会)

1P0802
大腸菌高温適応進化におけるシャペロニンGroEL遺伝子変異による有害変異緩衝効果の解析

 岸本 利彦¹, 大村 真優子¹, 宇都 真菜¹, 成沢 大¹, 松浦 梨恵¹, 四方 哲也² (¹東邦大・理・生物分子, ²阪大・院情報科学・バイオ情報)

1P0803
大腸菌高温適応進化系における高変異率進化機構の解析

 成沢 大¹, 岸本 利彦², 四方 哲也² (¹東邦大・理・生物分子, ²阪大・院情報科学・バイオ情報)

1P0804
和歌山県なれずし由来微生物のクローンライブラリー法による16S rRNA遺伝子解析

 浜地 由衣¹, 永井 航太¹, 藤本 大樹¹, 前川 成美¹, 芳岡 捺美¹, 金本 真裕¹, 井上 翔太², 大岩 由利恵³, 佐藤 高則³ (¹徳島大・総科・生化, ²徳島大院・総科・生化, ³徳島大院・SAS・生化)

1P0805
和歌山県妙法鉱山跡採掘滓に生育する重金属耐性微生物の探索

 浜地 由衣¹, 大岩 由利恵², 芳岡 捺美¹, 金本 真裕¹, 井上 翔太², 西山 賢一³, 佐藤 高則³ (¹徳島大・総科・生化, ²徳島大院・総科・生化, ³徳島大院・SAS研究部)

1P0806
アボトシス制御因子c-FLIPの分子系統学並びに構造バイオインフォマティクス解析

 酒巻 和弘¹, 岩部 直之², 今井 賢一郎³, 岩田 浩明⁴, 富井 健太郎⁵ (¹京大・院生命科学, ²京大・院理, ³産総研・創薬基盤, ⁴先端医療セ・医薬品開発)

1P0807
宿主遺伝子化したLTR型レトロエレメントの非コード領域の進化解析

 藤 博幸¹, 大安 裕美² (¹関西学院大・理工・生命医化, ²阪大・情報科学・バイオ情報)

1P0808
魚類胃キチナーゼアインザイムの構造と進化

 池田 愛^{1,2}, 近藤 雄次郎², 嘉穂 洋陸¹, 松宮 政弘² (¹慈恵医大・熱医, ²日大・生物資源・海洋生物)

ポスター会場3(神戸国際展示場2号館1F)

1P0809 ~ 1P0832

バイオテクノロジー、新領域、進化-5) 遺伝子工学、核酸工学、ゲノム編集
1P0809
MMEJを利用した汎用的な遺伝子ノックイン法(PITCh法)の培養細胞における改良と応用法の展開

中出 翔太, 大石 鮎, 佐久間 哲史, 山本 卓 (広島大・院理・数理分子生命)

1P0810
遺伝学的解析が可能な *Ogataea minuta* 細胞株構築の試み

小松崎 亜紀子, 千葉 靖典, 横尾 岳彦 (産総研・創薬基盤)

1P0811
TALEN mRNAを注入した卵母細胞にホストトランスファー法を適用した高効率遺伝子破壊法

中島 圭介, 矢尾板 芳郎 (広大・両生研)

1P0812
HIV-1ゲノムの5'-UTRを標的としたRNA aptamer

幸田 美彩子, 天野 亮, 平井 翔, 坂本 泰一 (千葉工大)

1P0813
転写因子AML1 Runt domainを標的とした高親和性RNAアプタマーの特徴

 高田 健多¹, 天野 亮¹, 田中 陽一郎^{2,3}, 永田 崇⁴, 片平 正人⁴, 中村 義一^{5,6}, 神津 知子³, 坂本 泰一¹ (¹千葉工業大学, ²横浜国立大学, ³埼玉県立がんセンター, ⁴京都大学, ⁵東京大学医科研, ⁶(株)リボミック)

1P0814
SELEXの各ラウンドのRNAプールのNMR解析

 天野 亮¹, 高田 健多¹, 青木 一見², 宮川 伸², 中村 義一^{2,3}, 神津 知子⁴, 坂本 泰一¹ (¹千葉工大・工・生命環境科学, ²(株)リボミック, ³東大・医科研, ⁴埼玉県立がんセンター)

1P0815

zygote injectionに依らない生殖細胞、胚を標的とした遺伝子導入によるCRISPR/Cas9 genome editingの可能性
佐藤 正宏¹, 大塚 正人², 中村 伸吾³, 桜井 敬之⁴, 稲田 絵美⁵, 齋藤 一誠⁶, 渡部 聡⁷ (鹿大・医用ミニブタセ・遺伝子発現,
²東海大・医・分子生命,³防衛医大・防医研セ・医療工学,⁴信大・院医・循環病態,⁵鹿大・院医歯学・小児歯科,⁶新潟大・
院医歯学・小児歯科,⁷農業生物資源研・家畜ゲノム)

1P0816

T e t s y s t e mを用いた高精度遺伝子発現制御系の構築とその応用

土井 美菜, 大川 文乃, 柳内 和幸, 岸本 利彦 (東邦大・院理・生物分子)

1P0817

細胞外核酸を利用した細胞間水平伝播技術

金子 真也¹, 板谷 光泰² (東工大・生命理工,²慶應大・先端生命研)

1P0818

GGRNA/GGGenome:塩基配列データベースをすばやく検索するウェブサーバ

内藤 雄樹, 坊豊 秀雅 (ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS))

1P0819

FGF-2固定化タンパク質微結晶を産生する遺伝子組換えカイコの作出と機能性加工絹糸の細胞培養への応用

小谷 英治¹, 山本 尚人¹, 小林 功², 内野 恵郎², 田村 俊樹², 瀬筒 秀樹², 森 聖¹ (京都工芸繊維大学大学院工芸科学研究科
(昆虫先端研究推進センター),²農業生物資源研究所遺伝子組換え研究センター)

1P0820

大腸菌抽出液を用いる簡便かつ効率的なseamless DNA cloning法

本橋 健, 桶川 友季 (京都産業大学・総合生命)

1P0821

バイオマス利用に有用なシロアリ腸内に共生する好アルカリ性細菌由来糖化遺伝子のリソース

岸川 昭太郎, 村田 武英, 小幡 裕一 (理研バイオリソースセンター)

1P0822

Gateway recycling cloning systemを利用した植物形質転換用バイナリーベクターによる複数遺伝子のシロイヌナズナでの発現

高津 理恵子¹, 安藤 まなみ¹, 大橋 未侑¹, 粟冠 真紀子¹, 粟冠 和郎¹, 中川 強², 木村 哲哉¹ (三重大・院生資,²鳥根大・総科
研センター)

1P0823

リサイクリングクローニングシステムの改良とシロイヌナズナへの複数遺伝子導入・発現解析

税所 利基¹, 芝原 健太¹, 木村 哲哉², 中川 強¹ (鳥根大・総科センター・遺伝子,²三重大院・生物資源)

1P0824

標的配列近傍での切断は5'-tailed duplexによる配列変換効率を向上させる

今田 貴士¹, 西垣 奈津希^{2,3}, 鈴木 哲矢^{1,3}, 紙谷 浩之^{1,2,3} (鹿大・薬,²愛媛大・院・理工,³広大・院・医歯薬保)

1P0825

CRISPR/hCas9によるiNKT細胞欠損マウスの創出および解析

柴田 理沙¹, 近藤 悦子^{1,2}, 渡会 浩志^{1,2} (東京大学・医学研究所・幹細胞セロミクス分野,²国立研究開発法人・科学技
術振興機構・革新的研究開発推進プログラム)

1P0826

造礁性サンゴにおけるRNAi法の確立

湯山 育子, 池尾 一穂 (遺伝研)

1P0827

ネットアイエカの殺虫剤抵抗性に関わる解毒酵素遺伝子のノックアウト

糸川 健太郎^{1,2}, 駒形 修¹, 小川 浩平¹, 葛西 真治¹, 富田 隆史¹ (国立感染症研究所・昆虫医学部,²国立研究開発法人日本
医療研究開発機構)

1P0828

ゲノム編集技術への応用を目指した*FokI*ヌクレアーゼドメインに結合するDNAアプタマーの探索及び特性評価
西尾 真初¹, 阿部 公一¹, 松本 大亮¹, 加藤 義雄², 中村 史^{1,2}, 池袋 一典¹ (¹農工大院・工・生命工, ²産総研・バイオメディカル)

1P0829

G-quadruplex (G4) 形成アプタマーの構造制御及び結合能向上に向けたG4 リガンドの応用

生田 結里¹, 塚越 かおり¹, 阿部 公一¹, 齊藤 大希¹, 横山 智美¹, 飯田 圭介², 長澤 和夫¹, 池袋 一典¹ (農工大院・工・生命工, ²埼玉大院・理工)

1P0830

遺伝子組換えカイコにおけるTAL effectorを用いた新規発現系の構築

立松 謙一郎¹, 早川 舞¹, 高須 陽子², 内野 恵郎¹, 瀬筒 秀樹¹ (¹生物研・組換えカイコU, ²生物研・新機能素材U)

1P0831

新規高効率染色体導入法retro-MMCT法の開発

鈴木 輝彦¹, 押村 光雄², 原 孝彦^{1,3} (¹都医学研・幹細胞, ²鳥取大・染色体工学研究センター, ³東京医歯大院・医歯学総合)

1P0832

ゲノム編集技術を応用したペリセントロメアへの人為的・配列得的DNAメチル化誘導

山崎 大賀¹, 山縣 一夫², 小林 憲忠¹ (¹北里大・メディカルセンター, ²近畿大・生物理工)

ポスター会場3 (神戸国際展示場 2号館1F)

1P0833 ~ 1P0861

バイオテクノロジー、新領域、進化-6) タンパク質工学、抗体工学、細胞工学

1P0833

ランダム変異による抗体の改変

小林 龍司 (東ソー・バイオ・開発部)

1P0834

芳香族化合物の溶解性におよぼす6種類のアルギニン塩の比較

吉澤 俊祐¹, 荒川 力², 白木 賢太郎¹ (¹筑波大院・数理, ²Alliance Protein Laboratories)

1P0835

PUREfrefxを使ったリボソームディスプレイによる簡単に効果的な環状ペプチドの選択

古城 周久, 對比地 久美子, 加藤 静恵, 梅田 隆志 (ジーンフロンティア株式会社)

1P0836

タンパク質合成能力が増大したPUREfrefx 2.0によるFab、ToxinおよびImmunotoxinの*In vitro*合成

村上 智史, 松本 令奈, 金森 崇 (ジーンフロンティア株式会社)

1P0837

LEAペプチドの発現量調節による細胞内タンパク質発現への影響

池野 慎也, 岩水 岳教, Nishit Pathak (九工大・院生命体工)

1P0838

化学修飾によるタンパク質表面リジン残基の簡便な検出法

村岡 愛一郎¹, 松浦 祥悟¹, 伊原 誠^{1,2}, 国島 直樹¹ (¹理研・放射光科学総合研究センター, ²近畿大・農・応生化)

1P0839

バキュロウイルス-細胞系由来ウシ顆粒球マクロファージコロニー刺激因子粗精製試料の安定性: 乳汁中での凍結融解と温度処理

大田 方人¹, 林 智人², 菊 佳男², 犬丸 茂樹¹ (¹農研機構・動衛研・病態, ²農研機構・動衛研・寒地酪農, ³農研機構・動衛研・企画管理部)

1P0840

PURE mRNAディスプレイ法による低分子抗体の試験管内選択

海野 佑樹¹, 南雲 優¹, 藤原 慶¹, 堀澤 健一², 柳川 弘志¹, 角田 慎一³, 向 洋平², 堤 康史³, 土居 信英¹ (¹慶大・院理工, ²九大・生医研, ³医薬基盤・健康・栄養研)

1P0841

タンパク質の発現向上を可能にする新規Stabilonタグの開発

舩廣 善和, 佐々木 拓哉, 千代田 大高, 花澤 重正, 司馬 肇 (日大・生物資源・応生)

1P0842

微細加工培養デバイスを用いたヒト末梢神経系のin vitro再構成

高山 祐三, 木田 泰之 (産総研 創薬基盤)

1P0843

均一な糖鎖を持つ糖鎖改変モノクローナル抗体の作製とその活性

黒河内 政樹¹, 森 昌子¹, 大隅 賢二¹, 戸治野 真美¹, 高島 晶¹, 月村 亘¹, 菅原 州一¹, 弘瀬 友理子¹, 富田 正浩², 高柳 淳³, 水野 真盛⁴, 天野 純子¹, 松田 昭生¹, 正田 晋一郎¹, 白井 孝¹ (¹(公財)野口研究所, ²(株)免疫生物研究所, ³慶應大・先端研GSP, ⁴東北大・院工・機能高分子化学)

1P0844

RNA結合タンパク質遺伝子ライブラリーを用いた転写後制御因子スクリーニングシステムの開発

伊藤 義晃¹, 松島 隆英¹, 五島 直樹¹, 浅原 弘嗣¹ (¹東医歯大・シス医,²産総研・創薬分子プロファイリング研究センター・機能プロテオミクスチーム)

1P0845

ヒストンH2Bに由来する抗菌性ならびに細胞膜透過性ペプチドの研究と応用

山中 菜々子, 森田 愁, 多賀井 千尋, 岩室 祥一 (東邦大・理・生物)

1P0846

アルバカナイブVHH抗体ライブラリ由来VHH抗体の特性解析と*Brevibacillus brevis*発現系を用いた発現ならびに親和性、発現効率改善に向けた検討

岸本 聡, Abdor Rafique, 佐竹 貴莉子, 宮本 結花, 加藤 太一郎, 伊東 祐二 (鹿大・院理工・生命化学)

1P0847

Leaderless Leading: Introducing post-translational modifications into leaderless bacteriocins

Yoshimitsu Masuda, Michele Bellancini, Andrius Buivydas, Oscar P. Kuipers (Mol. Gen., Dept. of Gen., Groningen Biomol. Sci. and Biotech. Inst., Univ. of Groningen)

1P0848

分子進化過程に着目したヒト・ミニ・トリプトファンリトRNA合成酵素の血管新生抑制能に重要なアミノ酸残基の特定

中本 晃正, 田中 智章, 宮ノ腰 美希, 若杉 桂輔 (東大・総合文化・生命環境)

1P0849

RNAアプタマーを用いたFc融合タンパク質の新しい精製法

猪股 恵美礼, 宮川 伸, 中村 義一 (株式会社リポミック)

1P0850

組換えバキュロウイルス出芽粒子の性状解析: 宿主細胞培養条件の影響

服部 那美, 中西 航平, 富田 昌弘, 湊元 幹太 (三重大・院工・分子生物学)

1P0851

MMLV逆転写酵素の無細胞タンパク質合成系での発現

片野 裕太¹, 久好 哲郎², 久世 郁美¹, 岡野 啓志², 伊東 昌章³, 西垣 功一^{4,5}, 滝田 禎亮^{1,2}, 保川 清^{1,2} (¹京大農, ²京大院農, ³沖縄高専, ⁴埼玉大, ⁵産総研)

1P0852

細胞内カルシウムシグナルを光で操作する遺伝学ツールの開発

石井 智浩^{1,2}, 佐藤 幸治^{3,4,5,6}, 角元 利行^{1,2}, 三浦 重徳^{4,5}, 東原 和成^{4,7}, 竹内 昌治^{4,5}, 中田 隆夫^{1,2} (¹医科歯科大・細胞生物, ²医科歯科大・脳統合機能研究センター, ³岡崎統合バイオ・生体制御シグナル, ⁴東大・生産技術研, ⁵科学技術振興機構・ERATO竹内バイオ融合プロジェクト, ⁶東大・院農・生命科学, ⁷科学技術振興機構・ERATO東原化学感覚シグナルプロジェクト)

1P0853

D体アミノ酸で合成した抗菌ペプチドKLKLLLLLKLKはL体型よりペプチドグリカンやリポ多糖に高親和性を示す眞鍋 貴行, 川崎 清史 (同志社女大・薬)

1P0854
 β -グルカナーゼおよび β -グルコシダーゼの定向進化

雑賀 弥子, 田原 聖也, 齋藤 香往里, 杉田 惟, 藤原 慶, 土居 信英 (慶大・院理工)

1P0855
Optogenetic modulation of axonal outgrowth direction with light-induced protein oligomerization

Mizuki Endo, Mitsuru Hattori, Takeaki Ozawa (Dept. of Chem., Grad. Sch. of Sci., Univ. of Tokyo)

1P0856
新規蛍光色素Fluolidを用いたウェスタンブロッティング法の開発

 飯竹(大道) 信子¹, 朱 耘¹, 亀山 昭彦², 水城 圭司³, 柏 裕樹⁴, 西 健太郎⁴, 磯部 信一郎⁴, 木山 亮一¹ (産業技術総合研究所・バイオメデイカル研究部門, ²産業技術総合研究所・創業基盤研究部門, ³崇城大学・工学部, ⁴九州産業大学・工学部)

1P0857
改良好塩基球を用いた新規抗がん細胞療法

大嶽 修一, 宮地 克真, 児玉 卓也, 田所 哲, 田中 正彦, 鈴木 亮, 平嶋 尚英 (名市大・院薬)

1P0858
DNAライブラリーから発現量の多い可溶性領域を迅速に選択する手法の開発

竹内 理子, 吉田 徹, 津下 英明 (京産大・院・生命科学)

1P0859
SST法に基づく立体構造認識モノクローナル抗体の作製

磯崎 勇志, 宮前 智帆, 湊元 幹太, 富田 昌弘 (三重大・院工・分子生物学)

1P0860
Diabody型二重特異性抗体の構築におけるアミノ酸配列相同性の影響

 菅野(小野寺) 朋子¹, 梅津 光央¹, 杉山 在生人¹, 田中 良和², 中澤 光¹, 服部 峰充¹, 浅野 竜太郎¹, 熊谷 泉¹ (東北大・院工・バイオ工, ²北大・院理・生命科学)

1P0861
Flow Cytometerを利用した簡便かつハイスループットなモノクローナル抗体作製技術の開発

 赤城 幸¹, 遠藤 雅大², 栗原 靖之³ (横浜国大院・工学府, ²横浜国大・理工, ³横浜国大・工学研究)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0862 ~ 1P0877

バイオテクノロジー、新領域、進化-8) バイオイメージング、バイオセンサー
1P0862
Ultra-sensitive detection for oligonucleotide sequence by the the combination of scanning single-molecule counting (SSMC) and Eprobe without amplification

 Takeshi Hanami^{1,3}, Tetsuya Tanabe^{1,2}, Takuya Hanashi^{1,2}, Mitsushiro Yamaguchi^{1,2}, Michiko Isobe¹, Masayoshi Itoh^{1,4}, Seiji Kondo^{1,2} (RIKEN RINC, ²OLYMPUS CORPORATION, ³RIKEN CLST, ⁴RIKEN PMI)

1P0863
蛍光タンパク質とピオチンリガーゼの融合体を蛍光プローブとして用いた細胞骨格タンパク質のラベル化

西 彩里, 山本 千裕, 末田 慎二 (九工大・院情報工・生命情報)

1P0864
In vivo イメージングによる血栓形成・白血球遊走とトロンピン活性の連関の解明

 坂田 飛鳥¹, 瀬尾 欣也¹, 西村 智² (自治医 分子病態, ²自治医分子病態・東大TSBMI循環器)

1P0865
DNA高次構造の安定性に着目したDNAメチル化検出法の開発

 吉岡 仁美¹, 飯田 圭介², 長澤 和夫³, 池袋 一典³, 軽部 征夫¹, 吉田 亘¹ (東京工科大学院, ²埼玉大学院, ³東京農工大学院)

1P0866
MBD-Luciferase融合蛋白質を用いたグローバルDNAメチル化レベル測定方法の開発

馬場 勇次, 軽部 征夫, 吉田 亘 (東京工科大・応用生物学部・応用生物学科)

1P0867**2光子顕微鏡による肝線維化モデルマウスの評価**下山 佳織^{1,2}, 山本 晋^{2,3}, 大嶋 佑介², 今村 健志² (愛媛大学医学部, ²愛媛大学大学院医学系研究科分子病態医学, ³愛媛大学大学院医学系研究科消化器・内分泌・代謝内科学)**1P0868****ホスファチジルセリンに対するFRET型蛍光バイオセンサーの開発**

西谷 勇人, 今村 博臣, 垣塚 彰 (京大・院生命科学・高次生命科学)

1P0869**ウリカーゼ融合タンパク質による尿酸トランスポーター機能解析法の開発**

小倉 祥恵, 小林 知加, 中村 真希子, 市田 公美 (東葉大・薬・病態生理)

1P0870**透明化標本における深部観察のための単純な最適化法**本間 俊作¹, 鈴木 貴久², 島田 孝子¹, 八木沼 洋行¹, 和田 郁夫² (福島県立医科大学・神経解剖, ²福島県立医科大学・細胞科学)**1P0871****ハイコンテントアナリシスに適応した新規三次元培養基材の開発**

安部 菜月, 中嶋 宏之, 相原(大谷) 彩子, 金木 達朗, 西野 泰斗 (日産化学工業株式会社 生物科学研究所)

1P0872**An acid insensitive green fluorescent protein from *Olindias formosa***Hajime Shinoda¹, Yuanqing Ma², Tomoki Matsuda^{1,3}, Takeharu Nagai^{1,3} (¹Dept. of Engi., Univ. of Osaka, ²Univ. of New South Wales, Sydney, Australia, ³ISIR, Univ. of Osaka)**1P0873****Visualization of subcellular ATP dynamics in Arabidopsis protoplasts with an intensimetric fluorescent protein-based indicator**Satoshi Arai^{1,2}, Liang-Sheng Looi^{3,4}, Wan-Yi Wee³, Ito Toshiro^{3,4}, Tetsuya Kitaguchi^{1,2} (¹Cell Signaling Group, WABIOS, ²Organization for University Research Initiatives, Waseda Univ., ³TLL, National Univ. of Singapore, ⁴Dept. of Biol. Sci., National Univ. of Singapore)**1P0874****Development of a transcriptional factor for intracellular glycation monitoring system**Akane Sakaguchi-Mikami^{1,2}, Yani Faozani^{2,3}, Isao Karube² (¹Dept. of Medical Technol., Tokyo Univ. of Technol., ²Grad. Sch. of Bionics, Media and Computer Sci., Tokyo Univ. of Technol., ³Research and Development Centre for Oil and Gas Technology "LEMIGAS")**1P0875****線虫 *C. elegans* の頭部神経系全体のGCaMP6fを用いた活動解析**大江 紗¹, 寺本 孝行², 徳永 旭将³, 広瀬 修⁴, 豊島 有⁵, 久下(原) 小百合², 飯野 雄一⁵, 吉田 亮³, 石原 健² (¹九大・理・生物, ²九大・院理・生物, ³九工大・院情報工学, ⁴金沢大・理工・電情, ⁵東大・理・生物, ⁶統数研)**1P0876****コムギ胚芽抽出液中におけるtRNA末端processingを利用したaptamer基盤センサー (aptasensor)の開発**

田淵 潤一郎, 小川 敦司 (愛媛大・PROS)

1P0877**メッシュ状金属薄膜を用いたエアロゾルのサイズ分画と生化学的分析**山本 晃毅¹, 長谷川 慎¹, 白井 恵美¹, 井上 有香¹, Ernest Wandera², 一瀬 休生², 神波 誠治³, 近藤 孝志³ (¹長浜バイオ大学・院・バイオサイエンス, ²長崎大学熱帯医学研究所ケニア拠点, ³村田製作所)

ポスター会場3(神戸国際展示場 2号館1F)

1P0878 ~ 1P0890**バイオテクノロジー、新領域、進化-9)その他****1P0878****多量体化と配向化を基盤としたバイオミネラリゼーションペプチドによる銀ナノ構造制御**坂口 達也¹, 峯 健太², 工藤 風樹², 鎌田 瑠泉², 坂口 和靖² (¹久留米大・医, ²北大・院理)

1P0879
動物多細胞性進化に迫る新しいモデル原生生物

 菅 裕¹, 時安 鴻二郎¹, 中田 あずさ¹, 小出 高史¹, Inyaki Ruiz-Trillo² (¹県立広島大学, ²進化生物学研究所)

1P0880
環状DNA固定化技術を利用したタンパク質発現法および固定化法の開発

 林 一貴¹, 岸 一希¹, 高橋 俊介^{1,2}, 大重 真彦¹, 桂 進司¹ (¹群大・院理工・環境創生, ²JSPS特別研究員)

1P0881
シリカモノリスカラムを用いた複雑系骨マトリクスから効率的なミトコンドリアDNAの新しい抽出精製法の検討

 西野 浩史¹, 東城 雄満¹, 佐藤 陸¹, 大平 真義¹, 中西 和樹² (¹ジーエルサイエンス株式会社, ²京都大学大学院 理工学研究科)

1P0882
マクロファージを選択的に認識する機能性ナノ分子の創製

 姜 貞勲¹, 戸井田 力², 浅井 大輔³, 村田 正治⁴ (¹国循セ研・薬物動態室, ²九大・歯学院, ³聖マリアンナ医大・微生物学, ⁴九大医学研・先端融合医療)

1P0883
バイオマス由来の有機物分解を目指した白金ナノ粒子触媒層の調製法

 馬場 淑行¹, 津田 裕太¹, 高橋 俊介^{1,3}, 川上 友則², 大重 真彦¹, 桂 進司¹ (¹群馬大学・大学院理工学府・環境創生部門, ²浜松ナノテクノロジー株式会社, ³JSPS特別研究員)

1P0884
コドン最適化によるリグニン分解酵素リグニンペルオキシダーゼの発現システムの構築

 渡辺 祥弘¹, 高橋 俊介^{1,2}, 大重 真彦¹, 桂 進司¹ (¹群大・院理工・環境創生, ²JSPS特別研究員)

1P0885
Utilization of magnetic nanoparticles for targeted hyperthermia-induced cancer cell death

Kamila Isabelle A. Navarro, Jobi F Subosa, Cynthia Palmes-Saloma (Laboratory of Molecular and Cell Biology, National Institute of Molecular Biology and Biotechnology University of the Philippines Diliman, Quezon City 1101 PHILIPPINES)

1P0886
匂い刺激もたらす生理的変化とその作用機序の解明

栗野 智帆 (筑波大・院生命環境科学・生物学)

1P0887
ヒトゲノム上のリン酸化モチーフ解析

 吉崎 尚良¹, 奥田 修二郎², 河野 美幸¹ (¹金沢医大・小児外科, ²新潟大・院医歯・バイオンフォ)

1P0888
cHS4 and a Ubiquitous Chromatin Opening Element Support Transgene Expression From Herpes Simplex Virus Vectors in the Absence of Immediate-Early Gene Expression

 Yoshitaka Miyagawa², Fang Han^{1,2}, Gianluca Verlengia³, Michele Simonato³, Justus B. Cohen², Joseph C. Glorioso² (¹School of Medicine, Tsinghua University, P.R. China, ²Department of Microbiology and Molecular Genetics, University of Pittsburgh School of Medicine, USA, ³Section of Pharmacology, Department of Medical Sciences, University of Ferrara, Ferrara, Italy)

1P0889
遺伝子組換えカイコによる可溶性酸化 LDL 受容体 (LOX-1) の生産

 倉持(熊野) みゆき¹, 立松 謙一郎², 亀山 真由美¹, 早川 舞², 山本(前田) 万里¹, 畑中 研一³, 瀬筒 秀樹², 町田 幸子¹ (¹(国研)農研機構・食総研,²(国研)生物研,³東大・生産研)

1P0890
遺伝子組換えカイコ発現系による可溶性RAGEの安定性向上

 倉持(熊野) みゆき¹, 立松 謙一郎², 亀山 真由美¹, 早川 舞², 瀬筒 秀樹², 町田 幸子¹ (¹(国研)農研機構・食総研,²(国研)生物研)