

ポスター賞フラッシュトーク

第1日目 5月20日(金) 13:00～13:30

蛋白質構造1 A会場:2階 玉樹C

座長:寺沢 宏明(熊本大)

1P-001* 溶液高粘性化によるフェムト秒レーザー誘起核発生の高効率化

○村井 良多^{1,2)}、吉川 洋史³⁾、家藤 奈津子^{1,2)}、北谷 友也^{1,2)}、高橋 義典^{1,2)}、杉山 成^{1,2)}、
安達 宏昭^{1,2,4)}、高野 和文^{1,2,4)}、松村 浩由^{1,2,4)}、村上 聡^{2,4,5)}、井上 豪^{1,2,4)}、森 勇介^{1,2,4)}

1) 阪大院・工、2) CREST-JST、3) ハイデルベルグ大学、4) 創晶、5) 東工大院・生命理工

1P-002* ベン毛皿型輸送蛋白質 FliJ と輸送 ATPase FliI の相互作用

○伊吹 達也¹⁾、南野 徹^{1,2)}、風谷 謙一^{1,2)}、難波 啓一^{1,2)}、今田 勝巳^{1,2)}

1) 阪大・生命、2) 超分子ナノマシン・JST・ICORP

1P-003* 3.5 Å 分解能でのギャップジャンクションチャンネルの構造決定手順

○菅 倫寛¹⁾、前田 将司¹⁾、中川 宗¹⁾、山下 栄樹¹⁾、月原 富武^{1,2)}

1) 阪大蛋白研、2) 兵庫県立大学生命理学研究科

1P-004* シナプス間接着装置ニューレキシン-ニューロリギン複合体の分子間クラスタリングの構造基盤

○田中 宏樹、禾 晃和、高木 淳一

阪大・蛋白研

1P-005* Exocyst 複合体サブユニット Sec3 と Rho1 との相互作用の構造基盤

○山下 雅美^{1,2,3)}、佐藤 裕介^{1,2)}、三村 久敏^{1,2)}、山形 敦史^{1,2)}、深井 周也^{1,2,3)}

1) 東大・放射光・生命科学、2) 東大・新領域・メディカル、3) 東大・分生研

1P-006* ヒト由来 Mad2L2 の結晶学的研究

○原 幸大¹⁾、清水 敏之¹⁾、村雲 芳樹²⁾、花房 朋³⁾、大森 治夫³⁾、佐藤 衛¹⁾、橋本 博¹⁾

1) 横市大・国際総合科学・生体超分子科学、2) 名大・医・病理、3) 京大・ウイルス

1P-007* Pex14p の N 末端の保存ドメインの結晶構造

○蘇 建栄¹⁾、竹田 一旗¹⁾、田村 茂彦²⁾、藤木 幸夫²⁾、三木 邦夫¹⁾

1) 京大・院理・化、2) 九大院・理・生物科学

1P-008* Nip45 における SUMO-like domain の構造学的研究

○関山 直孝¹⁾、池田 吉宏¹⁾、有吉 真理子¹⁾、朽尾 豪人¹⁾、斉藤 寿仁²⁾、白川 昌宏¹⁾

1) 京都大学大学院工学研究科分子工学専攻、2) 熊本大学大学院自然科学研究所

1P-009* ポリコピキチン鎖の大量調製法の確立と立体構造解析

○森本 大智¹⁾、磯貝 信¹⁾、天野 剛志²⁾、有吉 真理子¹⁾、朽尾 豪人¹⁾、白川 昌宏¹⁾

1) 京大・工、2) 神大・医

1P-010* 発光細菌 Photobacterium kishitanii 由来 LumP のリボフラビンおよび FMN 複合体の構造解析

○佐藤 雄一¹⁾、清水 敏史¹⁾、大滝 証¹⁾、野口 恵一²⁾、尾高 雅文¹⁾、養王田 正文¹⁾

1) 農工大・院工・生命工、2) 農工大・学術研究支援総合センター・機器分析施設

1P-011* X線解析法による光非依存型(暗所作動型)プロトクロロフィリド還元酵素の反応機構の解明

○村木 則文¹⁾、野亦 次郎²⁾、志波 智生¹⁾、藤田 祐一²⁾、栗栖 源嗣¹⁾

1) 東大・総合文化・生命、2) 名古屋大・生命農

- 1P-012*** 銅・トパキノン含有アミン酸化酵素における触媒反応機構の構造学的研究
○片岡 未有¹⁾、富永 鮎子¹⁾、大津 雅之¹⁾、岡島 俊英²⁾、谷澤 克行²⁾、山口 宏¹⁾
1) 関学・理工、2) 阪大・産研
- 1P-013*** 超安定性と特異なヘム獲得過程を示すシトクロム c の構造的特徴
○山中 優¹⁾、大淵 麻莉衣¹⁾、河原 一樹²⁾、元岡 大介³⁾、中村 昇太⁴⁾、内山 進⁵⁾、小林 祐次³⁾、大久保 忠泰²⁾、三本木 至宏¹⁾
1) 広大院・生物圏、2) 阪大院・薬、3) 大阪薬大、4) 阪大・微研、5) 阪大院・工
- 1P-014*** 古細菌 TYW2-AdoMet 複合体の機能構造解析
○海津 正賢¹⁾、西増 弘志¹⁾、野間 章子²⁾、鈴木 勉²⁾、石谷 隆一郎¹⁾、濡木 理¹⁾
1) 東京大学医科学研究所染色体制御分野、2) 東京大学大学院工学系研究科化学生命工学専攻
- 1P-015*** 古細菌 *Pyrococcus horikoshii* 由来 Trp-tRNA 合成酵素の結晶構造解析
○内川 瑛美子、森 優希、水川 顕子、今野 美智子
お茶女大・理
- 1P-016*** アラニル tRNA 合成酵素の結晶構造より提唱された tRNA 再結合モデル
○徳永 啓太¹⁾、曾我部 正彰²⁾、尾瀬 農之³⁾、中村 彰良¹⁾、濡木 理⁴⁾、姚 閔³⁾、田中 勲³⁾
1) 北大・院・生命、2) カリフォルニア大・デービス校・院・医、3) 北大・院・先端生命、4) 東大・医科研
- 1P-017*** hMTH1-8-oxo-dGTP 複合体の高分解能 X 線結晶構造解析
○稲里 みゆき¹⁾、中村 照也¹⁾、池水 信二¹⁾、中別府 雄作²⁾、山縣 ゆり子¹⁾
1) 熊本大・院・薬、2) 熊本大・院・薬、3) 九州大・生医研
- 1P-018*** 酸化損傷ヌクレオチド加水分解酵素と新規基質の複合体結晶構造
○有森 貴夫¹⁾、紙谷 浩之²⁾、玉置 春彦³⁾、中村 照也¹⁾、池水 信二¹⁾、石橋 徹⁴⁾、原島 秀吉²⁾、関口 睦夫⁴⁾、山縣 ゆり子¹⁾
1) 熊本大院・薬、2) 北大院・薬、3) 熊本大院・医、4) 福歯大・学術フロンティア
- 1P-019*** β -CASP ファミリーに属する新規 RNase, TTHA0252 の構造機能解析
○石川 大仁¹⁾、中川 紀子^{1,2)}、倉光 成紀^{1,2)}、増井 良治^{1,2)}
1) 阪大院・理・生物、2) 理研・播磨研
- 1P-020*** 高度好塩菌由来ヌクレオチド二リン酸キナーゼ NDK-q、NDK-s の異なる塩濃度依存性の構造学的解明
○山村 昭裕¹⁾、市村 武文¹⁾、亀倉 正博²⁾、水木 徹³⁾、宇佐美 論³⁾、牧野 司¹⁾、大塚 淳¹⁾、宮園 健一¹⁾、岡井 公彦¹⁾、永田 宏次¹⁾、田之倉 優¹⁾
1) 東大・院農生科・応生化、2) 野田産研、3) 東洋大・バイオナノ研セ
- 1P-021*** インフルエンザウイルスの RNA ポリメラーゼにおける PA-PB1 サブユニット間相互作用の解析
○吉田 尚史¹⁾、尾林 栄治¹⁾、河合 文啓¹⁾、川口 敦史²⁾、永田 恭介²⁾、ジェレミー テイム¹⁾、朴 三用¹⁾
1) 横市大・院・ナノシステム、2) 筑波大・院・基礎医学系
- 1P-022*** 結晶構造に基づいた回虫成虫複合体IIに特異的な阻害剤の論理的設計
○佐々木 健¹⁾、山下 智佳子¹⁾、清水 洋成²⁾、稲岡 ダニエル健²⁾、長内 理大²⁾、城戸 康年²⁾、大森 惇子²⁾、本間 光貴³⁾、田仲 昭子³⁾、井上 将行⁴⁾、北 潔²⁾、原田 繁春¹⁾
1) 京工織大院・工科・応生、2) 東大院・医、3) 理研横浜研究所、4) 東大院・薬
- 1P-023*** *Trypanosoma cruzi* 由来 Aspartate carbamoyltransferase の結晶構造解析
○の場 一晃¹⁾、奈良 武司²⁾、青木 孝²⁾、北 潔³⁾、原田 繁春¹⁾
1) 京工織大院・工科・応生、2) 順天堂大・医、3) 東大院・医

- 1P-070*** マウステロメア1本鎖 DNA 結合蛋白質 Pot1 のテロメア1本鎖 DNA 結合ドメインと4本鎖 DNA 構造との相互作用解析
○金田 薫、古海 靖子、鳥越 秀峰
東理大・理
- 1P-071*** 出芽酵母テロメア結合蛋白質 Cdc13と Est1 の相互作用解析
○堀尾 裕人、並木 潤子、鳥越 秀峰
東理大・理
- 1P-072*** *Thermus thermophilus* HB8由来 3'-5' exonuclease TTHB178の分子機能解析
○島田 敦広¹⁾、中川 紀子^{1,2)}、増井 良治^{1,2)}、倉光 成紀^{1,2)}
1) 阪大・院理・生物科学、2) 理研・播磨研
- 1P-073*** 高度好熱菌由来 DNA ポリメラーゼ X の3'-5'エキソヌクレアーゼ活性には POLXc, PHP 両方のドメインが必要である
○中根 修平¹⁾、中川 紀子^{1,2)}、増井 良治^{1,2)}、倉光 成紀^{1,2)}
1) 阪大・院理、2) 理研・播磨研
- 1P-074*** 新奇特異性をもつヌクレオシドキナーゼの構造機能解析
○友池 史明¹⁾、中川 紀子^{2,3)}、増井 良治^{2,3)}、倉光 成紀^{1,2,3)}
1) 阪大院・生命機能、2) 阪大・院理・生物科学、3) 理研・播磨研
- 1P-075*** 超好熱性アーキア *Pyrococcus furiosus* における XPB 様タンパク質の生化学的機能解析
○田畑 健一郎¹⁾、吉用 武弘¹⁾、岩井 成憲²⁾、石野 園子¹⁾、石野 良純¹⁾
1) 九大院・農、2) 阪大院・基礎工
- 1P-076*** 核輸送因子による転写因子の選択的輸送機構に関する構造生物学的考察
○山岸 良介¹⁾、安原 徳子²⁾、米田 悦啓^{2,3)}、金子 寛生¹⁾
1) 日大・総合基礎科学・相関理化学、2) 阪大・医・生化学、3) 阪大・生命機能研・細胞ネットワーク
- 1P-077*** endo-1,3-β-glucanase の構造や機能における触媒残基と Ca²⁺ の役割
○田邊 陽一¹⁾、三上 文三²⁾、水野 稔久³⁾、田中 俊樹³⁾、織田 昌幸¹⁾
1) 京都府大・院生命環境科学、2) 京都大・院農、3) 名工大・院工
- 1P-078*** 南極産好冷細菌 *Pseudoalteromonas* sp. AS-131由来グルコース6-リン酸デヒドロゲナーゼの低温に適應した性質
○山口 真須美、加藤田 麻衣、本島 浩之、渡邊 啓一
佐賀大・農・生命機能
- 1P-079*** トリプトファン蛍光を用いた subtilisin Carlsberg のβ8-9間ターンにおける局所的ゆらぎ解析のための W112F/Y208W/P209G 変異体
○淵田 直樹¹⁾、熊井 洋平²⁾、近藤 明香²⁾、有田 沙織²⁾、本島 浩之²⁾、渡邊 啓一²⁾
1) 鹿大院・連農、2) 佐賀大・農・生命機能
- 1P-080*** ラットキサンチン脱水素酵素における機能的 CH...O 水素結合の存在
○川口 裕子、西野 朋子、松村 智裕、岡本 研、西野 武士
日医大・生化・分生
- 1P-081*** 疎水性低分子に対するヒトリポカリン型プロスタグランジン D 合成酵素の結合親和性
○久米 慧嗣¹⁾、宮本 優也^{1,2)}、福原 彩乃¹⁾、西村 重徳¹⁾、乾 隆¹⁾
1) 大府大・生命環境・応生、2) 日本学術振興会特別研究員 DC

- 1P-082*** インドールによるサルモネラ異物排出トランスポーター AcrAB 誘導に関する RamA および RamR の解析
 ○城阪 郁江^{1,2,3)}、二階堂 英司^{1,2,3)}、中島 良介²⁾、山口 明人^{2,3)}、西野 邦彦^{1,4)}
 1) 阪大産研・感染制御学、2) 阪大産研・生態情報制御学、3) 阪大院薬・細胞生物学、4) JST・さきがけ
- 1P-083*** ヒト腸内細菌由来 Arylsulfate sulfotransferase の構造活性相関
 ○安達 瑠美¹⁾、寺本 岳大¹⁾、吉成 浩一²⁾、木村 誠^{1,3)}、角田 佳充^{1,3)}
 1) 九大院・システム生命、2) 東北大院・薬、3) 九大院・農
- 1P-084*** 黄色ブドウ球菌膜表面由来機能未知蛋白質 EbpS の機能解析
 ○中木戸 誠¹⁾、田中 良和²⁾、工藤 基徳¹⁾、相川 知宏³⁾、森 宏員³⁾、中川 一路³⁾、津本 浩平¹⁾
 1) 東大院・新領域・メディカルゲノム、2) 北大・創成、3) 東大・医科研
- 1P-085*** 脳内グロビン蛋白質「ニューログロビン」の新規機能の探索
 ○渡邊 征爾¹⁾、若杉 桂輔^{1,2)}
 1) 東大・総合文化・生命環境、2) 科技機構・さきがけ
- 1P-086*** マウス α -defensin, cryptdin-4 のジスルフィド結合が殺菌活性に及ぼす影響
 ○増田 晃士¹⁾、坂井 直樹^{1,2)}、綾部 時芳^{1,2)}
 1) 北大院・生命、2) 北大院・先端生命

物性・フォールディング1 C会場:1階 若草

座長:池水 信二(熊本大)

- 1P-095*** レプリカ交換 MD によるポリグルタミンタンパクの構造解析
 ○中野 美紀¹⁾、渡邊 博文^{2,3)}、田中 成典^{2,3)}
 1) 神戸大院・人間発達環境、2) 神戸大院工、3) 科学技術振興機構
- 1P-096*** 全原子モデルと粗視化モデルを併用した生体高分子系における効率的自由エネルギー計算手法の開発
 ○原田 隆平¹⁾、北尾 彰朗^{2,3)}
 1) 東大・院理・物理、2) 東京大学分子細胞生物学研究所、3) 科学技術振興機構
- 1P-097*** カルモジュリンの構造変化:構造予測の手法及び MD シミュレーションを相補的に用いた研究
 ○南 慎太郎¹⁾、千見寺 浄慈²⁾
 1) 名大・工、2) 名大・工
- 1P-098*** 蛋白質分子の水和水の構造・熱力学と動力学特性の解析 I
 ○新保 雄大、藤井 淳平、関 安孝、曾田 邦嗣
 長岡技科大・生物系
- 1P-099*** 膜タンパク質とコレステロールが生態膜に及ぼす影響の分子動力学解析
 ○藤田 直也、石田 貴士、木下 賢吾
 東大・医科研
- 1P-100*** 超遠心分析によるバイオ医薬品の分散度解析
 ○クラユヒナ エレナ、野田 勝紀、中尾 隆人、内山 進、松永 幸大、福井 希一
 大阪大・院・工
- 1P-101*** ジスルフィド架橋アミロイド β タンパク質ダイマーを用いたアミロイド線維形成機構の解明
 ○山口 貴宏、松崎 勝巳、星野 大
 京大院薬

- 1P-102*** β_2 -ミクログロブリンが形成するアミロイド線維の溶液 NMR による運動性の解析
 ○吉村 優一¹⁾、櫻井 一正¹⁾、茶谷 絵理^{1,2)}、亀田 篤司¹⁾、池上 貴久¹⁾、内木 宏延³⁾、後藤 祐児¹⁾
 1) 阪大・蛋白研、2) 立命館・薬、3) 福井大・医
- 1P-103*** 抗体 L 鎖可変部 W1 のアミロイド線維形成における His 残基の影響
 ○三島 朋徳¹⁾、大栗 誉敏¹⁾、門司 晃²⁾、金丸 孝昭³⁾、阿部 義人¹⁾、植田 正¹⁾
 1) 九大院・薬、2) 九大院・医、3) 九大病院・中央形態分析室
- 1P-104*** アルギニンと両親媒性高分子を併用するリゾチームの熱凝集抑制
 ○富田 峻介¹⁾、平野 篤¹⁾、長崎 幸夫²⁾、白木 賢太郎¹⁾
 1) 筑波大院・数理物質・電子物理、2) 筑波大院・数理物質・物性分子
- 1P-105*** 低分子阻害剤修飾部分配列ペプチドによる標的蛋白質選択的なアミロイド線維形成の抑制
 ○小林 夏季、金 志勲、原田 龍一、池袋 一典、早出 広司
 東京農工大・院工・生命工
- 1P-106*** 膜電位感受性色素を用いたアミロイド形成蛋白質の新規細胞毒性評価バイオセンシングシステムの開発
 ○金 志勲、原田 龍一、小林 夏季、池袋 一典、早出 広司
 東京農工大・工院・生命工
- 1P-107*** 蛍光偏光解消法を用いた α -シヌクレインオリゴマーの検出
 ○原田 龍一、金 志勲、小林 夏季、池袋 一典、早出 広司
 東京農工大・工院・生命工
- 1P-108*** リボヌクレアーゼ A の酸化的リフォールディング過程における4つの鍵中間体の熱力学的安定性
 ○荒井 堅太、熊倉 史雄、岩岡 道夫
 東海大・理・化
- 1P-109*** 円偏光二色性分光法を用いたヒトリポカリン型プロスタグランジン D 合成酵素の熱変性過程の解析
 ○猿渡 馨¹⁾、西村 重徳¹⁾、宮本 優也^{1,2)}、福原 彩乃¹⁾、乾隆¹⁾
 1) 大府大・院・生命環境・応用生命、2) 日本学術振興会特別研究員 DC
- 1P-111*** 酸性条件下で誘導される特殊な抗体分子種の性質
 ○畠中 孝彰、伊東 祐二、坂本 孝太郎、梶 幸也香、杉村 和久
 鹿児島大・工・生体工
- 1P-112*** タンパク質を用いたカーボンナノチューブ分散の制御
 ○平野 篤¹⁾、前田 優^{2,3)}、赤阪 健⁴⁾、白木 賢太郎¹⁾
 1) 筑波大・数理物質・電子物理、2) 東京学芸大・教育・自然科学、3) PRESTO-JST、4) 筑波大・TARA

蛋白質構造2 A会場:2階 玉樹C

座長:寺沢 宏明(熊本大)

2P-001* 新規腎炎治療薬創出へのX線結晶構造解析:CK2 α アイソフォーム間の1アミノ酸残基の差を狙った選択性獲得への挑戦

○関口 雄介¹⁾、木下 誉富¹⁾、仲庭 哲津子¹⁾、仲西 功²⁾、村田 克美³⁾、北浦 和夫³⁾、宮崎 貴子³⁾、平澤 明³⁾、辻本 豪三³⁾、多田 俊治¹⁾
1)大阪府大・院理・生物、2)近大・薬、3)京大・院薬

2P-002* プロウログアニリンの発現、精製、そして結晶化条件の検討

○山崎 悠平¹⁾、奥村 正樹¹⁾、小西 宏典²⁾、伊藤 廉¹⁾、山口 宏¹⁾、日高 雄二²⁾
1)関学大・理工・化学、2)近畿大・理工・生命

2P-003* 高度好熱菌 *Thermus thermophilus* HB8由来の methionine aminopeptidase アポ型酵素の結晶構造解析

○安藤 孝記、橋本 浩一、養王田 正文、尾高 雅文
農工大・院工・生命工

2P-004* *Entamoeba histolytica* 由来メチオニン γ -リアーゼ1と2のX線結晶構造解析

○唐木 剛¹⁾、村野 祥子¹⁾、亀井 加恵子¹⁾、佐藤 暖^{2,3)}、野崎 智義⁴⁾、原田 繁春¹⁾
1)京工織大院・工科・応生、2)慶應大・医・医化、3)慶應大・先端生命研、4)感染研

2P-005* 新規 C=N 結合加水分解酵素 Hydrazone Dehydrogenase の構造解析

○池田 智¹⁾、佐々木 康幸¹⁾、谷山 浩将²⁾、高谷 直樹²⁾、矢嶋 俊介¹⁾
1)東農大・応生、2)筑波大院・生命環境

2P-006* レグインスリン結合タンパク質の結晶構造

○吉澤 拓也¹⁾、橋本 博¹⁾、雲財 悟¹⁾、西内 祐二²⁾、平野 久¹⁾、清水 敏之¹⁾、佐藤 衛¹⁾
1)横浜市大・国際総合・生体超分子、2)ペプチド研究所

2P-007* 立体構造エピトープを認識する抗体の抗原結合速度

北井 麻希¹⁾、○丸岡 麻美¹⁾、村上 明一²⁾、西村 深雪²⁾、大栗 誉敏³⁾、阿部 義人³⁾、植田 正³⁾、中村 春木⁴⁾、東 隆親²⁾、織田 昌幸¹⁾
1)京都府大・院生命環境科学、2)東京理大・生命研、3)九大・院薬、4)阪大・蛋白研

2P-008* 鶏卵白アルブミンのS型(熱安定型)への転換におけるS-S結合の役割

○石丸 隆行、田中 美穂、松富 直利
山口大・農・生物機能

2P-009* ErbB2/Neu 膜貫通-細胞質内膜近傍部位(647-693)の機能構造解析

○松下 千紘¹⁾、佐藤 毅¹⁾、玉垣 裕子¹⁾、スミス ステイーブ²⁾、相本 三郎¹⁾
1)阪大・蛋白研、2)ストーニーブルック大

2P-010* プリオン蛋白質の可溶性オリゴマーの蛍光相関分光法による解析

○坂田 啓司¹⁾、堀内 基広²⁾、金城 政孝¹⁾
1)北大・先端生命・細胞機能、2)北大・獣医・プリオン病

2P-011* ヒト由来アミロイド前駆体タンパク質細胞外領域 S-APP- α の発現、精製

○松岡 篤¹⁾、山下 智章²⁾、伊藤 廉¹⁾、奥村 正樹¹⁾、日高 雄二²⁾、山口 宏¹⁾、新延 道夫³⁾
1)関学・理工・化学、2)近畿大・理工・生命、3)大阪大・蛋白研

- 2P-012*** アミロイドベータペプチド(A β)の蓄積機構に関する構造生物学的研究
 ○岩本 成人¹⁾、斉藤 貴志²⁾、河野 俊之³⁾、西道 隆臣²⁾、寺沢 宏明¹⁾
 1)熊本大・院・医薬、2)理研・BSI、3)三菱化学・生命研
- 2P-013*** 微小管切断 AAA タンパク質 spastin の線虫ホモログ SPAS-1 の微小管結合ドメインの構造解析
 ○松下(石躍) 由佳¹⁾、吉永 壮佐²⁾、山中 邦俊¹⁾、小椋 光¹⁾、寺沢 宏明²⁾
 1)熊本大・発生研・細胞複製、2)熊本大・院医薬
- 2P-014*** リポカリン型プロスタグランジン D 合成酵素のリガンド認識機構
 ○島本 茂^{1,2)}、圓尾 廣子¹⁾、吉田 卓也¹⁾、乾 隆^{3,4)}、宮本 優也^{2,3)}、小林 祐次⁵⁾、藤森 功^{4,5)}、
 鶴村 俊治⁴⁾、有竹 浩介⁴⁾、裏出 良博⁴⁾、大久保 忠恭¹⁾
 1)阪大・院・薬、2)(独)学振特別研究員 DC、3)阪府大・院・生命、4)大阪バイオサイエンス研究所、
 5)大薬大
- 2P-015*** タイワンカブトムシ(*Oryctes rhinoceros*)由来オリクチンの溶液 NMR 構造解析・機能解析
 ○堀田 彰一郎¹⁾、石橋 純²⁾、山川 稔^{2,3)}、永田 宏次¹⁾、田之倉 優¹⁾
 1)東大院・農生化、2)生物研・生体防御、3)筑波大院・生命環境科学
- 2P-016*** NMR に基づくマウス由来ペプチド性フェロモン ESP4 の立体構造解析
 ○谷口 雅浩¹⁾、吉永 壮佐¹⁾、はが 紗智子²⁾、東原 和成²⁾、寺沢 宏明¹⁾
 1)熊本大・院・医薬、2)東大・院・新領域
- 2P-017*** ケモカイン受容体の細胞内シグナル伝達機構に関する構造生物学的研究
 ○江崎 芳¹⁾、本多 美由紀¹⁾、吉永 壮佐¹⁾、荒木 令江¹⁾、河野 俊之²⁾、寺島 裕也^{3,4)}、遠田 悦子⁴⁾、
 松島 綱治⁴⁾、寺沢 宏明¹⁾
 1)熊本大・院・医薬、2)三菱化学・生命研、3)東大・院・医、4)ECI
- 2P-018*** ケモカインシグナルを伝達する細胞内因子 FROUNT の構造生物学的研究
 ○藪田 晃弘¹⁾、江崎 芳¹⁾、吉永 壮佐¹⁾、嶋田 一夫²⁾、寺島 裕也^{3,4)}、遠田 悦子³⁾、松島 綱治³⁾、
 寺沢 宏明¹⁾
 1)熊本大・院・医薬、2)東大・院・薬、3)東大・院・医、4)ECI
- 2P-019*** 分裂酵母の相同組換えに機能する Swi5 と Sfr1 の溶液構造解析
 ○小甲 裕一、笠口 友隆、村山 泰斗、桑原 直之、山根 努、橋本 博、雲財 悟、清水 敏之、
 岩崎 博史、池口 満徳
 横浜市大院・国際総合科学
- 2P-020*** マルチカノニカル分子動力学シミュレーションによる 57 残基蛋白質の天然構造の再現
 ○池部 仁善¹⁾、肥後 順一²⁾、中村 春木³⁾
 1)阪大院・生命機能、2)阪大・MEI センター、3)阪大・蛋白研
- 2P-021*** シミュレーションとデータベース検索によるヒトラミン活性発現のために重要な立体構造の検討
 ○梅澤 公二¹⁾、池部 仁善¹⁾、野水 基義²⁾、中村 春木³⁾、肥後 順一⁴⁾
 1)阪大・生命機能、2)東薬大・薬学、3)阪大・蛋白研、4)阪大・MEI センター
- 2P-022*** ミオシンの動的構造に対するヌクレオチドの影響
 ○佐藤 昂人、高野 光則
 早大・先進研・物理及応物専攻

2P-055* リガンド-タンパク質間の結合自由エネルギーに対するマルチフィジクスの計算手法の比較および評価

○千葉 峻太郎¹⁾、野村 淳磨¹⁾、原野 雄一²⁾、木下 正弘³⁾、櫻井 実¹⁾

1) 東工大・バイオセンター、2) 阪大蛋白研、3) 京大エネルギー理工学研

2P-056* 多変量解析によるタンパク質の活性残基予測

○杜 世橋、櫻井 実

東工大・バイオセンター

2P-057* フラグメントアセンブリによるテンプレートを用いた立体構造予測

○澤田 賢吾、千見寺 浄慈

名大・工

2P-058* 仮想水分子を含んだ水素結合ポテンシャルを用いたタンパク質構造の安定性評価

○澤藤 俊平、千見寺 浄慈

名大院・工・計算理工

機能解析2 B会場:2階 平安

2P-069* グループII型シャペロニンによるアミロイド線維形成抑制効果

○野井 健太郎¹⁾、北村 文²⁾、平井 秀憲¹⁾、本郷 邦宏^{1,2)}、溝端 知宏^{1,2)}、河田 康志^{1,2)}

1) 鳥大院・医・機能再生、2) 鳥大院・工・生物応用

2P-070* 超好熱性古細菌由来II型シャペロニンの反応機構の速度論的解析

○中川 あゆみ¹⁾、神前 太郎¹⁾、五十嵐 圭日子²⁾、西野 武士³⁾、養王田 正文¹⁾

1) 農工大・院工・生命工、2) 東大院・農生科、3) 日医大・生化・分生

2P-071* 分裂酵母由来グループII型シャペロニンおよびプレフォルディンの大量発現・精製系の構築

○石田 眞理¹⁾、神前 太郎¹⁾、増田 莉恵¹⁾、東田 英毅²⁾、養王田 正文¹⁾

1) 農工大・院工・生命工、2) 旭硝子株式会社 ASPEX

2P-072* ミトコンドリア移行シグナル付加 Hsp60 の生理機能解析

○石田 竜一、伊豆原 史子、関根 和宏、大高 慶、久保田 広志、伊藤 英晃

秋大・工資・環物

2P-073* StHsp14.0 の効率的な凝集抑制には C 末端の IXI/V モチーフを介したダイマー間相互作用が重要である

○阿部 哲也¹⁾、岡 俊彦²⁾、中込 篤¹⁾、養王田 正文¹⁾

1) 農工大・院工・生命工、2) 静岡大・理学・物理

2P-074* ポリアミンおよびアルキルアミン添加による膜タンパク質の可溶化促進

○上垣 眞理¹⁾、安井 一敏¹⁾、白木 賢太郎²⁾、石水 毅¹⁾

1) 阪大・院理・化、2) 筑波大・院数理物質

2P-075* フラビンタンパク質の FMN 結合反応に関する熱力学的・速度論的解析

○高木 利佳子、中西 猛、井上 英夫、北村 昌也

阪市大・院工・化生

2P-076* 質量分析法を用いたタンパク質の His 残基の pKa および C₂水素-重水素交換速度の測定

○林 尚佳¹⁾、丸山 浩樹²⁾、西村 紀²⁾、綱澤 進²⁾、中島 ちひろ²⁾、宮城 大³⁾、中沢 隆^{1,4)}

1) 奈良女大・院、2) 阪大・蛋白研、3) Case Western Reserve Univ.、4) 奈良女大・理・化

2P-077* in vivo 部位特異的光架橋法を用いたミトコンドリア外膜透過装置の解析

○塩田 拓也、間瀬 英、田中 紗千子、山野 晃史、遠藤 斗志也
名大・院・理

2P-078* T細胞レセプターの HIV 抗原変異に対する交差反応性

○本園 千尋¹⁾、谷中 冴子²⁾、津本 浩平²⁾、滝口 雅文¹⁾、上野 貴将¹⁾
1)熊大・エイズ学研究センター・ウイルス制御分野、2)東大・院・新領域

2P-079* トランスサイレチン Glu54 変異体タンパク質の安定性およびサイロキシン結合解析

○宮田 将徳¹⁾、佐藤 卓史¹⁾、水口 峰之²⁾、中村 照也¹⁾、池水 信二¹⁾、鍋島 裕子²⁾、薄 聖子¹⁾、
安藤 由喜雄³⁾、Mary Ann Suico¹⁾、首藤 剛¹⁾、山縣 ゆり子¹⁾、甲斐 広文¹⁾
1)熊本大院・薬、2)富山大院・薬、3)熊本大院・医

2P-080* 人類の耳垢型を決定する ABCC11 遺伝子多型とその生化学的解明

○豊田 優^{1,2)}、中川 大¹⁾、中島 正洋³⁾、吉浦 孝一郎³⁾、新川 詔夫⁴⁾、石川 智久¹⁾
1)東工大院・生命理工、2)日本学術振興会特別研究員、3)長崎大院・医歯薬学総合、
4)北海道医療大・個性健康科学

プロテオーム・蛋白質工学 C会場：1階 若草

座長：荒本 朋洋(東海大)

2P-119* 新規設計ブルー銅タンパク質における軸配位子のアミノ酸設計

○濱野 裕輔、志賀 大悟、中根 大輔、船橋 靖博、増田 秀樹、田中 俊樹
名工大・工・物質

2P-120* 拡張コドンを用いた二重蛍光標識タンパク質の新規合成法の開発と FRET 分析への応用

○江草 忠義、芳坂 貴弘
北陸先端大・マテリアル

2P-121* マウス Dnmt3B2-C 末端欠損変異体の大量発現と精製

○猪俣 洋史、猪狩 早雅、尾高 雅文、養王田 正文、山田 和弘
農工大・院工・生命工

2P-122* Baculovirus-昆虫細胞発現系による組み換え体 MDM2 の発現

○阿部 由寛、山田 和弘
農工大・院工・生命工

2P-123* マイクロ波促進技術によるアミノ酸分析の高速化

○松尾 聡子、芳本 智彦、熊本 竜太、脇野 大輔、吉村 武朗、大内 将吉
九工大院・生命情報工

2P-124* 遺伝子増幅反応に対するマイクロ波照射の挙動

○吉村 武朗、榮田 尚寿、白川 泰裕、大内 将吉
九工大院・生命情報工

2P-125* 有機リン系農薬分解酵素の酵素活性に与える界面活性剤の効果

○鳥打 祐太、木本 征吾、大内 将吉
九工大院・生命情報工

2P-126* 蛋白質発現に対するマイクロ波照射の効果

○榮田 尚寿、白川 泰裕、吉村 武朗、楠本 朋一郎、大内 将吉
九工大院・生命情報工

- 2P-127*** プロ領域を利用した人工タンパク質の立体構造形成機構の解析
 ○奥村 正樹¹⁾、小西 宏典²⁾、山崎 悠平¹⁾、山口 宏¹⁾、日高 雄二²⁾
 1) 関学大・理工・化学、2) 近畿大・理工・生命
- 2P-128*** Rebuilt Group II Chaperonin Hetero-oligomers to Reveals Interaction Mode Between Group II Chaperonin and Prefoldin
 ○Sahlan Muhamad¹⁾、Kanzaki Taro¹⁾、Zako Tomatsu²⁾、Maeda Mizuo²⁾、Yohda Masafumi¹⁾
 1) Dept. of Biotechnol, Tokyo Univ. of Agric. and Technol.、
 2) Bioengineering Lab., RIKEN Institute, Saitama
- 2P-129*** 蛍光基および消光基で標識された非天然アミノ酸の部位特異的導入によるタンパク質構造変化の FRET 解析
 ○飯島 一生、芳坂 貴弘
 北陸先端大・マテリアル
- 2P-130*** ペプチドリガンドの結合に伴う P20.1 モノクローナル抗体の構造変化の解析
 ○寒川 剛、禾 晃和、池上 貴久、高木 淳一
 阪大・蛋白研
- 2P-131*** 退形成性乏突起腫瘍 (AOG) における化学療法感受性に関連する蛋白質群の機能プロテオーム解析
 ○森川 崇^{1,2)}、坪田 誠之^{1,3)}、緑川 宇一¹⁾、長山 慈¹⁾、小林 大樹¹⁾、Wilson Anthony¹⁾、
 Wilson 森藤 政代¹⁾、中村 英夫³⁾、倉津 純一³⁾、森安 眞津子²⁾、荒木 令江¹⁾
 1) 熊大・院・医薬・腫瘍医学、2) 株式会社三菱化学安全科学研究所、3) 熊大・院・医薬・脳神経外科
- 2P-132*** T 細胞受容体を用いた新規ターゲティング分子の創製
 ○成松 翔伍¹⁾、吉岡 靖雄^{1,2)}、渡辺 光¹⁾、堤 康史^{3,4)}、向 洋平¹⁾、岡田 直貴¹⁾、中川 晋作^{1,2)}
 1) 阪大院・薬・薬剤、2) 阪大 MEI セ、3) 阪大院・薬・毒性、4) 医薬基盤研
- 2P-134*** 活性増強型リンフォトキシン α の機能解明
 ○渡辺 光¹⁾、吉岡 靖雄^{1,2)}、堤 康史^{3,4)}、向 洋平¹⁾、岡田 直貴¹⁾、中川 晋作^{1,2)}
 1) 阪大院・薬・薬剤、2) 阪大 MEI セ、3) 阪大院・薬・毒性、4) 医薬基盤研
- 2P-135*** 抑制性レセプターを回避し得る LIGHT 変異体の創製とその機能評価
 ○稲倉 裕¹⁾、吉岡 靖雄^{1,2)}、森重 智弘¹⁾、堤 康史^{3,4)}、向 洋平¹⁾、岡田 直貴¹⁾、中川 晋作^{1,2)}
 1) 阪大院・薬・薬剤、2) 阪大 MEI セ、3) 阪大院・薬・毒性、4) 医薬基盤研
- 2P-136*** Alteration of Substrate Specificity of Cellobiose Dehydrogenase by Amino Acid Substitution at Substrate Binding Site
 ○デスリアニ、フェリ ステファノ、早出 広司
 東京農工大・院工・生命工