

別冊

実験医学別冊 2020年9月発行予定

バリエーションデータ解析

日本人の疾患を読み解く達人レシピ

(仮題)

編集／坊農秀雅 (広島大学大学院統合生命科学研究科)

関連キーワード・技術

- ◆ 日本人ゲノム ◆ コホート ◆ オミクス ◆ ビッグデータ ◆ 遺伝疾患 ◆ がん
- ◆ ヘルスケア

NGSの普及、データシェアリングの推進により、いかにデータベースから遺伝情報を入手し活用するかのノウハウが、生命科学・医学研究のブレイクスルーに直結する時代となりました。このようなトレンドをふまえ、小社では2019年11月末に『RNA-Seqデータ解析 WETラボのための鉄板レシピ』を出版させていただきました（ご編集／坊農秀雅先生）。本企画のコンセプト①WET研究者に向けて、②汎用されるが困難を伴うRNA-Seqデータの解析に焦点を絞り、③料理のレシピ本のような親切さで解説する一には、出版から3カ月で増刷になるほどの反響がありました。そこで今回、RNA-Seq同様に生命科学・医学研究上のインパクトが大きく、研究ニーズの高い（ヒト）バリエーションデータを新たな“食材”とし、解析レシピの第2弾を出版させていただきます。多くの読者が期待される本書に、ぜひ広告の形で解析環境の選択肢をご紹介いただければ幸いです。

本書へのご出稿のポイント

- 好評書 RNA-Seqデータ解析 WETラボのための鉄板レシピ の姉妹書
- 日本癌学会学術総会（10/1～3）で新刊展示予定

(※5月時点の予定です)

広告料金表

ページ広告

掲載面	刷色	スペース	掲載料金
後付	4色	1P	150,000
	4色(ブリード)	1P	165,000
	1色	1P	90,000
	1色	1/2P	55,000
	記事広告 [*] (4色)	2P	380,000

※写真修正・図案・版下・製版等は実費をいただきます
 ※価格には、消費税は含まれておりません
 ※ご掲載の頁をご指定される場合は、一割増の料金を申し受けます
 ※中付：ご掲載の頁をご指定される場合、各箇所につき1頁まで
 ※記事広告：掲載料300,000円+編集費80,000円。写真撮影・取材等が伴う場合には実費をいただきます

本書はAB判(天地257mm×左右210mm)にて発行いたします

発行概要

- 発行日 2020年 9月 発行予定
- 広告申込概要 (AB判オフセット印刷)
 - 申込締切日 2020年 8月 5日 (水)
 - 原稿締切日 2020年 8月 7日 (金)

※日程は変更になる場合がございます
 ※広告の掲載内容を確認させていただく場合がございます

【モノクロ広告】データ
 1頁……天地 220 mm ×左右 180 mm
 1/2頁……天地 105 mm ×左右 180 mm

【カラー広告】データ
 1頁……天地 220 mm ×左右 180 mm
 ブリード版……天地 257 mm ×左右 210 mm

記事広告

記事広告は貴社でご用意いただいた執筆原稿を元に編集部にて作製します。お申し込み後、詳しい執筆要項をお送りします。詳細はお問い合わせください。

※入稿形式：Adobe Illustrator
 使用したOSとソフトのバージョンをご明記下さい。データは必ずアウトライン化して下さい

【発行元】
 株式会社 羊土社
 〒101-0052
 東京都千代田区
 神田小川町2-5-1
 TEL: 03-5282-1211
 FAX: 03-5282-1212
 URL:
 www.yodosha.co.jp/

【広告総代理店】
 株式会社 エー・イー企画
 〒101-0003
 東京都千代田区
 一ツ橋2-4-4
 一ツ橋別館4F
 TEL: 03-3230-2744
 FAX: 03-3230-2479
 E-mail:
 adinfo@aeplan.co.jp

広告掲載申込書

年 月 日

下記の通り、「バリエーションデータ解析 (仮)」に広告掲載致します。

貴社名： _____ TEL： _____ FAX： _____

所在地 〒 _____

担当者名： _____ 所属： _____ E-mail： _____

掲載場所： _____ 頁/枚 _____ 掲載料金： _____

支払方法： _____ 支払日： _____



章 立 て

序 (本書の編集方針について) 坊農秀雅 (DBCLS)

Chapter 1 バリアントデータを検索する (世界)

- (1) 興味ある遺伝子の1~数塩基多型・構造多型を調べる —— dbSNP
..... 秦 千比呂・児玉悠一 (DDBJ)
- (2) (世界中のゲノム/エクソームデータをもとに) 興味あるゲノム領域に見られるバリエーションを調べる —— gnomAD (ノマド) 三嶋博之 (長崎大学)
[コラム] ヒト以外のバリエーション情報の検索と比較 坊農秀雅 (DBCLS)
- (3) Pathogenic なバリエーションを調べる —— ClinVar、MedGen 鎌田真由美 (京都大学)
[コラム] OMIM と NCBI 仲里猛留 (DBCLS)
- (4) バリエーション情報から検索して稀少疾患の類似症例を探す
—— GA4GH Beacon と NBDC ヒトデータベース 川嶋実苗、豊岡理人 (NBDC)
- (5) 病名・遺伝子名・バリエーションの ID などから検索して GWAS の知見を活用する
—— GWAS catalog 中柄昌弘 (名古屋大学)
- (6) 症状から検索して類似の稀少・遺伝性疾患を探し、未知バリエーションを評価する
—— PubCaseFinder 藤原豊史 (DBCLS)
[コラム] 略語検索 Allie、英語表現検索 inMeXes、引用文脈検索 Colil 山本泰智 (DBCLS)

Chapter 2 バリアントデータを検索する (日本人)

- (1) 日本人集団におけるバリエーションの頻度情報を調べる —— TogoVar^① 豊岡理人 (NBDC)
- (2) 海外のデータベースでは ID が振られていないバリエーションを調べる —— TogoVar^②
..... 豊岡理人 (NBDC)
- (3) 日本人と日本人以外の集団のバリエーション頻度を比較する —— TogoVar^③ 豊岡理人 (NBDC)
[コラム] コンピュータインフラと Resource Description Framework (RDF) 三橋信孝 (NBDC)
- (4) 個人の表現型と紐付いたバリエーション情報を活用する
—— Japanese Genotype-phenotype Archive (JGA) 福田亜沙美・児玉悠一 (DDBJ)
[コラム] dbGaP、EGA 児玉悠一 (DDBJ)
- (5) 日本人健常者の遺伝的多様性データを利用する —— Human Genetic Variation Database (HGVD)
..... 日笠幸一郎 (関西医科大学)
- (6) 多層オミクス情報と紐付いたバリエーション情報を活用する —— jMorp
..... 田高 周・木下賢吾 (ToMMo)
[コラム] 日本人標準ゲノム配列 田高 周・木下賢吾 (ToMMo)
- (7) エピゲノム・eQTL 情報と紐付いたバリエーション情報を活用する —— iMETHYL
..... 小巻翔平・清水厚志 (岩手医科大学)
[コラム] Human-reseq を用いたバリエーション検出 八谷剛史 (いわて東北メディカル・メガバンク機構)

Chapter 3 がんの体細胞変異を検索する

- (1) 興味あるバリエーションの pathogenicity、構造や治療に与える影響などを調べる
—— TCGA と GDC-DP (Genomic Data Commons Data Portal)、COSMIC/COSMIC-3D
..... 白石友一 (国立がん研究センター)
- (2) 興味あるバリエーションの癌種ごとの頻度の違いを調べる
—— TCGA と GDC-DP (Genomic Data Commons Data Portal)、COSMIC
..... 安西高廣 (国立がん研究センター)
- (3) 興味ある癌種に特徴的なバリエーションを調べる
—— TCGA と GDC-DP (Genomic Data Commons Data Portal)、COSMIC
..... 丹下正一郎 (札幌医科大学)