

口頭発表 Oral Presentation

第1日目（9月19日(火)）／Day 1 (Sep. 19 Tue.)

13:20～16:20 B会場（全学教育棟2階B201）／Room B (Room B201, General Education Bldg. 2F)

1B 筋肉I, 分子モーターI / Muscle I, Molecular motor I

1B1320 ウサギ骨格筋線維のX線赤道反射に対するミオシン阻害剤の効果

Effects of myosin inhibitors on the X-ray equatorial reflections of rabbit skeletal muscle

○岩本 裕之 (SPring-8·JASRI)

Hiroyuki Iwamoto (SPring-8 JASRI)

1B1332 ミオシン分子の巧みな集団運動によって心筋細胞の高速振動周期は一定に調節される

Constant beating frequency of sarcomeres in cardiomyocytes regulated ingeniously by collective motion of myosin molecules

○新谷 正嶺^{1,2}, 鶴尾 巧³, 樋口 秀男¹ (¹東大・理学・物理, ²日本学術振興会・学振PD, ³東大・新領域・人環)

Seine Shintani^{1,2}, Takumi Washio³, Hideo Higuchi¹ (¹Dept. of Phys., Univ. of Tokyo, ²JSPS Research Fellow, ³Dept. Human and Eng. Env., Univ. of Tokyo)

1B1344* 心筋ミオシンの自発的振動の解明

spontaneous oscillation of cardiac myosins

○黄 勇太, 樋口 秀男, 茅 元司 (東京大・院理)

Yongtae Hwang, Hideo Higuchi, Motoshi Kaya (Univ. of Tokyo Dep. Science)

1B1356* アクチンの切断は動的ネットワークの収縮を誘起する

The fragmentation of actin filaments induces the contraction of the active network

○松田 恒平, 小林 琢也, 須河 光弘, 豊島 陽子, 矢島 潤一郎 (東京大学大学院 総合文化研究科)

Kyohei Matsuda, Takuya Kobayashi, Mitsuhiro Sugawa, Yoko Y. Toyoshima, Junichiro Yajima (Graduate School of Arts and Sciences, The University of Tokyo)

1B1408* 細胞質ダイニンのマルチスケールシミュレーション：全原子から連続体へ

Multiscale Simulations of Cytoplasmic Dynein: From All-atom to Continuum Mechanics

○飯田 慎仁^{1,3}, Hanson Benjamin³, 神谷 成敏², 栗栖 源嗣¹, 昆 隆英³, 中村 春木¹, Harris Sarah⁴ (¹阪大・蛋白研, ²兵庫大院・シミュレーション, ³阪大院・理, ⁴Sch. Phys. Astro., Univ. Leeds)

Shinji Iida^{1,3}, Benjamin Hanson³, Narutoshi Kamiya², Genji Kurisu¹, Takahide Kon³, Haruki Nakamura¹, Sarah Harris⁴ (¹IPR, Osaka Univ., ²Grad. Sch. SS., Univ. Hyogo, ³Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ⁴Sch. Phys. Astro., Univ. Leeds)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

1B1426* キネシンネックリンカーによる発生力は小さい

Neck linker of kinesin is low force generator

○近藤 雄一, 樋口 秀男 (東京大学)

Yuichi Kondo, Hideo Higuchi (Grad. Sch. Sci., Univ. of Tokyo)

1B1438* N末端側βバレルヘッドバンドがV₁-ATPaseの非対称性を産み及び協同性を付与する

An N-terminal β-barrel head-band gives rise to the asymmetrical motor structure of V₁-ATPase and promotes cooperativity

○丸山 慎太郎¹, 鈴木 花野¹, 佐々木 輝¹, 水谷 健二², 斎藤 靖子³, ヤクシジ ファビアナ・リカ¹, 石塚 (桂) 芳子⁴, 白水 美香子⁴, 横山 茂之⁵, 山登一郎^{1,3}, 村田 武士^{1,6} (¹千葉大・院理, ²横浜市大・院生命医科学, ³東京理科大・院生命理工, ⁴理研・ライフサイエンス技術基盤研究センター, ⁵理研・構造生物学研究室, ⁶JST・さきがけ)

Shintaro Maruyama¹, Kano Suzuki¹, Hikaru Sasaki¹, Kenji Mizutani², Yasuko Saito³, Fabiana Lica Yakushiji¹, Yoshiko Ishiduka-Katsura⁴, Mikako Shirouzu⁴, Shigeyuki Yokoyama⁵, Ichiro Yamato^{1,3}, Takeshi Murata^{1,6} (¹Grad. Sch. Sci., Univ. Chiba, ²Grad. Sch. Med. Life. Sci., Univ. Yokohama City, ³Grad. Bio. Sci. & Tech., Tokyo Univ. of Science, ⁴DSSB, RIKEN, ⁵Struct. Biol. Lab., RIKEN, ⁶JST, PRESTO)

1B1450* 結晶構造との対応付けを目指したミトコンドリアF₁-ATPaseの回転解析

Single-molecule analysis of bovine mitochondrial F₁-ATPase for direct assignment of crystal structures and rotational pausing states

○小林 穎平, 上野 博史, 鈴木 俊治, 原 舞雪, 野地 博行 (東大・院工・応化)

Ryohei Kobayashi, Hiroshi Ueno, Toshiharu Suzuki, Mayu Hara, Hiroyuki Noji (Appl. Chem., Grad. Sch. Eng., Univ. Tokyo)

1B1502* 腸内連鎖球菌由来の回転分子モーターV₁-ATPaseのサブステップと化学力学共役機構

Substeps and chemo-mechanical coupling scheme of rotary molecular motor *Enterococcus hirae* V₁-ATPase

○飯田 龍也^{1,2,3}, 皆川 慶嘉⁴, 上野 博史⁴, 河合 文啓³, 村田 武士⁵, 飯野 亮太^{1,2,3} (¹総合研究大学院大学, ²分子科学研究所, ³岡崎統合バイオサイエンスセンター, ⁴東京大学, ⁵千葉大学)

Tatsuya Iida^{1,2,3}, Yoshihiro Minagawa⁴, Hiroshi Ueno⁴, Fumihiko Kawai³, Takeshi Murata⁵, Ryota Iino^{1,2,3} (¹SOKENDAI (The Grad. Univ. for Adv. Stud.), ²Inst. for Mol. Sci., ³Okazaki Inst. for Integr. Biosci., ⁴The Univ. Tokyo, ⁵Chiba Univ.)

- 1B1514*** DNA ナノチューブに沿って一方向に移動する生体分子モーターの設計
 Engineered biomolecular motor that directly moves along DNA nanotubes
 ○指宿 良太¹, 大岩 和弘^{1,2}, 小嶋 寛明², 古田 健也² (¹兵庫大院生命理学, ²未来ICT研 情報通信研究機構)
Ryota Ibusuki¹, Kazuhiro Oiwa^{1,2}, Hiroaki Kojima², Ken'ya Furuta² (¹Grad. Sch. Sci., Univ. Hyogo, ²Adv ICT Res Inst, NICT.)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1B1532*** 電圧駆動型モータータンパク質プレスチンの細胞外ループが、作動電圧域を調節する
 Characteristic extracellular loops of prestin modulate its voltage operating point
 ○桑原 誠¹, 和佐野 浩一郎², 高橋 里枝², 小森 智貴¹, 上村 想太郎¹, 島 知弘¹, 本間 和明² (¹東大・理・生物科学, ²ノースウェスタン大・医)
Makoto Kuwabara¹, Koichiro Wasano², Satoe Takahashi², Tomotaka Komori¹, Sotaro Uemura¹, Tomohiro Shima¹, Kazuaki Homma² (¹Dep. of Biol. Sci., Grad Sch. of Sci., The Univ. of Tokyo, ²Feinberg Sch. of Med., Northwestern Univ.)
- 1B1544*** Motor evolved from F-ATPase for *Mycoplasma mobile* gliding
Takuma Toyonaga¹, Takayuki Kato², Akihiro Kawamoto², Keiichi Namba^{2,3}, Makoto Miyata^{1,4} (¹Grad. Sch. Sci., Osaka City Univ., ²Grad. Sch. Front. Biosci., Osaka Univ., ³QBiC, RIKEN, ⁴OCARINA, Osaka City Univ.)
- 1B1556*** 拡散係数の増大を用いた F₁-ATPase の遷移率の解析
 Analyzing the Transition Rate of F₁-ATPase from Enhanced Diffusion
 ○品川 遼太, 佐々木 一夫 (東北大・院工学)
Ryota Shinagawa, Kazuo Sasaki (Grad. Sch. Eng., Univ. Tohoku)
- 1B1608** シアノバクテリアは光の向きを認識して IV 型線毛を非対称に分布する
 Asymmetric distribution of type IV pili triggered by directional light in unicellular cyanobacteria
 ○中根 大介, 西坂 崇之 (学習院大 物理)
Daisuke Nakane, Takayuki Nishizaka (Dept. Phys., Gakushuin Univ.)

13:20～16:20 C 会場 (全学教育棟 2 階 B202) / Room C (Room B202, General Education Bldg. 2F)
 1C 生体膜・人工膜 I, バイオエンジニアリング, 計測 I /
 Biological & Artificial membrane I, Bioengineering, Measurements I

- 1C1320** 分子拡散に対するミクロ空間に閉じ込めと高分子混雑の相乗効果
 A synergistic effect of macromolecular crowding and biomimetic confinement on molecular diffusion
 ○渡辺 千穂, 柳澤 実穂 (農工大院工)
Chiho Watanabe, Miho Yanagisawa (Grad. Sch. Eng., Tokyo Univ. Agri. Tech.)
- 1C1332*** DNA 人工細胞骨格によるリポソームの力学的補強
 DNA cytoskeleton for stabilizing artificial cells and the mechanical reinforcement
 ○黒川 知加子¹, 藤原 慶², 森田 雅宗³, 川又 生吹⁴, 川岸 由⁴, 酒井 淳¹, 村山 能宏¹, 野村M 慎一郎⁴, 村田 智⁴, 濱ノ上 正浩³, 柳澤 実穂¹ (¹東京農工大学大学院先端物理工学部門, ²慶應義塾大学理工学部生命情報学科, ³東京工業大学情報理工学院情報工学系, ⁴東北大学大学院工学研究科バイオロボティクス専攻, ⁵産業技術総合研究所バイオメディカル研究部門)
Chikako Kurokawa¹, Kei Fujiwara², Masamune Morita³, Ibuki Kawamata⁴, Yui Kawagishi⁴, Atsushi Sakai¹, Yoshihiro Murayama¹, Shin-ichiro Nomura¹, Satoshi Murata⁴, Masahiro Takinoue³, Miho Yanagisawa¹ (¹Department of Applied Physics, Tokyo University of Agriculture and Technology, ²Department of Bioscience and Informatics, Keio University, ³Department of Computer Science, Tokyo Institute of Technology, ⁴Department of Robotics, Tohoku University, ⁵Advanced Industrial Science and Technology, Biomedical Research Institute)
- 1C1344*** 選択的抗がん作用をもつトレハロース脂質含有リポソームの物性の計算化学的解析
 Molecular dynamics analysis of physical properties of mixed liposomes containing trehalose surfactant with selective anticancer effect
 ○加々宮 崇 (東工大 バイオセンター)
Takashi Kagamiya (Center for Biol. Res. & Inform., Tokyo Tech)
- 1C1356*** 電子線による高精細バーチャル電極ディスプレイを用いた膜ドメインと膜形態の動的制御
 Dynamic Control of Membrane Domains and Morphology Using an Electron-beam Induced Fine Virtual Cathode Display
 ○宮廻 裕樹, 星野 隆行 (東京大学大学院情報理工学系研究科)
Hiroki Miyazako, Takayuki Hoshino (IST, UTokyo)
- 1C1408** 細菌の膜小胞取り込みに寄与する表面電位と膜弛緩性
 Contribution of surface potentials and membrane looseness on bacterial uptake of membrane vesicles
 ○田代 陽介, 高木 航太郎, 長谷川 雄将, 二又 裕之 (静大院・総合科技)
Yosuke Tashiro, Kotaro Takaki, Yusuke Hasegawa, Hiroyuki Futamata (Grad. Sch. Intgr. Sci. Technol., Shizuoka Univ.)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

- 1C1426** 高速原子間力顕微鏡（高速 AFM）による細菌が生産する膜小胞の物性解析
 Physical heterogeneity of bacterial membrane vesicles revealed by high-speed AFM
 ○菊池 洋輔¹, 清川 達則², 森永 花菜², 諏佐 勇磨², 安田 まり奈², 奥脇 韶³, 相馬 隆光³, 尾花 望³, 豊福 雅典³, 野村 暢彦³, 古寺 哲幸¹, 安藤 敏夫¹, 福森 義宏⁴, 田岡 東¹ (¹金沢大・理工, ²筑波大・院生命, ³筑波大・生命, ⁴金沢大・理事)
Youzuke Kikuchi¹, Tatunori Kiyokawa², Kana Morinaga², Yuuma Susa², Marina Yasuda², Hibiki Okuwaki³, Ryukou Souma³, Nozomu Obana³, Masanori Toyohuku³, Nobuhiko Nomura³, Noriyuki Kodera¹, Toshio Ando¹, Yoshihiro Fukumori⁴, Azuma Taoka¹ (¹Col. of Sci. and Eng., Kanazawa Univ., ²Grad. Life and Env. Sci., Tsukuba Univ., ³Life and Env. Sci., Tsukuba Univ., ⁴Vice President, Kanazawa Univ.)
- 1C1438** 肺サーファクタントタンパク質 B の N 末端セグメントにより起こる脂質単分子膜の崩壊現象
 Collapse in lipid monolayers induced by N-terminal segments of lung surfactant protein B
 ○日比野 政裕^{1,2}, 長塚 秀幸¹, 藤岡 美穂², 王 瀬伊² (¹室蘭工大・院環境創生, ²室蘭工大・応理)
Masahiro Hibino^{1,2}, Hideyuki Nagatsuka¹, Miho Fujioka², Haoyi Wang² (¹Div. Sustain. Environ. Eng., Muroran Inst. Tech., ²Dept. Appl. Sci., Muroran Inst. Tech.)
- 1C1450** ラクトフェリシン B 由来の抗菌活性を持つヘキサペプチドの大腸菌細胞質への侵入
 Entry of Antimicrobial Hexapeptide Derived from Lactoferricin B into Single cells of *E. coli* without Damaging their Membranes
 ○モニルザマン エムディー¹, イスラム エムディ ザヒ ドウル¹, シャーミン サブリナ¹, 道羅 英夫², 山崎 昌一^{1,3,4} (¹静大・創造院, ²静大・グリーン研, ³静大・電研, ⁴静大・院理)
Md. Moniruzzaman¹, Md. Zahidul Islam¹, Sabrina Sharmin¹, Hideo Dohra², Masahito Yamazaki^{1,3,4} (¹Grad. Sch. Sci. Tech., Shizuoka Univ., ²Res. Inst. Green Sci. Tech., Shizuoka Univ., ³Res. Inst. Ele., Shizuoka Univ., ⁴Grad. Sch. Sci., Shizuoka Univ.)
- 1C1502*** 外側と内側の単分子膜の脂質の充填がマガニン 2 の脂質膜中のポア形成に影響を与える
 Effect of Asymmetric Packing of Lipids in Outer and Inner Monolayer on Magainin 2-Induced Pore Formation in Lipid Bilayer
 ○ハーサン モイナル¹, カラール モハマド アブ サエム¹, レバツニー ビクター^{1,2}, 山崎 昌一^{1,3,4} (¹静大・創造院, ²ロシア科学アカデミー, ³静大・電研, ⁴静大・院理)
Moynul Hasan¹, Mohammad Abu Sayem Karal¹, Victor Levadny^{1,2}, Masahito Yamazaki^{1,3,4} (¹Grad. Sch. Sci. Tech., Shizuoka Univ., ²Rus. Acad. Sci., ³Res. Inst. Ele., Shizuoka Univ., ⁴Grad. Sch. Sci., Shizuoka Univ.)
- 1C1514** Formation mechanism of "lipid raft" in cell membranes
Shunsuke Shimobayashi¹, Masatoshi Ichikawa², Takashi Taniguchi³ (¹Department of Mathematical Science and Advanced Technology, Japan Agency for Marine-Earth Science and Technology, ²Department of Physics, Graduate School of Science, Kyoto University, ³Department of Chemical Engineering, Graduate School of Engineering, Kyoto University)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1C1532*** パターン化人工膜を用いた光シグナル伝達中における脂質ラフトの機能解析
 Role of lipid rafts in phototransduction studied with a micropatterned model membrane
 ○谷本 泰士¹, 小嶋 佐妃子¹, 粟津 晓紀², 林 文夫³, 森垣 憲一^{1,4} (¹神戸大・農, ²広島大・理, ³神戸大・理, ⁴神戸大・バイオシグナル)
Yasushi Tanimoto¹, Sakiko Kojima¹, Akinori Awazu², Fumio Hayashi³, Kenichi Morigaki^{1,4} (¹Grad. Sch. Agri., Univ. Kobe, ²Math. and Life Sci. Hiroshima Univ., ³Grad. Sch. Sci., Univ. Kobe, ⁴Biosignal Research Center, Univ. Kobe)
- 1C1544** パターン化人工膜を利用した NAP-22 の膜結合と凝集挙動解析
 Membrane binding and aggregation of neuronal acidic protein of 22kDa (NAP-22) studied with a patterned model membrane
 ○小嶋 佐妃子¹, 谷本 泰士¹, 林 文夫³, 前川 昌平³, 森垣 憲一^{1,2} (¹神戸大・院農, ²神戸大・バイオシグナル, ³神戸大・院理)
Sakiko Kojima¹, Yasushi Tanimoto¹, Fumio Hayashi³, Shohei Maekawa³, Kenichi Morigaki^{1,2} (¹Grad. Sch. Agri., Univ. Kobe, ²Biosignal Research Center, Univ. Kobe, ³Grad. Sch. Sci., Univ. Kobe)
- 1C1556*** Two-in-one biohybrid microfluidic system for detection and elimination of staphylococcus
Huisoo Jang^{1,3}, Sun Min Kim^{2,3}, Tae-Joon Jeon^{1,3} (¹Department of Biological Engineering, Inha University, Incheon, Korea, ²Department of Mechanical Engineering, Inha University, Incheon, Korea, ³Biohybrid Systems Research Center (BSRC), Inha University, Incheon, Korea)
- 1C1608*** DNA Hairpin Based Spore Detection through α-Hemolysin Nanopores
Hyunil Ryu^{1,2}, Joongjin Park^{1,3}, Min-Cheol Lim³, Jiwook Shim⁴, Sun Min Kim^{1,5}, Young-Rok Kim³, Tae-Joon Jeon^{1,2} (¹Department of Biological Engineering, Inha University, ²Biohybrid Systems Research Center (BSRC), Inha University, ³Institute of Life Sciences and Resources & Department of Food Science and Biotechnology, Kyung Hee University, ⁴Department of Biomedical Engineering, Rowan University, ⁵Department of Mechanical Engineering, Inha University)

13:20～16:20 D 会場（全学教育棟 2 階 E201）／Room D (Room E201, General Education Bldg. 2F)
 1D バイオイメージング I / Bioimaging I

- 1D1320*** ハナガサクラゲ由来の耐酸性・单量体型 GFP
 Acid-tolerant monomeric GFP derived from jellyfish *Oliindias formosa*
 ○篠田 肇¹, Ma Yuanqing¹, 中島 良介², 櫻井 啓介², 松田 知己^{1,2}, 永井 健治^{1,2} (¹阪大・工, ²阪大・産研)
Hajime Shinoda¹, Yuanqing Ma¹, Ryosuke Nakashima², Keisuke Sakurai², Tomoki Matsuda^{1,2}, Takeharu Nagai^{1,2} (¹Grad. Sch. Eng., Univ. Osaka, ²ISIR, Univ. Osaka)

- 1D1332*** 複数の自由行動マウスにおける脳活動計測が可能な化学発光膜電位指示薬の開発
 Development of a chemiluminescent voltage indicator applicable to a brain activity recording in freely-behaving multiple mice
 ○稻垣 成矩¹, 揚妻 正和², 筒井 秀和^{3,4}, 大原 慎也⁵, 新井 由之⁶, 神野 有香⁴, 白 貴裕⁶, 飯島 敏夫⁵, Daniels Matthew⁷, 岡村 康司^{1,4}, 松田 知己⁶, 永井 健治^{1,6} (¹阪大・生命, ²基盤神経・生理研, ³北陸先端大・マテリアル, ⁴阪大・医学, ⁵東北大・生命, ⁶阪大・産研, ⁷Div of Card Med, Univ of Oxford)
Shigenori Inagaki¹, Masakazu Agetsuma², Hidekazu Tsutsui^{3,4}, Shinya Ohara⁵, Yoshiyuki Arai⁶, Yuka Jinno⁴, Guirong Bai⁶, Toshio Ijima⁵, Matthew Daniels⁷, Yasushi Okamura^{1,4}, Tomoki Matsuda⁶, Takeharu Nagai^{1,6} (¹FBS, Osaka Univ, ²Dep of Dev Physiol, NIPS, ³Dep of Mat Science, JAIST, ⁴Grad Sch of Med, Osaka Univ, ⁵Grad Sch of Life Sci, Tohoku Univ, ⁶ISIR, Osaka Univ, ⁷Div of Card Med, Univ of Oxford>)
- 1D1344*** 細胞内グルタチオンの求核付加・解離平衡に基づく超解像蛍光イメージングプローブの開発
 Development of spontaneously blinking fluorophores based on nucleophilic addition of intracellular glutathione for superresolution imaging
 ○両角 明彦^{1,4}, 神谷 真子^{2,5}, 宇野 真之介¹, 梅澤 啓太郎¹, 吉原 利忠³, 飛田 成史³, 浦野 泰照^{1,2,4} (¹東大院薬, ²東大院医, ³群馬大院理工, ⁴AMED CREST, ⁵JST さきがけ)
Akihiko Morozumi^{1,4}, Mako Kamiya^{2,5}, Shin-nosuke Uno¹, Keitaro Umezawa¹, Toshitada Yoshihara³, Seiji Tobita³, Yasuteru Urano^{1,2,4} (¹Grad. Sch. of Pharm. Sci., The Univ. of Tokyo, ²Grad. Sch. of Med., The Univ. of Tokyo, ³Grad. Sch. Sci. Tech., Gunma Univ., ⁴AMED CREST, ⁵JST PRESTO)
- 1D1356*** 新規微分干渉顕微法を用いた生細胞ヘテロクロマチンにおける物質密度のイメージング
 Density imaging of heterochromatin in live cells using orientation-independent-DIC microscopy
 ○今井 亮輔^{1,2}, 野崎 慎¹, 谷 知己³, 海津 一成⁴, 日比野 佳代^{1,2}, 井手 聖^{1,2}, 田村 佐知子¹, 高橋 恒一⁴, Shribak Michael³, 前島 一博^{1,2} (¹遺伝研・構造遺伝学研究センター, ²総研大・生命科学研究所・遺伝学専攻, ³Marine Biological Lab., Woods Hole, USA, ⁴理研・生命システム研究センター)
Ryosuke Imai^{1,2}, Tadasu Nozaki¹, Tomomi Tani³, Kazunari Kaizu⁴, Kayo Hibino^{1,2}, Satoru Ide^{1,2}, Sachiko Tamura¹, Koichi Takahashi⁴, Michael Shribak³, Kazuhiro Maeshima^{1,2} (¹Struct. Biol. Center, Natl. Inst. of Genet., ²Dept. of Genet., Sch. of Life Sci., SOKENDAI, ³Marine Biological Lab., Woods Hole, USA, ⁴Quant. Biol. Center, RIKEN)
- 1D1408*** Development of Bioluminescent Low Affinity Ca²⁺ Indicators Applicable to Analyze Ca²⁺ Dynamics in Endoplasmic Reticulum
Nadim Hossain Md¹, Kazushi Suzuki^{1,2}, Megumi Iwano², Tomoki Matsuda^{1,2}, Takeharu Nagai^{1,2} (¹Graduate School of Engineering, Osaka University, ²The Institute of Scientific & Industrial Research (ISIR), Osaka University)
- 休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26
- 1D1426** Single-cell quantitative analysis of ATP concentration by fluorescence lifetime imaging microscopy
Hideki Itoh¹, Satoshi Arai², Thankiah Sudhaharan¹, Tetsuya Kitaguchi³, E. Birgitte Lane¹ (¹Inst. of Med. Biol. (Imb), Agcy. for Sci., Tech. and Res. (A*STAR), Singapore, ²Res. Inst. Sci. Eng., Waseda Univ., Japan, ³WASEDA Biosci. Inst. Singapore (WABIOS), Singapore)
- 1D1438** 熱產生する褐色脂肪細胞における Ca²⁺ を伴う 3 相のミトコンドリア pH 変化
 Triphasic mitochondrial pH changes associated with Ca²⁺ for heat production in stimulated brown adipocytes
 ○鈴木 団^{1,2} (¹JST さきがけ, ²早稲田大・理工研)
Madoka Suzuki^{1,2} (¹PRESTO, JST, ²Res. Inst. Sci. & Eng., Waseda Univ.)
- 1D1450*** ヒト 2 型自然リンパ球の 1 細胞実時間イメージングによる 2 型サイトカイン応答観察に基づいた新規アレルギー診断の可能性
 Potentiality for novel allergy diagnosis by real-time single-cell secretion imaging of human type 2 innate lymphoid cells
 ○宮田 楓¹, 白崎 善隆^{1,2}, 鈴木 信勇¹, 馬場 里英³, 加畑 宏樹³, 山岸 舞^{1,2}, 小原 收², 福永 興喜³, 茂呂 和世², 上村 想太郎¹ (¹東京大学 大学院理学系研究科, ²理化学研究所 統合生命医科学研究センター, ³慶應大学 呼吸器内科)
Kaede Miyata¹, Yoshitaka Shirasaki^{1,2}, Nobutake Suzuki¹, Rie Baba³, Hiroki Kabata³, Mai Yamagishi^{1,2}, Osamu Ohara², Koichi Fukunaga³, Kazuyo Moro², Sotaro Uemura¹ (¹Graduate School of Tokyo, ²Institute of Physical and Chemical Research, IMS., ³Division of Pulmonary Medicine, Keio University)
- 1D1502*** 生理的条件下の細胞形態変化に伴う ATP レベル変動の定量的解析
 Spatiotemporal quantification of native ATP dynamics during changes in cellular morphology
 ○鈴木 李夏, 堀田 耕司, 岡 浩太郎 (慶應義塾大学大学院理工学研究科)
Rika Suzuki, Kohji Hotta, Kotaro Oka (Grad. Sch. Sci and Tech., Keio Univ.)
- 1D1514*** 独立成分解析 (ICA) を利用したマウス全脳の匂い BOLD 応答検出
 Detection of the odor BOLD response in the mouse whole brain, using independent component analysis (ICA)
 ○船津 大嗣, 林 芙優, 吉永 壮佐, 杠 直哉, 草薙 俊輔, 武田 光広, 寺沢 宏明 (熊本大・院生命科学)
Hirotsugu Funatsu, Fuyu Hayashi, Sosuke Yoshinaga, Naoya Yuzuriha, Shunsuke Kusanagi, Mitsuhiro Takeda, Hiroaki Terasawa (Fac. Life Sci. Kumamoto Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1D1532*** 過渡的刺激に対する2型自然リンパ球(ILC2)の確率的な分泌応答
 Stochastic Secretion Response to Transient Stimulus of Type-2 Innate Lymphoid Cells (ILC2)
 ○依田 和樹, 鈴木 信勇, 上村 想太郎, 白崎 善隆 (東大・院・理・生物科学)
Kazuki Yoda, Nobutake Suzuki, Sotaro Uemura, Yoshitaka Shirasaki (*Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo*)
- 1D1544*** 一粒子輝度イメージングによるグルココルチコイド受容体二量体の生細胞内時空間分布解析
 Shot noise free number and brightness analysis visualizes spatio-temporal distribution of glucocorticoid receptor dimer in living cells
 ○福島 綾介¹, 山本 条太郎², 金城 政孝² (¹北大・生命科学院, ²北大・先端生命)
Ryosuke Fukushima¹, Jotaro Yamamoto², Masataka Kinjo² (¹*Grad. Sch. Life Sci., Hokkaido Univ.*, ²*Fac. Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.*)
- 1D1556*** 顕微ラマン分光法によるバクテリアー細胞の代謝活性測定
 Single bacterial cell analysis of metabolic activity by Raman microspectroscopy
 ○加藤 陽太¹, 上野 博史¹, 野地 博行^{1,2} (¹東大・院工, ²JST・ImPACT)
Yota Kato¹, Hiroshi Ueno¹, Hiroyuki Noji^{1,2} (¹*Grad. Sch. Eng., Univ. Tokyo*, ²*ImPACT, JST*)
- 1D1608*** 高速AFMが大腸がん細胞における核膜孔の選択的なゲートの喪失を明らかにした
 Loss of Nuclear Pore Selective Barrier Revealed by High-Speed Atomic Force Microscopy in Colorectal Cancer Cells
 ○モハメド マフムード シャバン^{1,2,3,4}, 小林 亜紀子^{1,2,3,4}, 田岡 東⁴, 中山 隆宏², 菊池 洋輔⁴, 羽澤 勝治^{1,2,3,4}, みなもと としなり⁵, 福森 義宏⁴, 古寺 哲幸², 内橋 貴之², 安藤 敏夫², ウォング リチャード^{1,2,3,4} (¹金沢大学 セルバイオノミクスユニット, ²金沢大学 バイオAFMフロンティア研究センター, ³金沢大学 工理工研分子細胞生物学研究室, ⁴金沢大学 工理工研, ⁵金沢大学がん研究所の翻訳・臨床腫瘍学部門)
Mahmoud Shaaban Mohamed^{1,2,3,4}, Akiko Kobayashi^{1,2,3,4}, Azuma Taoka⁴, Takahiro Watanabe-Nakayama², Yosuke Kikuchi⁴, Masaharu Hazawa^{1,2,3,4}, Toshinari Minamoto⁵, Yoshihiro Fukumori⁴, Noriyuki Kodera², Takayuki Uchihashi², Toshio Ando², Richard Wong^{1,2,3,4} (¹*Cell-Bionomics Research Unit, Kanazawa Univ.*, ²*Bio-AFM Frontier Research Center, Kanazawa Univ.*, ³*Lab of Mol. Cell Biol. Institute of Science and Engineering, Kanazawa Univ.*, ⁴*Institute of Science and Engineering, Kanazawa Univ.*, ⁵*Division of Translational and Clinical Oncology, Cancer Res. Inst., Kanazawa Univ.*)

13:20～16:20 E会場（全学教育棟2階E203）／Room E (Room E203, General Education Bldg. 2F)
 1E 水・水和／電解質、蛋白質：物性、蛋白質工学、生命情報科学、核酸 I /
 Water & Hydration & Electrolyte, Proteins: Property, Engineering, Bioinformatics, Nucleic acid I

- 1E1320*** 水-タンパク質間相互作用のための連続体モデルによる分散力エネルギー計算
 Continuum-model-based Dispersion Energy Calculation for Protein-Water Interaction
 ○パーキン 暖, 水原 志暢, 高野 光則 (早大・物理応物)
Dan Parkin, Yukinobu Mizuhara, Mitsunori Takano (*Dept. of Pure & Appl. Phys., Waseda Univ.*)
- 1E1332** 気液界面におけるタンパク質の変性
 Protein Unfolding at the Air-Water Interface
 ○矢野 陽子¹, 荒川 悅雄², フォグリ ウォルフガング², 亀沢 知夏², 松下 正³ (¹近畿大学理工学部物理学コース, ²東京学芸大学基礎自然科学講座物理学分野, ³高エネルギー加速器研究機構物質構造化学研究所)
Yohko Yano¹, Etsuo Arakawa², Wolfgang Voegeli², Chika Kamezawa², Tadashi Matsushita³ (¹*Department of Physics, Kindai University*, ²*Department of Physics, Tokyo Gakugei University*, ³*Photon Factory, Institute of Materials Structure Science, KEK*)
- 1E1344** Unexpected heterogeneity and slow dynamics of simple poly-alanine peptides detected by single molecule fluorescence spectroscopy
 Supawich Kamonprasertsuk^{1,2}, Hiroyuki Oikawa^{1,2}, Satoshi Takahashi^{1,2} (¹*Institute for Multidisciplinary Research for Advanced Materials, Tohoku University*, ²*Department of Chemistry, Graduate School and Faculty of Science, Tohoku University*)
- 1E1356** 二次元蛍光寿命相関分光法によるシトクロムcのフォールディング過程の部位選択的な観測
 Site-selective observation of folding dynamics of cytochrome c by two-dimensional fluorescence lifetime correlation spectroscopy
 ○坂口 美幸¹, 山中 優², 廣田 俊², 石井 邦彦^{1,3}, 田原 太平^{1,3} (¹理研・田原分子分光, ²奈良先端大・物質創成, ³理研・光量子工学領域)
Miyuki Sakaguchi¹, Masaru Yamanaka², Shun Hirota², Kunihiko Ishii^{1,3}, Tahei Tahara^{1,3} (¹*Msl, RIKEN*, ²*Grad. Sch. Mat. Sci., NAIST*, ³*RAP, RIKEN*)
- 1E1408*** Oct4の2つのDNA結合サブドメインを結ぶlinker領域の構造多様性
 Structural variety of the linker connecting two DNA-binding subdomains of Oct4
 ○速水 智教^{1,2}, 高田 彰二³, 笠原 浩太⁴, 中村 春木¹, 肥後 順一¹ (¹阪大・蛋白研, ²阪大・院生命機能, ³京大・院理学・生物物理, ⁴立命館大・生命・生情)
Tomonori Hayami^{1,2}, Shoji Takada³, Kota Kasahara⁴, Haruki Nakamura¹, Junichi Higo¹ (¹*IPR, Osaka Univ.*, ²*Grad. Sch. Fro. Bio., Osaka Univ.*, ³*Dept. Biophys., Grad. Sch. Sci., Kyoto Univ.*, ⁴*Dept. Bioinfo., Col. Life Sci., Ritsumeikan Univ.*)

休憩 (Coffee Break) 14:20-14:26

- 1E1426*** フィブリノーゲンによるアミロイド線維形成阻害機構の解明
 Investigation of inhibition mechanism of fibrinogen in the amyloid fibrillation
 ○赤井 大気, 山本 直樹, 茶谷 紗理 (神戸大・院・理)
Taiki Akai, Naoki Yamamoto, Eri Chatani (*Grad. Sch. of Sci., Kobe Univ.*)

- 1E1438*** プリオンアプタマーはアルツハイマー病に関するプリオン蛋白質と A β オリゴマーの複合体の形成を阻害する
 An anti-prion aptamer inhibits the formation of prion protein-amyloid β oligomer complex that is related to Alzheimer's disease
 ○飯田 真美子^{1,2}, 真嶋 司^{1,2}, 山置 佑大¹, 永田 崇^{1,2}, 片平 正人^{1,2} (¹京都大学 エネルギー理工学研究所, ²京都大学大学院 エネルギー科学研究所)
Mamiko Iida^{1,2}, Tsukasa Mashima^{1,2}, Yudai Yamaoki¹, Takashi Nagata^{1,2}, Masato Katahira^{1,2} (¹Inst. of Adv. Energy, Kyoto Univ., ²Grad. Sch. of Energy Sci., Kyoto Univ.)
- 1E1450*** Photo cross-linking and MS analyses of the amyloid β -peptide oligomers
Mai Kawashita¹, Shintaro Yoshida¹, Sosuke Yoshinaga¹, Mitsuhiro Takeda¹, Ayumi Tanaka¹, Takashi Hamaguchi¹, Hitomi Yamaguchi¹, Shigeto Iwamoto¹, Takashi Saito², Yoshihiko Takinami³, Toshiyuki Kohno⁴, Takaomi C. Saido², Hiroaki Terasawa¹ (¹Fac. Life Sci., Kumamoto Univ., ²RIKEN, Inst. Phys. Chem. Res., ³Bruker Daltonics, ⁴Kitasato Univ. Sch. Med.)
- 1E1502** アミロイド分解能を有する人工ペプチドの設計
 Designing artificial peptides that have ability to hydrolyze amyloid fibrils
 ○飯田 穎弘, 田村 厚夫 (神戸大 院理)
Yoshihiro Iida, Atsuo Tamura (Grad. Sch. Sci., Univ. Kobe)
- 1E1514** 再設計法と新規設計法による膜貫通アルファヘリックスペプチドバレルの開発
 Redesign and de novo design of transmembrane alpha-helical peptide barrels
 ○新津 藍^{1,2}, Mahendran Kozhinjampara³, Thomson Andrew R.⁴, Beyley Hagan³, 杉田 有治¹, Woolfson Derek N.² (¹理研・和光, ²ブリストル大学, ³オックスフォード大学, ⁴グラスゴー大学)
Ai Niitsu^{1,2}, Kozhinjampara R. Mahendran³, Andrew R. Thomson⁴, Hagan Beyley³, Yuji Sugita¹, Derek N. Woolfson² (¹Wako Inst, RIKEN, ²Univ. Bristol, ³Univ. Oxford, ⁴Univ. Glasgow)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1E1532*** Rational design of a novel affinity ligand for antibody purification by controlling the pH-sensitive antibody interaction
Yoshiki Oka¹, Taihei Sawada¹, Takahiro Watanabe¹, Hisashi Kudo¹, Manami Wada¹, Hidenobu Kawai¹, Mari Chang², Yuuki Hayashi¹, Munehito Arai^{1,2} (¹Dept. Life Sci., Univ. Tokyo, ²Dept. Phys., Univ. Tokyo)
- 1E1544** メニコアプロセッサ向け蛋白質・リガンドドッキングエンジン sievgene_M の開発
 Development of protein-ligand docking engine sievgene_M for manycore processors
 ○杉原 崇憲^{1,2}, 黒澤 隆^{2,3}, 中村 寛則⁴, 真下 忠彰^{2,5}, 福西 快文^{2,6}, 中村 春木^{2,7} (¹（一社）バイオ産業情報化コンソーシアム, ²次世代天然物化学技術研究組合, ³（株）日立ソリューションズ東日本, ⁴（株）バイオモデリングリサーチ, ⁵（株）情報数理バイオ, ⁶産総研molprof, ⁷阪大蛋白研)
Takanori Sugihara^{1,2}, Takashi Kurosawa^{2,3}, Hironori Nakamura⁴, Tadaaki Mashimo^{2,5}, Yoshifumi Fukunishi^{2,6}, Haruki Nakamura^{2,7} (¹JBIC, ²N2PC, ³Hitachi Solutions East Japan, Ltd., ⁴Biomodeling Research Co., Ltd., ⁵IMSBIO Co., Ltd., ⁶AIST/molprof, ⁷Inst. for Protein Research, Osaka Univ.)
- 1E1556*** Analysis of protein pockets using a fast and efficient comparison method with a reduced vector representation
Tsukasa Nakamura¹, Kentaro Tomii^{1,2,3} (¹CBMS, GSFS, Univ. Tokyo, ²AIRC, AIST, ³BRD, AIST)
- 1E1608*** Phase transition in a single giant DNA molecule: Differences between 1-propanol and 2-propanol aqueous solutions
Yue Ma, Yuko Yoshikawa, Koichiro Sadakane, Takahiro Kenmotsu, Kenichi Yoshikawa (Graduate School of Life and Medical Sciences, Doshisha University)

13:20～16:08 F 会場 (全学教育棟 2 階 E205) / Room F (Room E205, General Education Bldg. 2F)

1F 蛋白質：構造、構造機能相関 I, 計測・解析の方法論 /
 Proteins: Structure, Structure-function relationship I, Measurement & Analysis

- 1F1320*** 光依存性内向きプロトンポンプ PoXeR の X 線結晶構造解析
 Crystal structure of PoXeR, a light-driven inward proton pump
 ○生田 達也, 石谷 隆一郎, 濑木 理 (東大・院理・生物科学)
Tatsuya Ikuta, Ryuichiro Ishitani, Osamu Nureki (Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo)
- 1F1332*** Crystal structure of mammalian Claudin3 in complex with a toxin
Shun Nakamura¹, Katsumasa Irie^{1,2}, Hiroo Tanaka³, Atsushi Tamura³, Sachiko Tsukita³, Yoshinori Fujiyoshi² (¹Grad. Sch. Pharm., Univ. Nagoya, ²CeSPI, Univ. Nagoya, ³Grad. Sch. Med., Univ. Osaka)
- 1F1344*** Ca²⁺/Zn²⁺結合型ヒト S100A3 蛋白質四量体の X 線結晶構造解析に向けての研究
 The studies for X-ray crystallographic analysis of the Ca²⁺ and Zn²⁺ bound human S100A3 protein tetramer
 ○井手 賢司¹, 木澤 謙司², 北西 健一¹, 海野 昌喜^{1,3} (¹茨城大院理工, ²花王 (株), ³茨城大IFRC)
Kenji Ite¹, Kenji Kizawa², Kenichi Kitanishi¹, Masaki Unno^{1,3} (¹Grad. Sch. Eng., Ibaraki Univ., ²Kao Corp., ³IFRC, Ibaraki Univ.)

- 1F1356*** 銅輸送チャネルにおける金属結合モチーフの構造変化と、それに伴う脂質二重膜への埋没
 Structural change of the metal binding motif of copper transporter induces the embedding of the motif into lipid bilayer
 ○岡田 稔子¹, 三浦 隆史², 中林 孝和¹ (¹東北大・院薬学, ²医療福祉大・薬学)
Mariko Okada¹, Takashi Miura², Takakazu Nakabayashi¹ (¹Grad. Sch. Pharm. Sci., Tohoku Univ., ²Dept. of Pharm. Sci., Int'l Univ. of Health and Welfare)
- 1F1408*** 高速AFM観察で明らかにされたα7ホモ14量体のα6による解体過程
 High-speed AFM reveals disassembly process homo-tetradecamer of proteasomal α7 subunit induced by interaction with α6 subunit
 ○小財 稔矢¹, 佐藤 匠史², 矢木 宏和², 内橋 貴之³, 加藤 晃一^{2,4,5} (¹金沢大・院数物, ²名市大・院薬, ³名大・理学, ⁴岡崎統合バイオ, ⁵総研大)
Toshiya Kozai¹, Tadashi Satoh², Hirokazu Yagi², Takayuki Uchihashi³, Koichi Kato^{2,4,5} (¹Grad. Sch. Math. & Phys., Kanazawa Univ., ²Grad. Sch. Pharm. Sci., Nagoya City Univ., ³Dept. Phys., Nagoya Univ., ⁴Okazaki Inst. Integ. Biosci., ⁵Nat. Univ., SOKENDAI)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

- 1F1426*** コンピュータシミュレーションによるリゾチームとαラクトアルブミンのモルテングロビュール状態の構造探索
 Exploring Structures of the Molten Globule State of Lysozyme and αLactalbumin by Computer Simulations
 ○清水 政宏, 岡本 祐幸 (名古屋大学大学院理学研究科物理化学教室)
Masahiro Shimizu, Yuko Okamoto (Dept. Phys., Sch. Sci., Univ. Nagoya)
- 1F1438*** 乾燥過程におけるG3LEAモデルペプチドの生体膜保護に関する計算化学的研究
 Molecular dynamics study of the protective function of G3LEA model peptide on dried POPC bilayer
 ○高橋 佑太, 古田 忠臣, 櫻井 実 (東京工業大学バイオ研究基盤支援総合センター 櫻井研究室)
Yuta Takahashi, Tadaomi Furuta, Minoru Sakurai (Center for Biol. Res. & Inform., Tokyo Tech)
- 1F1450*** 時計タンパク質KaiCのリン酸化とATP加水分解による構造変化メカニズム
 Conformational change by phosphorylation and ATP hydrolysis in the cyanobacterial circadian oscillator KaiC
 ○大山 克明¹, 浅井 智広², 寺内 一姫^{1,2} (¹立命館大学大学院 生命科学研究科, ²立命館大学 生命科学部)
Katsuaki Oyama¹, Chihiro Azai², Kazuki Terauchi^{1,2} (Graduate School of Life Sciences, Ritsumeikan University, ²College of Life Sciences, Ritsumeikan University)
- 1F1502*** Computational investigation of conformational dynamics in Tom20/mitochondrial targeting signal complex
 Arpita Srivastava¹, Osamu Miyashita², Florence Tama^{1,2,3} (¹Grad. Sch. Sci., Nagoya Univ., ²Adv. Inst. Comp. Sci., RIKEN, ³Inst. of Transformative Bio-Molecules, Nagoya Univ.)
- 1F1514*** 分子動力学法による野生型・変異型エリスロポエチン受容体の動的解析
 Dynamical analysis of wild type and mutant erythropoietin receptors by molecular dynamics simulations
 ○唐澤 直之, 光武 亜代理, 高野 宏 (慶大・理工)
Naoyuki Karasawa, Ayori Mitsutake, Hiroshi Takano (Grad. Sch. Sci. Technol., Keio Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1F1532*** 抗原ペプチドの硫酸化がペプチド-抗体間相互作用に与える影響の熱力学的解析
 Thermodynamic analysis of the effect of sulfation on a peptide-antibody interaction
 ○宮鍋 一紘¹, 秋葉 宏樹², 高松 佑一郎³, 山下 雄史³, ホセ カアベイロ⁴, 津本 浩平¹ (¹東大院・工, ²医薬健康研, ³東大・先端研, ⁴九大院・薬)
Kazuhiko Miyanabe¹, Hiroki Akiba², Yuichiro Takamatsu³, Takefumi Yamashita³, Caaveiro Jose⁴, Kouhei Tsumoto¹ (¹Sch. Eng., Univ. Tokyo, ²NIBIOHN, ³RCAST, Univ. Tokyo, ⁴Grad. Sch. Pharm. Sci., Kyushu. Univ)
- 1F1544*** Structure-based analyses of the interaction between the chemokine receptor-regulator FROUNT and novel anti-inflammatory compounds
 Soichiro Ezaki¹, Sosuke Yoshinaga¹, Norihito Ishida¹, Mitsuhiro Takeda¹, Kaori Yunoki¹, Yuya Terashima², Etsuko Toda², Kouji Matsushima², Hiroaki Terasawa¹ (¹Fac. Life Sci., Kumamoto Univ., ²Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo)
- 1F1556** Laser processing of protein crystals for native SAD data collection
 Ayaka Harada¹, Naohiro Matsugaki^{1,2}, Yoshiaki Kawano³, Masaki Yamamoto³, Toshiya Senda^{1,2} (¹KEK, PF, Structural Biology Research Center, ²The Grad. Univ. for Advanced Studies, School of High Energy Accelerator Science, ³RIKEN/SPring8)

13:20～16:20 G会場（全学教育棟3階C301）／Room G (Room C301, General Education Bldg. 3F)

1G 蛋白質：機能, ヘム蛋白質I, 核酸結合蛋白質 / Proteins: Function, Heme proteins I, Nucleic acid binding proteins

- 1G1320** 線虫 *C. elegans* の低温耐性から見た不凍タンパク質の機能解析、および生体内X線一分子観察
 In vivo X-ray single molecule observation and functional analysis of antifreeze proteins for cold tolerance in *C. elegans*
 ○倉持 昌弘¹, 高梨 千晶¹, 関口 博史², 戸井 基道³, 津田 栄⁴, 佐々木 裕次¹ (¹東京大学・院新領域, ²高輝度光科学研究センター, ³産総研・バイオメティカル, ⁴産総研・生物プロセス)
Masahiro Kuramochi¹, Chiaki Takanashi¹, Hiroshi Sekiguchi², Motomichi Doi³, Sakae Tsuda⁴, Yuji C Sasaki¹ (¹Grad. Sch. Front. Sci., Univ. Tokyo, ²JASRI, ³Biomedical R.I., AIST, ⁴Bioproduction R.I., AIST)

- 1G1332** A mechanism of enzymatic activation of Cu/Zn-superoxide dismutase by its copper chaperone
Yoshiaki Furukawa, Mami Fukuoka (*Dept. of Chemistry, Keio Univ.*)
- 1G1344** Pin1 の酵素反応におけるタンパク質ダイナミクスの重要性
Crucial role of enzyme dynamics in the catalytic reaction mechanism of Pin1
○森 俊文^{1,2}, 斎藤 真司^{1,2} (¹分子研, ²総研大)
Toshifumi Mori^{1,2}, Shinji Saito^{1,2} (¹IMS, ²SOKENDAI)
- 1G1356*** ラン藻由来炭化水素合成関連酵素の活性と可溶性の向上
Improving activity and solubility of cyanobacterial enzymes for hydrocarbon biosynthesis
○工藤 恒, 林 勇樹, 新井 宗仁 (東大・総合文化・生命環境)
Hisashi Kudo, Yuuki Hayashi, Munehito Arai (*Dept. Life Sci., Univ. Tokyo*)
- 1G1408*** 生細胞直接円偏光二色性測定によるシトクロム c 内多核ヘムの配置変化の追跡
Circular Dichroism Spectroscopy of Living Microbe Reveals Redox-Triggered Conformational Change of Heme Cofactors in Cytochromes c
○徳納 吉秀¹, チノタイクン パンティラー¹, 服部 伸吾², 橋本 和仁³, 石井 和之², 岡本 章玄³ (¹東大院工・応用化学, ²東大・生産技術研究所, ³物質材料研究機構)
Yoshihide Tokunou¹, Punthira Chinotaikul¹, Shingo Hattori², Kazuhito Hashimoto³, Kazuyuki Ishii², Akihiro Okamoto³ (*Department of Applied Chemistry, School of Engineering, The University of Tokyo, ²Institute of Industrial Science, The University of Tokyo, ³National Institute for Materials Science*)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

- 1G1426*** 基質 DNA の長さ、濃度、及び標的配列位置が APOBEC3F の脱アミノ活性に及ぼす影響
Influences of length and concentration of the DNA substrate, as well as the location of the target sequence, on deamination by APOBEC3F
○万里^{1,2}, 永田 崇^{1,2}, 片平 正人^{1,2} (¹京都大学 エネルギー理工学研究所, ²京都大学大学院 エネルギー科学研究所)
Li Wan^{1,2}, Takashi Nagata^{1,2}, Masato Katahira^{1,2} (*Institute of Advanced Energy, University of Kyoto, ²Graduate School of Energy Science, University of Kyoto*)
- 1G1438*** (6-4)光回復酵素の光反応過程における基質特異性に関する赤外分光研究
FTIR study of photoreaction of Xenopus (6-4) photolyase on substrate specificity
○熊谷 真衣¹, 山田 大智¹, 岩田 達也², 山元 淳平³, 神取 秀樹¹ (¹名工大・院工, ²東邦大・薬, ³阪大・院基礎工)
Mai Kumagai¹, Daichi Yamada¹, Tatsuya Iwata², Junpei Yamamoto³, Hideki Kandori¹ (*Nagoya Inst. Tech., ²Fac. Pharm. Sci., Toho Univ., ³Grad. Sch. Eng. Sci., Osaka Univ.*)
- 1G1450*** 3D-RISM 計算での溶媒分布と MD から導く EcoRV の DNA 切断反応における水分子と Mg2+の役割
Role of Mg2+ ion and water in DNA hydrolysis by EcoRV, studied by 3D-RISM and MD
○大西 到¹, 砂場 俊哉¹, 本松 良太¹, 安庭 潤治¹, 丸山 豊², 吉田 紀生³, 皿井 明倫¹, 平田 文男⁴, 入佐 正幸¹ (¹九州工大情報工, ²慶應大, ³九大理, ⁴立命館・分子研)
Itaru Onishi¹, Shunya Sunaba¹, Ryota Motomatsu¹, Junji Yasuniwa¹, Yutaka Maruyama², Norio Yoshida³, Akinori Sarai¹, Fumio Hitara⁴, Masayuki Irisa¹ (*Kyushu Inst. of Tech., ²Keio Univ., ³Kyushu Univ., ⁴IMS and Ritsumei Univ.*)
- 1G1502** An arginine side chain in the (6-4) photolyase governs formation of a robust repair-active complex with UV-damaged DNA
Junpei Yamamoto¹, Yuma Terai¹, Ryuma Sato², Ryuhei Harada², Yasuteru Shigeta², Shigenori Iwai¹ (*Grad. Sch. Eng. Sci., Osaka Univ., ²CCS, Univ. Tsukuba*)
- 1G1514** RecA Nucleoprotein Filament Formation on SSB-wrapped DNA Includes RecA-SSB Interaction
Hung-Yi Wu, Chih-Hao Lu, **Hung-Wen Li** (*National Taiwan University*)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1G1532** テロメア長短縮をもたらす TLS/FUS 蛋白質とテロメア DNA および TERRA のグアニン四重鎖との複合体に関する NMR 解析
NMR studies for the complex of TLS/FUS protein and G-quadruplexes of telomeric DNA and TERRA, which induces telomere shortening
○近藤 敬子¹, 真嶋 司^{1,2}, 大吉 崇文³, 黒川 理樹⁴, 小林 直宏⁵, 永田 崇^{1,2}, 片平 正人^{1,2} (¹京都大学・エネルギー理工学研究所, ²京都大学・エネルギー科学研究所, ³静岡大学・理学部, ⁴埼玉医科大学・ゲノム医学研究センター, ⁵大阪大学・蛋白質研究所)
Keiko Kondo¹, Tsukasa Mashima^{1,2}, Takanori Oyoshi³, Riki Kurokawa⁴, Naohiro Kobayashi⁵, Takashi Nagata^{1,2}, Masato Katahira^{1,2} (*Institute of Advanced Energy, Kyoto University, ²Graduate School of Energy Science, Kyoto University, ³Department of Chemistry, Shizuoka University, ⁴Research Center for Genomic Medicine, Saitama Medical University, ⁵Institute for Protein Research, Osaka University*)
- 1G1544** The mechanism of R42me2a promoting the transcription
Zhenhai Li, Hidetoshi Kono (*QST*)
- 1G1556** Modeling Sequence-Specific Protein-DNA Interaction from High-Throughput Experiments
Cheng Tan, Shoji Takada (*Graduate School of Science, Kyoto University*)
- 1G1608** Proteomic analysis of the lncRNA-protein complexes in colon cancer cells
Lumi Negishi, Kenzui Taniue, Yoshihiro Kawasaki, Kosuke Matsumura, Akiko Takahashi, Tetsu Akiyama (*IMCB, Univ. Tokyo*)

13:20～16:20 H会場（全学教育棟3階E303）／Room H (Room E303, General Education Bldg. 3F)
1H 細胞生物学的課題I / Cell biology I

- 1H1320** Actin polymerization signal emitted at the raft nanodomains of the clusters of the anthrax-toxin-receptor complex: a single-molecule study
An-An Liu¹, Yukihiko Kudo², Shihui Liu³, Kenichi Suzuki⁴, Takahiro Fujiwara², Dai-Wen Pang⁵, Stephen Leppla³, Akihiro Kusumi^{1,2} (¹Membrane Cooperativity Unit, Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University (OIST), ²Institute for Integrated Cell-Material Sciences, Kyoto University Institute for Advanced Study, ³Division of Intramural Research, NIAID, NIH, ⁴Center for Highly Advanced Integration of Nano and Life Sciences (G-CHAIN), Gifu University, ⁵College of Chemistry and Molecular Sciences, Wuhan University)
- 1H1332** Functional signaling-fluorescent fusion protein for the dynamics of signaling pathway in E.coli
Ryota Shiono, Akihiko Ishijima, Hajime Hukuoka (Grad. Sch. Frontier Biosci., Osaka Univ)
- 1H1344** 高速AFMによるダイナミン1-アンフィファイジン複合体の動態観察
High-Speed AFM imaging of dynamics of Dynamin1-Amphiphysin1 complexes
○石黒 大輝¹, 竹田 哲也³, 小財 稔矢¹, 背山 佳穂³, 楊 恵然³, 山田 浩司³, 内橋 貴之⁴, 安藤 敏夫², 竹居 孝二³ (¹金沢大・院・物理, ²金沢大・bio-AFM, ³岡山大・医歯薬, ⁴名大理学)
Daiki Ishikuro¹, Tetsuya Takeda³, Toshiya Koza¹, Kaho Seyama³, Huiran Yang³, Hiroshi Yamada³, Takayuki Uchihashi⁴, Toshio Ando², Kohji Takei³ (¹Grad. Sch. Phys., Kanazawa Univ, ²Bio-AFM. FRC., Kanazawa Univ, ³Graduate School of Medicine, Dentistry and Pharmaceutical Sciences, Okayama Univ, ⁴Dept. Phys., Nagoya Univ)
- 1H1356** 高速AFMによる生細胞表面の分子イメージング
Molecular imaging on living bacterial cell surface by high speed AFM
○山下 隼人^{1,2}, 田岡 東^{3,4}, 福森 義宏³, 阿部 真之¹ (¹阪大・院基礎工, ²JSTさきがけ, ³金沢大・理工, ⁴金沢大・バイオAFMセンター)
Hayato Yamashita^{1,2}, Azuma Taoka^{3,4}, Yoshihiro Fukumori³, Masayuki Abe¹ (¹Grad. Sch. of Eng. Sci. Osaka Univ, ²PRESTO, JST, ³Inst. Sci. and Eng., Kanazawa Univ., ⁴Bio-AFM Frontier Research Center, Kanazawa Univ.)
- 1H1408** First evaluation of permeabilities across the actin-based compartment barriers in the plasma membrane
Alexey Yudin¹, Takahiro Fujiwara², Takaaki Tsunoyama¹, Akihiro Kusumi^{1,2} (¹Membrane Cooperativity Unit, Okinawa Institute of Science and Technology Graduate University (OIST), ²Institute for Integrated Cell-Material Sciences (WPI-iCeMS), Kyoto University)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

- 1H1426*** メカノストレスによる歯周組織リモデリング機構の解明
Effects of Mechanical Stress on Remodeling of Periodontal Ligament
○藤田 彩乃^{1,2}, 森松 賢順², 西山 雅祥³, 高柴 正悟¹, 成瀬 恵治² (¹岡山大学大学院医歯薬学総合研究科歯周病態学分野, ²岡山大学大学院医歯薬学総合研究科システム生理学, ³京都大学大学院医学研究科人間健康科学系専攻)
Ayano Fujita^{1,2}, Masatoshi Morimatsu², Masayoshi Nishiyama³, Shogo Takashiba¹, Keiji Naruse² (¹Department of Pathophysiology-Periodontal Science, Okayama University Graduate School of Medicine, Dentistry and Pharmaceutical Sciences, ²Department of Pathophysiology-Periodontal Science, Okayama University Graduate School of Medicine, Dentistry and Pharmaceutical Sciences, ³Human Health Sciences, Graduate School of Medicine, Kyoto University)
- 1H1438** 加圧・脱圧による芽胞ジピコリン酸の流出：高圧NMRによるリアルタイム観測
How can pressure release DPA from bacterial spores? A study by high pressure NMR
○赤坂 一之¹, 前野 寛大², 金折 賢二³, 山崎 彰⁴ (¹京都府立医大, ²関西医大, ³京都工織大, ⁴越後製菓)
Kazuyuki Akasaka¹, Akihiro Maeno², Kenji Kanaori³, Akira Yamazaki⁴ (¹Kyoto Prefectural University of Medicine, ²Kansai Medical University, ³Kyoto Institute of Technology, ⁴Echigoseika Co.)
- 1H1450** 光照射によるインアクティブな珪藻細胞の刺激
Stimulation of inactive diatom cells by light irradiation
○梅村 和夫¹, 近藤 駿佑¹, 熊代 善一², 真山 茂樹³ (¹東理大・理, ²東女医大, ³東学大)
Umemura Kazuo¹, Shunsuke Kondo¹, Yoshikazu Kumashiro², Shigeki Mayama³ (¹Tokyo Univ Sci, ²Tokyo Women's Medical University, ³Tokyo Gakugei University)
- 1H1502*** 滑走するヒト肺炎原因菌 *Mycoplasma pneumoniae* の“あし”P1 adhesin
P1 adhesin, the leg for gliding of *Mycoplasma pneumoniae*
○松本 優¹, 川本 晃大², 加藤 貴之², 川北 祥人¹, 見理 剛³, 森 茂太郎³, 難波 啓一^{2,4}, 宮田 真人^{1,5} (¹大市大・院理, ²阪大・院生命機能, ³感染研・武蔵村山, ⁴理研・吹田, ⁵大市大・複合先端)
U Matsumoto¹, Akihiro Kawamoto², Takayuki Kato², Yoshito Kawakita¹, Tsuyoshi Kenri³, Shigetaro Mori³, Keiichi Namba^{2,4}, Makoto Miyata^{1,5} (¹Grad. Sch. Sci., Osaka City Univ., ²Grad. Sch. Front. Biosci., Univ. Osaka, ³Dept. Bacteriology II, NIID, ⁴QBiC, RIKEN, ⁵OCARINA, Osaka City Univ.)
- 1H1514*** 非熱的に駆動された細胞内部の混み合いガラス状態
Molecular crowding glass driven by metabolic activity in cells
○西澤 賢治, 水野 大介 (九大物理)
Kenji Nishizawa, Daisuke Mizino (Dept. of Phys., Kyushu Univ.)

- 1H1532*** NF-κB 転写因子の細胞質・核内移行の一細胞動態はその発現量によって自己制御される
Single-cell cytoplasmic-nuclear shuttling of transcription factor NF-κB is auto-regulated by the expression level
○宮本 佑¹, 有吉 哲郎², 稲葉 岳彦³, 岩本 一成⁴, 長谷 耕二¹, 佐甲 靖志³, 岡田 康志², 岡田 真里子⁴ (¹慶應大 院薬, ²理研 QBiC, ³理研 和光, ⁴大阪大 蛋白研)
Yu Miyamoto¹, Tetsuro Ariyoshi², Takehiko Inaba³, Kazunari Iwamoto⁴, Koji Hase¹, Yasushi Sako³, Yasushi Okada², Mariko Okada⁴ (¹Keio Univ. Pharmacy, ²RIKEN QBiC, ³RIKEN Wako, ⁴Osaka Univ. Protein Research)
- 1H1544*** 誘引場への追従性能と細胞の前後極性から理解する好中球様 HL60 細胞の走化性運動
Chemotactic analysis of neutrophil-like HL60 cells based on cells' persistent polarity and immediate responsiveness to chemoattractant
○石田 元彦¹, 中島 昭彦², 澤井 哲^{1,2} (¹東京大学大学院総合文化研究科広域科学専攻, ²複雑系生命システム研究センター)
Motohiko Ishida¹, Akihiko Nakajima², Satoshi Sawai^{1,2} (¹Dept. Basic Sci., Grad. Sch. of Arts & Sci., Univ. of Tokyo, ²Research Center for Complex Systems Biology, Grad. Sch. of Arts & Sci., Univ. of Tokyo)
- 1H1556*** 植物細胞内でシロイヌナズナアクチナソーム (ACT2, ACT7) は異なった局在を示す
Arabidopsis vegetative actin isoforms, ACT2 and ACT7, show distinct localization in a living plant cell
○貴嶋 紗久^{1,2}, Staiger Christopher J.³, 加藤 薫¹, 光田 展隆⁴, 上田 太郎^{1,5} (¹産総研 バイオメディカル, ²筑波大学 生命環境科学, ³Purdue大学 生物科学, ⁴産総研 生物プロセス, ⁵早稲田大学 先進理工)
Saku T. Kijima^{1,2}, Christopher J. Staiger³, Kaoru Katoh¹, Nobutaka Mitsuda⁴, Taro Q.P. Uyeda^{1,5} (¹Biomedical Res. Inst., AIAT, ²Grad. Sch. Sci., Univ. Tsukuba, ³Dep. Biol. Sci., Purdue Univ., ⁴Bioproduction Res. Inst., AIST, ⁵Dep. of Physics, Fac. Sci. Engin., Waseda Univ.)
- 1H1608*** 大腸菌走化性受容体クラスターにおける状態発振モデルの作成
Computational simulation of spontaneous transition between active and inactive in whole chemoreceptor array in *E. coli*
○濱元 樹¹, 佐川 貴志², 小口 伸³, 福岡 功^{1,3}, 石島 秋彦^{1,3} (¹阪大・基礎工, ²情報通信研究機構, ³阪大・生命機能)
Tatsuki Hamamoto¹, Takashi Sagawa², Shin Koguchi³, Hajime Fukuoka^{1,3}, Akihiko Ishijima^{1,3} (¹Sch. Eng. Sci., Osaka Univ, ²NICT, ³Grad. Sch. Frontier Biosci., Osaka Univ)

13:20～16:20 I会場 (全学教育棟 3階 E305) / Room I (Room E305, General Education Bldg. 3F)

II 光生物：視覚・光受容 I, 光合成 I, 光遺伝学・光制御 I /

Photobiology: Vision & Photoreception I, Photosynthesis I, Optogenetics & Optical Control I

- II1320*** 新たに発見された光駆動型外向きプロトンポンプ DTS ロドプシンの機能解析と分光研究
Functional analysis and spectroscopic study of newly discovered light-driven outward proton pump DTS rhodopsins
○片岡 千尋¹, 井上 圭一^{1,2}, 神取 秀樹¹ (¹名工大院工, ²JSTさきがけ)
Chihiro Kataoka¹, Keiichi Inoue^{1,2}, Hideki Kandori¹ (¹Grad. Sch. Eng., Nagoya Inst. Tech., ²PRESTO, JST)
- II1332*** FTIR study of the T94I rhodopsin mutant in night blindness
Akiko Enomoto¹, Kota Katayama¹, Hiroo Imai², Hideki Kandori¹ (¹Grad. Sch. Eng., Nagoya Inst. Tech., ²Primate Res. Inst., Kyoto Univ.)
- II1344*** 海洋性真核藻類がもつ光駆動カチオンチャネル GtCCR4 の分光解析
Spectroscopic analysis of a light-gated cation channel GtCCR4 from marine algae
○山内 夢叶¹, 今野 雅恵^{1,2}, 伊藤 瑞太¹, 角田 聰^{1,2,3}, 井上 圭一^{1,2,3,4}, 神取 秀樹^{1,2} (¹名工大・院・工, ²名工大・オプトバイオ, ³JST・さきがけ, ⁴名工大・フロンティア)
Yumeka Yamauchi¹, Masaë Konno^{1,2}, Shota Ito¹, Satoshi Tsunoda^{1,2,3}, Keiichi Inoue^{1,2,3,4}, Hideki Kandori^{1,2} (¹Life Sci. Appl. Chem., Grad. Sch. Eng., NIT, ²OBTRC, NIT, ³PREST, JST, ⁴FRIMS, NIT)
- II1356** KR2 の Na⁺輸送経路に位置する水分子の構造変化
Structural Changes of Water Molecules in the Na⁺ Transport Pathway of KR2
○富田 紗穂子¹, 伊藤 瑞太¹, 井上 圭一^{1,2}, 神取 秀樹¹ (¹名古屋工業大学 神取研, ²JSTさきがけ)
Sahoko Tomida¹, Shota Ito¹, Keiichi Inoue^{1,2}, Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²PRESTO, JST)
- II1408** 低温赤外分光法を用いた(6-4)光産物の修復中間体の測定
Low-temperature FTIR study of the repair processes by Xenopus (6-4) photolyase
○山田 大智¹, 山元 淳平², 岩田 達也³, 神取 秀樹¹ (¹名工大院工, ²阪大基礎工, ³東邦大薬)
Daichi Yamada¹, Junpei Yamamoto², Tatsuya Iwata³, Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²Grad. Sch. Eng. Sci., Osaka Univ., ³Fac. Pharm. Sci., Toho Univ.)

- II1426*** 過渡回折格子法を用いた光センサーツンパク質 EL222 の DNA 結合反応測定
Transient grating method revealed a DNA binding process of a light sensor protein EL222
○高門 輝, 中曾根 祐介, 寺嶋 正秀 (京大院理)
Akira Takakado, Yusuke Nakasone, Masahide Terazima (Grad. Sch. Sci. Kyoto Univ.)

- 1I1438** 光回復酵素/クリプトクロムファミリーにおけるFAD酸化還元制御メカニズム研究
The redox control mechanism of FAD in Photolyase/Cryptochrome family
○酒井 結衣¹, 山田 大智¹, 岩田 達也², 神取 秀樹¹ (¹名古屋工業大学, ²東邦大学薬学部)
Yui Sakai¹, Daichi Yamada¹, Tatsuya Iwata², Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²Fac. Pharm. Sci. Toho Univ.)
- 1I1450** 分光法とQM/MM計算を用いたPhotoactive Yellow Protein活性部位の構造解析
Active Site Structures of Photoactive Yellow Protein Revealed by Spectroscopy and QM/MM Calculations
○原口 翔次郎¹, Ren Jie², 藤澤 知績¹, Hoff Wouter D.², 海野 雅司¹ (¹佐賀大院・工学系, ²オクラホマ州立大)
Shojiro Haraguchi¹, Jie Ren², Tomotsumi Fujisawa¹, Wouter D. Hoff², Masashi Unno¹ (¹Grad. Sch. Sci. Eng., Saga Univ., ²Dept. Genet. Mol. Biol., Oklahoma State Univ.)
- 1I1502*** Acquirement of the water splitting ability and uni-directionality of the electron transfer pathway in O₂-evolving photosystem II
Keisuke Kawashima¹, Hiroshi Ishikita^{1,2} (¹Grad. Sch. Eng., Univ. of Tokyo, ²RCAST, Univ. of Tokyo)
- 1I1514*** フェムト秒過渡吸収分光による光化学系II dimerのサブユニット間エネルギー移動ダイナミクスの解明
Intersubunit Energy Transfer Dynamics of Photosystem II Dimer Revealed by Femtosecond Transient Absorption Spectroscopy
○米田 勇祐¹, 片山 哲郎¹, 長澤 裕^{2,3}, 宮坂 博¹, 梅名 泰史⁴ (¹阪大・院基礎工, ²立命館大・生命科学, ³JSTさきがけ, ⁴岡大・異分野)
Yusuke Yoneda¹, Tetsuro Katayama¹, Yutaka Nagasawa^{2,3}, Hiroshi Miyasaka¹, Yasufumi Umena⁴ (¹Grad. Sch. Eng. Sci., Osaka Univ., ²Coll. Life. Sci., Ritsumeikan Univ., ³JST PREST, ⁴Research Inst. Interdisciplinary Sci., Okayama Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1I1532*** The pH-Dependent Optical Property of Chlorophyll c bound to the Light-Harvesting Complex from a Diatom, *Chaetoceros calcitrans*
Nami Yamano¹, Tadashi Mizoguchi², Ritsuko Fujii^{1,3} (¹Grad. Sch. Sci., Osaka City Univ., ²Grad. Sch. Life Sci., Ritsumeikan Univ., ³OCARINA, Osaka City Univ.)
- 1I1544*** 光依存的に環状ヌクレオチド分解活性を示す新規酵素型ロドブシン
A novel enzyme rhodopsin with light-dependent cyclic nucleotide phosphodiesterase activity
○吉田 一帆¹, 角田 聰^{1,2}, Leonid Brown S.³, 神取 秀樹¹ (¹名工大・院工, ²JSTさきがけ, ³ケルフ大学)
Kazuho Yoshida¹, Satoshi Tsunoda^{1,2}, Brown S. Leonid³, Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²JST PRESTO, ³Univ. Guelph)
- 1I1556*** タンパク質間NO転移反応を用いたSNOタンパク質の合成及びその機能の光制御
Photocontrol of SNO protein modified by protein-to-protein transnitrosylation
○黒田 剛¹, 佐藤 一平¹, 黒井 邦巧¹, 平松 弘嗣², 中林 孝和¹ (¹東北大・院薬学, ²交通大・応化学)
Takeshi Kurota¹, Ippei Sato¹, Kunisato Kuroi¹, Hirotugu Hiramatsu², Takakazu Nakabayashi¹ (¹Grad. Sch. Pharm. Sci., Tohoku Univ., ²Dept. Appl. Chem., NCTU)
- 1I1608** 光制御型bZIPモジュールPhotozipperの構造変化の分子機構
Molecular mechanisms for the conformational switching of a light-regulated bZIP module, Photozipper
○久富 修 (阪大・院理)
Osamu Hisatomi (Grad. Sch. Sci., Osaka Univ.)

13:20～16:08 J会場（全学教育棟4階C401）／Room J (Room C401, General Education Bldg. 4F)

1J 非平衡・生体リズム, 数理生物学I, 化学受容, 神経・感覚 /

Nonequilibrium state & Biological rhythm, Mathematical biology I, Chemoreception, Neuroscience & Sensory systems

- 1J1320** 時計タンパク質概日リズムを表現する素過程ベースの反応モデル
An elementary-process-based reaction model of the circadian rhythm of clock proteins
○甲田 信一^{1,2}, 斎藤 真司^{1,2} (¹分子研, ²総研大)
Shin-ichi Koda^{1,2}, Shinji Saito^{1,2} (¹IMS, ²SOKENDAI)
- 1J1332*** Kaiタンパク質間相互作用のリン酸化状態依存性による概日周期の安定性への影響
The influence of phosphorylation states dependence of interaction between Kai proteins on stability of the circadian cycle
○杉山 翔吾¹, 盛 徹也², Byrne Mark³, 内橋 貴之⁴, Johnson Carl H.², 安藤 敏夫^{1,5} (¹金大自, ²Dept. of Biol. Sci., Vanderbilt Univ., ³Dept. Chem. Phys. and Eng., Spring Hill Col., ⁴名大理, ⁵金大バイオAFM FRC)
Shogo Sugiyama¹, Tetsuya Mori², Mark Byrne³, Takayuki Uchihashi⁴, Carl H. Johnson², Toshio Ando^{1,5} (¹Dept. of Phys., Kanazawa Univ., ²Dept. of Biol. Sci., Vanderbilt Univ., ³Dept. Chem. Phys. and Eng., Spring Hill Col., ⁴Dept. of Phys., Nagoya Univ., ⁵Bio-AFM FRC, Kanazawa Univ.)
- 1J1344** 空間形状によるMinたんぱく質の非線形波のコントロール
Geometric control of wave instability in Min oscillations
○義永 那津人^{1,2} (¹東北大学 材料科学高等研究所, ²産総研 数理先端材料モデリング オープンイノベーションラボラトリ)
Yoshinaga Natsuhiko^{1,2} (¹WPI-AIMR Tohoku University, ²MathAM-OIL AIST)
- 1J1356*** ナノスケールでの化学的非平衡性を利用し、規則運動するcmサイズの液滴：生物が動く仕組みの実空間モデル
How to generate regular motion from nano-scaled fluctuating chemical machinery: Real-world modeling of motors in living organisms
○佐藤 志帆, 作田 浩輝, 吉川 研一 (同志社大・生命医科)
Shiho Sato, Hiroki Sakuta, Kenichi Yoshikawa (Grad. Sch. Life and Medical Sciences, Doshisha Univ.)

- 1J1408*** 力学-化学ハイブリッドモデルによる細胞集団形成ダイナミクス解析
 Dynamic analysis of collective cell migration by mechanochemical hybrid model
 ○丸本 萌¹, 萩原 将也² (¹大阪府大・院理学・生物, ²大阪府大・Nanosquare拠点研究所)
Moegi Marumoto¹, Masaya Hagiwara² (¹Grad. Sch. Sci., Osaka Pref. Univ., ²N2RI, Osaka Pref. Univ.)

休憩 (Coffee Break) 14:20–14:26

- 1J1426** Numerical simulations of one dimensional cell crawling and traction force analysis
Hsuan-Yi Chen^{1,2} (¹Natl. Cent. Univ., Taiwan, ²Academia Sinica, Taiwan)
- 1J1438** ネットワークのデザイン原理と構成要素の応答性
 Network Designing and Response Sensitivity of Components
 ○井上 雅世¹, 金子 邦彦² (¹明治大 総合数理, ²東大 総合文化)
Masayo Inoue¹, Kunihiko Kaneko² (¹IMS, Meiji, ²Univ. of Tokyo)
- 1J1450** Lag Phase, Stationary Phase の理論モデル
 Transitions among Log, Dormant, and Death Phases: Proposition of a simple model and quantitative characterization of dormancy and lag time
 ○姫岡 優介, 金子 邦彦 (東大総文)
Yusuke Himeoka, Kunihiko Kaneko (Tokyo Univ. Department of Arts and Sciences)
- 1J1502** Generalized-Ensemble Simulations of Membrane Proteins
Te-Lun Mai¹, Chi-Ming Chen² (¹Genomic Research Center, Academia Sinica, Taiwan, ²Department of Physics, National Taiwan Normal University)
- 1J1514*** コレラ菌走化性受容体 Mlp24, Mlp37 のリガンド認識機構の差異
 Distinct mechanisms of ligand recognition between Mlp24 and Mlp37, chemoreceptor proteins of *Vibrio cholerae*
 ○高橋 洋平¹, 住田 一真¹, 西山 宗一郎², 川岸 郁郎², 今田 勝巳¹ (¹阪大 院理, ²法大 生命科学)
Yohei Takahashi¹, Kazumasa Sumita¹, So-ichiro Nishiyama², Ikuro Kawagishi², Katsumi Imada¹ (¹Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ²Dept. Front. Biosci. Sci., Hosei Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:26–15:32

- 1J1532*** ATR-FTIR 分光測定によるヒト苦味受容体 TAS2R16 のリガンド結合機構の構造解析
 Structural analysis of ligand binding in human bitter taste receptor by ATR-FTIR spectroscopy
 ○日置 茱優¹, 片山 耕大¹, 大橋 知明¹, 岩城 雅代¹, 吉住 怜¹, 今井 啓雄², 神取 秀樹¹ (¹名工大・院工, ²京大・靈長研)
Mayu Hioki¹, Kota Katayama¹, Tomoaki Ohashi¹, Masayo Iwaki¹, Rei Abe-Yoshizumi¹, Hiroo Imai², Hideki Kandori¹ (¹Grad. Sch. Eng., Nagoya Inst. Tech., ²Primate Res. Inst, Kyoto Univ.)
- 1J1544** グルタミン酸受容体を介した植物の長距離 Ca²⁺シグナル
 Glutamate receptor channels essential for a long-distance Ca²⁺ waves in plants
 ○豊田 正嗣^{1,2} (¹埼玉大学・院・理, ²University of Wisconsin-Madison)
Masatsugu Toyota^{1,2} (¹Saitama University, ²University of Wisconsin-Madison)
- 1J1556** 神経グロビンによる知覚変化の情報処理機構
 Information processing mechanism underlying a perceptual change by a neuroglobin
 ○小田 茂和¹, 豊島 有², デウボノ マリオ³ (¹岡崎統合バイオサイエンスセンター 定量生物学研究部門 (基礎生物学研究所), ²東京大学 大学院理学系研究科生物科学専攻, ³MRC分子生物学研究所)
Shigekazu Oda¹, Yu Toyoshima², Mario De Bono³ (¹Okazaki Institute for Integrative Science, Division of Quantitative Biology (National Institute for Basic Biology), ²Department of Biological Sciences, Graduate School of Science, University of Tokyo, ³MRC Laboratory of Molecular Biology)

第2日目 (9月20日 (水)) / Day 2 (Sep. 20 Wed.)

13:55~16:25 B会場 (全学教育棟2階B201) / Room B (Room B201, General Education Bldg. 2F)
 2B 分子モータ－II / Molecular motor II

- 2B1355** 骨格筋ミオシン分子動態の直接可視化に基づく協同的な力発生の解明
 Understanding of cooperative force generation among skeletal myosins based on direct observation of individual myosin dynamics
 ○茅 元司, 桶口 秀男 (東京大学 大学院理学系研究科物理学専攻 桶口秀男研究室)
Motoshi Kaya, Hideo Higuchi (Dept Physics, Univ of Tokyo)
- 2B1407** ダイニン - ダイナクチン相互作用について
 Interaction of dynein complex with dynein
 ○斎藤 慧¹, 小林 琢也¹, 村山 尚², 豊島 陽子¹ (¹東大・総合文化, ²順天堂・医・薬理)
Kei Saito¹, Takuya Kobayashi¹, Takashi Murayama², Yoko Y Toyoshima¹ (¹Grad. Sch. Arts Sci., Univ. Tokyo, ²Dept. of Pharmacology, Juntendo Univ. Sch. of Med.)

- 2B1419** Yeast cytoplasmic dynein's small group takes a biased random walk toward the left-right
Mitsuhiro Sugawa¹, Shin Yamaguchi¹, Hiroaki Takagi², Mitsuhiro Iwaki³, Keitaro Shibata¹, Yoko Y. Toyoshima¹, Junichiro Yajima¹ (¹Graduate School of Arts and Sciences, The Univ. of Tokyo, ²Department of Physics, Nara Medical University, ³QBiC, RIKEN)
- 2B1431** 単頭ダイニンのステップサイズと微小管結合時間の測定
The step size and microtubule-binding time of single-headed dynein
○木下 慶美¹, 神原 丈敏^{1,2}, 西川 香里¹, 茅 元司¹, 樋口 秀男¹ (¹東京大学大学院, ²理化学研究所QBiC)
- Yoshimi Kinoshita**¹, Taketoshi Kambara^{1,2}, Kaori Nishikawa¹, Motoshi Kaya¹, Hideo Higuchi¹ (¹The University of Tokyo, ²RIKEN, QBiC)
- 2B1443** Plus-end directionality present in kinesin conserved catalytic motor core
Masahiko Yamagishi, Junichiro Yajima (Grad. Sch. Arts and Sci., The Univ. of Tokyo)
- 2B1455** キネシンのエネルギー論
Nonequilibrium energetics of kinesin
○有賀 隆行¹, 富重 道雄², 水野 大介¹ (¹九大・院理・物理, ²青山学院大・理工・物理数理)
Takayuki Ariga¹, Michio Tomishige², Daisuke Mizuno¹ (¹Dept. Phys., Kyushu Univ., ²Dept. Phys. Math., Aoyama Gakuin Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:07–15:13

- 2B1513** 高圧力で誘起される磁性細菌の遊泳運動能
Pressure-induced activation of the swimming motility of magnetotactic bacterium
○西山 雅祥¹, 阮 娟芳^{2,3}, 下權谷 祐児³, 加藤 貴之², 南野 徹², 難波 啓一², 石川 拓司³, 精山 明敏¹, Wu Long-Fei⁴, 原田 慶恵^{1,2} (¹京都大学, ²大阪大学, ³東北大学, ⁴Aix-Marseille University)
Masayoshi Nishiyama¹, Ruan Juanfang^{2,3}, Yuji Shimogonya³, Takayuki Kato², Toru Minamino², Keiichi Namba², Takuji Ishikawa³, Akitoshi Seiyama¹, Long-Fei Wu⁴, Yoshie Harada^{1,2} (¹Kyoto University, ²Osaka University, ³Tohoku University, ⁴Aix-Marseille University)
- 2B1525** 金ナノプローブで明らかになった靈菌 *Serratia marcescens* 由来キチナーゼ A の 1 nm ステップ運動と運動律速段階
One nanometer steps and the rate-limiting step of *Serratia marcescens* chitinase A resolved by gold nanoprobe
○中村 彰彦^{1,2}, 飯野 亮太^{1,2,3} (¹自然科学研究機構 岡崎統合バイオサイエンスセンター, ²総合研究大学院大学, ³分子科学研究所)
Akihiko Nakamura^{1,2}, Ryota Iino^{1,2,3} (¹Okazaki Inst. for Integr. Biosci., ²SOKENDAI, ³Institute for Molecular Science)
- 2B1537** 腸球菌 V-ATPase 膜内在ローターリングの阻害剤結合型の X 線結晶構造解析
Crystal structure of inhibitor bound membrane rotor ring of *Enterococcus hirae* V-ATPase
○魏 川華¹, 薬師寺 フアビアナ リカ¹, 森山 克彦¹, 鈴木 花野¹, 水谷 健二², 村田 武士^{1,3} (¹千葉大・院理学, ²横浜市立大・院生命医科学, ³JST さきがけ)
Senka Gi¹, Fabiana Lica Yakushiji¹, Katsuhiko Moriyama¹, Kano Suzuki¹, Kenji Mizutani², Takeshi Murata^{1,3} (¹Grad. Sch. Sci., Univ. Chiba, ²Grad. Sch. Med. Life Sci., Yokohama City Univ., ³PRESTO, JST)
- 2B1549** How fast can bacteria grow their flagella?
Chien-Jung Lo (Department of Physics, National Central University)
- 2B1601** 角度分割・時分割 X 線結晶構造解析による、哺乳類 F1-ATPase のリン酸解離駆動の回転力発生機構の分析
Molecular mechanism of Phosphate-driven rotation of mammalian F1 by the angle-divided and time-resolved X-ray crystallographic studies
○鈴木 俊治^{1,2,3}, 平田 邦生⁴, 山下 栄樹⁵, 飯田 直也⁶, 遠藤 斗志也², 久堀 徹³, 吉田 賢右², 野地 博行¹ (¹東大院・工・応化, ²京産大・総合生命, ³東工大・化学生命研, ⁴理研・SPring8センター, ⁵阪大・蛋白研, ⁶早大・物理)
Toshiharu Suzuki^{1,2,3}, Kunio Hirata⁴, Eiki Yamashita⁵, Naoya Iida⁶, Toshiya Endo², Toru Hisabori³, Masasuke Yoshida², Hiroyuki Noji¹ (¹Shool of Eng. Univ of Tokyo, ²Dept of Mol Biosci, Kyoto-Sangyo Univ, ³CLS, Tokyo Inst of Tech, ⁴SPring8 Center, RIKEN, ⁵Inst for Protein Res, ⁶Dept of Physics, Waseda Univ)
- 2B1613** Biophysical Characterization of the Chemomechanical Coupling of F₁ ATPase of *Paracoccus denitrificans*
Mariel Zarco Zavala¹, Duncan G.G. Mcmillan², Toshiharu Suzuki¹, Hiroshi Ueno¹, Rikiya Watanabe¹, Francisco Mendoza Hoffmann³, José J. Garcia Trejo³, Hiroyuki Noji³ (¹Department of Applied Chemistry, Graduate School of Engineering, The University of Tokyo, ²Department of Biotechnology, Delft University of Technology, ³Department of Biology, Chemistry Faculty, National Autonomous University of Mexico)

13:55～16:13 C 会場 (全学教育棟 2 階 B202) / Room C (Room B202, General Education Bldg. 2F)

2C 生体膜・人工膜 II, 生命の起源・進化, 生態／環境 /
Biological & Artificial membrane II, Origin of life & Evolution/Ecology & Environment

- 2C1355** Characterization of prokaryotic voltage-gated calcium channel
Katsumasa Irie^{1,2}, Takushi Shimomura³, Yoshiki Yonekawa², Yoshinori Fujiyoshi^{1,4} (¹CeSPI, Nagoya Univ., ²Grad. Sch. Pharm., Nagoya Univ., ³Div. Biophys. and Neurobiol., NIPS, ⁴CeSPIA Co., Ltd.)

- 2C1407** 電位依存性プロトンチャネルの亜鉛阻害におけるヒスチジンとカルボン酸の役割
The role of histidine and carboxylate residues for zinc inhibition in the voltage-gated proton channel Hv1/VSOP
○岩城 雅代¹, 竹下 浩平^{2,3,4}, 有馬 大貴⁵, 岡村 康司⁵, 中川 敦史², 神取 秀樹¹ (¹名工大, ²阪大・蛋白研, ³阪大・未来戦略機構, ⁴JST-さきがけ, ⁵阪大院・医)
Masayo Iwaki¹, Kohei Takeshita^{2,3,4}, Hiroki Arima⁵, Yasushi Okamura⁵, Atsushi Nakagawa², Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²Inst. Protein Res., Osaka Univ., ³Inst. Acad. Initiat., Osaka Univ., ⁴JST-PRESTO, ⁵Grad. Sch. Med., Osaka Univ.)
- 2C1419** 光駆動型ナトリウムポンプドシンは異なる2つのイオン輸送モードを持つ
Two distinct ion transporting modes of sodium pumping rhodopsin, NaR
○小崎 裕子¹, 細島 頌子¹, 角田 聰^{1,2}, 神取 秀樹¹ (¹名工大院工, ²JST さきがけ)
Yuko Kozaki¹, Shoko Hososhima¹, Satoshi Tsunoda^{1,2}, Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²PRESTO, JST)
- 2C1431** 高速AFMによるK+チャネルKcsAとポア結合性サソリ毒ペプチドAgtx2の一分子結合動態解析
HS-AFM revealed single-molecule blocking dynamics of a scorpion toxin on the KcsA potassium channel
○角野 歩^{1,2}, 内橋 貴之³, 炭竈 享司⁴, 老木 成稔⁴ (¹金沢大・新学術創成, ²金沢大・バイオAFM, ³名大・院理, ⁴福井大・医)
Ayumi Sumino^{1,2}, Takayuki Uchihashi³, Takashi Sumikama⁴, Shigetoshi Oiki⁴ (¹InFiniti, Kanazawa Univ., ²Bio-AFM FRC, Kanazawa Univ., ³Dept. Phys., Nagoya Univ., ⁴Facult. Med. Sci., Univ. Fukui)
- 2C1443** アルギニンペプチド修飾型エクソソームのマクロピノサイトーシス誘導と効率的な細胞内移行
Exosomal membrane modification with arginine-rich peptides for enhanced macropinocytotic uptake of exosomes
○中瀬 生彦¹, 野口 公輔^{1,2}, 青木 純子^{1,2}, 中瀬 朋夏³, 藤井 郁雄², 二木 史朗⁴ (¹阪府大 N2RI, ²阪府大院理, ³武庫女大薬, ⁴京大化研)
Ikuhiko Nakase¹, Kosuke Noguchi^{1,2}, Ayako Aoki^{1,2}, Tomoka Takatani-Nakase³, Ikuo Fujii², Shiroh Futaki⁴ (¹N2RI, Osaka Prefecture Univ., ²Graduate School of Sci., Osaka Prefecture Univ., ³School of Pharm. Pharm. Sci., Mukogawa Women's Univ., ⁴ICR, Kyoto Univ.)
- 2C1455** 微細加工基板上の自立脂質二分子膜における浸透圧変化と相分離
Phase separation of freestanding planar bilayer lipid membrane on Si microwell under osmotic pressure change
○大嶋 梓¹, 住友 弘二², 中島 寛¹ (¹NTT物性基礎研, ²兵県大・院工)
Azusa Oshima¹, Koji Sumitomo², Hiroshi Nakashima¹ (¹NTT Basic Res. Labs., ²Grad. Sch. Eng., Univ. Hyogo)

休憩 (Coffee Break) 15:07-15:13

- 2C1513** Negative chemotaxis molecular robots migrated by osmotic pressure difference
Kan Shoji, Ryuji Kawano (Dept. Biotech. and Life Sci., TUAT)
- 2C1525** アクチン線維封入巨大リポソームの光刺激による可逆的な形態制御
Light-induced and reversible morphological control of F-actin-encapsulating giant liposomes
○林 真人¹, 田中 駿介², 滝口 金吾² (¹理研・脳科学総合研究センター, ²名大・理)
Masahito Hayashi¹, Shunsuke Tanaka², Kingo Takiguchi² (¹RIKEN BSI, ²Grad. Sch. Sci., Nagoya Univ.)
- 2C1537** 人工RNA複製系を用いて試験管内で宿主・寄生体の進化的軍拵競争を観察する
Evolutionary arms races between artificial host-parasite RNA replicators in vitro
○古林 太郎¹, 番所 洋輔¹, 市橋 伯一² (¹阪大・生命機能, ²阪大・情報科学)
Taro Furubayashi¹, Yohsuke Bansho¹, Norikazu Ichihashi² (¹Grad. Sch. of Frontbio, Osaka Univ, ²Grad. Sch. of InfoTech, Osaka Univ)
- 2C1549** マイクロデバイスと大腸菌の融合を利用した新規人工細胞系の開発
Development of a new artificial cell system based on the fusion of micron-scaled device and *E. coli*
○森泉 芳樹^{1,2}, 田端 和仁^{1,2,3}, 渡邊 力也^{1,3,4}, 堂浦 智裕⁵, 神谷 真子^{3,5}, 浦野 泰照^{5,6,7}, 野地 博行^{1,2} (¹東京大・院工学・応用化, ²内閣府・ImPACT, ³JST・さきがけ, ⁴AMED・PRIME, ⁵東京大・院医学, ⁶東京大・院薬学, ⁷AMED・CREST)
Yoshiki Moriizumi^{1,2}, Kazuhito Tabata^{1,2,3}, Rikiya Watanabe^{1,3,4}, Tomohiro Doura⁵, Mako Kamiya^{3,5}, Yasuteru Urano^{5,6,7}, Hiroyuki Noji^{1,2} (¹Dept. Appl. Chem., Grad. Sch. Eng., Univ. Tokyo, ²ImPACT, Cab. Office, ³PRESTO, JST, ⁴PRIME, AMED, ⁵Grad. Sch. Med., Univ. Tokyo, ⁶Grad. Sch. Pharm. Sci., Univ. Tokyo, ⁷CREST, AMED)
- 2C1601** バクテリアの長期定常期における密度依存的なリサイクリング活動
Density-dependent recycling in the long-term stationary phase of bacterial populations
高野 壮太朗², Pawlowska Bogna J.³, Gudelj Ivana³, 四方 哲也⁴, ○津留 三良¹ (¹東大・生物普遍性研究機構, ²筑波大・生命環境系, ³Biosci., Univ. of Exeter, ⁴Inst. of Biol. and Inf. Sci., East China Normal Univ.)
Sotaro Takano², Bogna J. Pawlowska³, Ivana Gudelj³, Tetsuya Yomo⁴, **Saburo Tsuru**¹ (¹Univ. Biol. Inst., The Univ. of Tokyo, ²Life and Env. Sci., Univ. of Tsukuba, ³Biosci., Univ. of Exeter, ⁴Inst. of Biol. and Inf. Sci., East China Normal Univ.)

13:55~16:25 D会場（全学教育棟2階E201）／Room D (Room E201, General Education Bldg. 2F)
2D バイオイメージングII / Bioimaging II

- 2D1355** スマートフォン顕微鏡イノベーション
Smartphone Microscope Innovation
○永山 國昭^{1,2}, 白根 純人² (¹LisCo 永山顕微鏡研, ²Life Is Small. Co)
Kuniaki Nagayama^{1,2}, Sumito Shirane² (¹Nagayama Microsc. Lab., LisCo, ²Life Is Small. Co)

- 2D1407** 高速AFMによる抗体IgGのリアルタイム観察と挙動解析
 High-Speed AFM revealed dynamic behavior of antibody
 ○小谷 則遠, 川元-尾崎 洋子, Ramanujam Kumaresan, 中塚 涼, 森居 隆史, 岡田 孝夫 (株式会社生体分子計測研究所)
Norito Kotani, Yoko Kawamoto-Ozaki, Kumaresan Ramanujam, Ryo Nakatsuka, Takashi Morii, Takao Okada (*Research Institute of Biomolecule Metrology*)
- 2D1419** High-speed atomic force microscopy (HS-AFM) revealed dynamic structural changes of Bacteriophage T4 sheath
Hiroki Watanabe¹, Shuji Kanamaru², Takayuki Uchihashi³ (¹RIBM, ²Dept. of Life Sci. and Tech., Tokyo Institute of Technology, ³Dept. of Phys., Nagoya Univ.)
- 2D1431** 高速AFMによる天然変性タンパク質CAMPの構造動態観察
 Structural dynamics of the intrinsically disordered protein CAMP revealed by high-speed AFM
 ○成田 知恕¹, 池田 真教², 田中 耕三², 古寺 哲幸³ (¹金沢大・院数物, ²東北大・加齢研・分子腫瘍, ³金沢大・バイオAFM)
Tomoyuki Narita¹, Masanori Ikeda², Kozo Tanaka², Noriyuki Kodera³ (¹Grad. Sch. Math. & Phys., Kanazawa Univ., ²Dept. Mol. Oncol., Inst. Dev. Aging Center, Tohoku Univ., ³Bio-AFM FRC, Kanazawa Univ.)
- 2D1443** 高速AFMによる立体パターン基板を用いたタンパク質の動態観察
 HS-AFM Observations of Protein Dynamics on 3D-patterned Substrate
 ○後藤 朱音¹, 柴田 幹大^{2,3}, 角野 歩^{2,3}, 古寺 哲幸³ (¹金沢大・院数物, ²金沢大・新学術創成, ³金沢大・バイオAFM)
Akane Goto¹, Mikihiro Shibata^{2,3}, Ayumi Sumino^{2,3}, Noriyuki Kodera³ (¹Grad. Sch. Math. & Phys., Kanazawa Univ, ²InFiniti., Kanazawa Univ, ³Bio-AFM. FRC, Kanazawa Univ)
- 2D1455** 高速AFMによる脂質膜の曲率に依存したタンパク質-脂質膜の相互作用の直接観察
 Direct observation of proteins-lipid membrane interactions depending on the physical shape of lipid membrane by high-speed AFM
 ○豊田 貴大¹, 後藤 朱音¹, 角野 歩^{2,3}, 柴田 幹大^{2,3}, 古寺 哲幸³ (¹金沢大・院数物, ²金沢大・新学術創成, ³金沢大・バイオAFM)
Takahiro Toyoda¹, Akane Goto¹, Ayumi Sumino^{2,3}, Mikihiro Shibata^{2,3}, Noriyuki Kodera³ (¹Grad. Sch. Math. & Phys., Kanazawa Univ., ²InFiniti., Kanazawa Univ, ³Bio-AFM FRC, Kanazawa Univ.)

休憩 (Coffee Break) 15:07-15:13

- 2D1513** 生細胞のクロマチン構造の超解像イメージング
 Dynamic organization of chromatin domains revealed by super-resolution live-cell imaging
 野崎 慎, ○前島 一博 (国立遺伝学研究所構造遺伝学研究センター)
Tadasu Nozaki, Kazuhiro Maeshima (NIG)
- 2D1525** Gタンパク質共役型受容体(GPCR)とGタンパク質の二色一分子観察をもとにしたGPCRの活性化状態評価
 Evaluation of G-protein coupled receptor (GPCR) signaling activity based on dual color single molecule imaging of GPCR and G-protein
 ○西口 知輝, 吉村 英哲, 小澤 岳昌 (東大・院理)
Tomoki Nishiguchi, Hideaki Yoshimura, Takeaki Ozawa (*Grad. Sch. Sci., The Univ. Tokyo*)
- 2D1537** 高光度化学発光タンパク質ナノ-ランタンを用いた走化性タンパク質の新規観察法
 Novel imaging method for chemotaxis protein using a super-duper chemiluminescent protein, Nano-lantern
 ○麻生 慎太郎¹, 中野 雅裕², 福岡 創¹, 永井 健治², 石島 秋彦¹ (¹大阪大学生命機能研究科, ²大阪大学産業科学研究所)
Shintaro Aso¹, Masahiro Nakano², Hajime Fukuoka¹, Takeharu Nagai², Akihiko Ishijima¹ (¹Grad. Sch. Frontier Biosci., Osaka Univ., ²ISIR, Osaka Univ.)
- 2D1549** Trafficking of endocytic vesicles in live cancer cells
Seohyun Lee¹, Kohsuke Gonda², Motoshi Kaya¹, Hideo Higuchi¹ (¹Dept. of Physics, Graduate School of Science, The University of Tokyo, ²Dept. of Medical Physics, Graduate School of Medicine, Tohoku University)
- 2D1601** Linking Raman spectroscopy and gene expression profiles for genotype-phenotype prediction
Arno Germond¹, Takaaki Horinouchi¹, Chikara Furusawa^{1,2}, Toshio Yanagida¹, Taro Ichimura¹, Tomonobu M. Watanabe^{1,3} (¹RIKEN, Quantitative Biology Center (QBiC), ²Universal Biology Institute, The University of Tokyo, ³Graduate School of Frontier Bioscience, Osaka University)
- 2D1613** 遺伝子コードされた超音波エコーイメージング造影剤の開発
 Development of genetically-encoded contrast agent for ultrasonography
 ○水島 良太¹, 井上 加奈子², 岩根 敦子¹, 渡邊 朋信¹ (¹理研-QBiC, ²阪大超高圧電顕センター)
Ryota Mizushima¹, Kanako Inoue², Atsuko Iwane¹, Tomonobu Watanabe¹ (¹RIKEN-QBiC, ²Uhvem, Osaka Univ)

13:55~16:01 E会場 (全学教育棟2階E203) / Room E (Room E203, General Education Bldg. 2F)

2E 計測II, 数理生物学II, 化学受容, 行動, その他 /

Measurements II, Mathematical biology II, Chemoreception, Behavior, Miscellaneous topics

- 2E1355** 実時間選択的回収による免疫細胞の網羅的遺伝子発現解析
 Single-cell transcriptome analysis of stimulated immune cells with real-time collection
 ○田中 優実子¹, 白崎 善隆^{1,2}, 山岸 舞^{1,2}, 宮田 楓¹, 鈴木 信勇^{1,2}, 小原 收², 茂呂 和世², 上村 想太郎¹ (¹東大・院・理, ²理研・IMS)
Yumiko Tanaka¹, Yoshitaka Shirasaki^{1,2}, Mai Yamagishi^{1,2}, Kaede Miyata¹, Nobutake Suzuki^{1,2}, Osamu Ohara², Kazuyo Moro², Sotaro Uemura¹ (¹Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo, ²IMS, RIKEN)

- 2E1407** 走査型イオンコンダクタンス顕微鏡による一次繊毛のナノスケール形状測定
 Measuring nanoscale morphology of primary cilia using scanning ion-conductance microscopy
 ○周 總殊¹, 斎藤 将樹², 宮本 貴史¹, 福間 剛士¹, 高橋 康史^{1,3} (¹金沢大・理工・電情, ²東北大院・医・分子薬理, ³JST・さきがけ)
Yuanshu Zhou¹, Masaki Saito², Takafumi Miyamoto¹, Takeshi Fukuma¹, Yasufumi Takahashi^{1,3} (¹Fac. of Ele. & Com., Inst. of Sci. & Eng., Univ. Kanazawa, ²Dept. of Mol. Pharmacol., Grad. Sch. of Med., Univ. Tohoku, ³JST-PRESTO)
- 2E1419** 夾杂物存在下でマイクロ RNA を電気測定により検知する技術の開発
 Detection of target microRNA in a crude sample by electrical measurement
 ○藤井 聰志¹, 三澤 宣雄¹, 神谷 厚輝¹, 大崎 寿久^{1,2}, 竹内 昌治^{1,2} (¹神奈川県立産業技術総合研究所, ²東京大学生産技術研究所)
Satoshi Fujii¹, Nobuo Misawa¹, Koki Kamiya¹, Toshihisa Osaki^{1,2}, Shoji Takeuchi^{1,2} (¹Kanagawa Institute of Industrial Science and Technology (KISTEC), ²Institute of Industrial Science (IIS), The University of Tokyo)
- 2E1431** in vitro 三次元培養における計測制御プラットフォームの構築
 In vitro 3D culture platform for environmental control and imaging
 ○萩原 将也¹, 野畠 李奈², 川原 知洋³ (¹大阪府大NanoSquare拠点研究所, ²大阪府大院・生物, ³九工大院生命体工学)
Masaya Hagiwara¹, Rina Nobata², Tomohiro Kawahara³ (¹N2RI, Osaka Pref. Univ., ²Osaka Pref. Univ., ³Kyushu Inst. of Tech.)
- 2E1443** バイオメディカルアプリケーションのための 8 タップ電荷変調画素に関する研究
 An 8-tap Time Resolved CMOS Lock-In Pixel Imager for Biomedical Applications
 ○白川 雄也¹, 徐 琳雄², 安富 啓太², 香川 景一郎², 寺西 信一², 川人 祥二² (¹静岡大・院工学, ²静岡大・電子工学研)
Yuya Shirakawa¹, Min-Woong Seo², Keita Yasutomi², Keiichiro Kagawa², Nobukazu Teranishi², Shoji Kawahito² (¹Grad. Sch. Engi., Univ. Shizuoka, ²Res. Ins. Elec., Univ. Shizuoka)
- 2E1455** A mechanical model for diversified insect wing margin shapes
 Yukitaka Ishimoto¹, Kaoru Sugimura² (¹Akita Pref. U., ²iCeMS, Kyoto U.)

休憩 (Coffee Break) 15:07-15:13

- 2E1513** アレルゲン免疫療法の理論的解析
 Mathematical study of allergen immunotherapy
 ○原 朱音¹, 巖佐 庸² (¹九大・院・システム生命, ²九大・院・理学・生物科学)
Akane Hara¹, Yoh Iwasa² (¹Grad. Sch. Sys. Life Sci. Kyushu Univ., ²Dept. Biol., Fac. Sci., Kyushu Univ.)
- 2E1525** 機械学習を用いた大腸菌走化性受容体に作用する誘引物質の予測
 Prediction of attractants for the chemoreceptors of *Escherichia coli* using machine learning
 ○佐川 貴志¹, 猿子 良太², 横田 悠右¹, 成瀬 康¹, 曾和 義幸³, 川岸 郁郎³, 岡田 真人^{1,4}, 大岩 和弘¹, 小嶋 寛明¹ (¹情報通信研究機構, ²長岡技科大・生物, ³法政大・生命科学, ⁴東大・複雑理工学)
Takashi Sagawa¹, Ryota Mashiko², Yusuke Yokota¹, Yasushi Naruse¹, Yoshiyuki Sowa³, Ikuro Kawagishi³, Masato Okada^{1,4}, Kazuhiro Oiwa¹, Hiroaki Kojima¹ (¹NICT, ²Dept. Bioeng., Nagaoka Univ. Tech., ³Dept. Frontier Biosci., Hosei Univ., ⁴Dept. Complexity Sci. Eng., Univ. Tokyo)
- 2E1537** 二者の同調歩行における歩行パターン分析：受動と能動の中間的状況における身体性の拡張
 Analysis for the changes in the gait patterns in paired walking: Expanded bodily self by the ambiguity of passive/active leadership
 ○箕浦 舞¹, 郡司 幸夫¹, 白川 智弘² (¹早稲田大学 基幹理工学部 表現工学科 郡司研究室, ²防衛大学校電気情報学群情報工学科)
Mai Minoura¹, Yukio-Pegio Gunji¹, Tomohiro Shirakawa² (¹School of Fundamental Science and Engineering, Waseda University, ²Department of Computer Science, School of Electrical and Computer Engineering, National Defense)
- 2E1549** Surfactant role on microbead manipulation by saw-tooth shaped electrode
 Marcos Masukawa, Masahiro Takinoue (Tokyo Institute of Technology, Takinoue Lab)

13:55~16:25 F 会場 (全学教育棟 2 階 E205) / Room F (Room E205, General Education Bldg. 2F)

2F 蛋白質：構造・構造機能相関 II / Proteins: Structure, Structure-function relationship II

- 2F1355** Structural analysis of Chrimson, a red-light activated channelrhodopsin
 Kazumasa Oda, Satomi Oishi, Reiya Taniguchi, Tomohiro Nishizawa, Ryuichiro Ishitani, Osamu Nureki (Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo)
- 2F1407** A novel enzyme which folds into active form only with its counterpart
 Kohei Sawada¹, Atsushi Minami², Taro Ozaki², Hiroyuki Kumeta³, Tomohide Saio², Koichiro Ishimori², Min Yao³, Hideaki Oikawa², Katsumi Maenaka¹, Toyoyuki Ose^{1,3} (¹Faculty of Pharm. Sci, Hokkaido Univ., ²Faculty of Sci, Hokkaido Univ., ³Faculty of Adv. Life Sci., Hokkaido Univ.)
- 2F1419** NMR characterization of the substrate-binding domains of protein disulfide isomerase using paramagnetic effects
 Methanee Hiranyakorn^{1,2}, Saeko Yanaka^{1,2}, Maho Yagi-Utsumi^{1,2}, Koichi Kato^{1,2} (¹Inst. Mol. Sci., Natl. Inst. Nat. Sci., ²SOKENDAI)
- 2F1431** X 線自由電子レーザー回折像を用いた巨大生体分子三次元構造の復元
 Three-dimensional structure reconstruction of large biological molecule from diffraction images obtained by XFEL using computer simulation
 ○中野 美紀¹, 宮下 治¹, Jonic Slavica², 徳久 淳師¹, Tama Florence^{1,3,4} (¹理研 計算科学研究機構, ²IMPMC, Sorbonne Univ. CNRS, UPMC Univ Paris 6, MNHN, IRD, ³名古屋大院理学研究科, ⁴名古屋大トランスフォーマティブ生命分子研究所)
Miki Nakano¹, Osamu Miyashita¹, Slavica Jonic², Astushi Tokuhisa¹, Florence Tama^{1,3,4} (¹RIKEN AICS, ²IMPMC, Sorbonne Univ. CNRS, UPMC Univ Paris 6, MNHN, IRD, ³Grad. Sch. Science, Nagoya Univ., ⁴ITbM, Nagoya Univ.)

- 2F1443** Efficient strategy to retrieve potential 3D models directly from a small amount of single particle projection data
Sandhya Tiwari¹, Florence Tama^{1,2,3}, Osamu Miyashita¹ (¹RIKEN AICS, ²ITbM, Nagoya University, ³Dept. of Physics Nagoya University)
2F1455 光回復酵素と DASH 型クリプトクロムにおける紫外線損傷二本鎖 DNA の結合に寄与する因子の特定
Identification of the factors that contribute to binding UV-damaged duplex DNA for Photolyase and Cryptochrome-DASH
○佐藤 竜馬, 重田 育照 (筑波大学 計算科学研究センター)
Ryuma Sato, Yasuteru Shigeta (Center for Computational Sciences, University of Tsukuba)

休憩 (Coffee Break) 15:07–15:13

- 2F1513** 荷電性アミノ酸の粗視化モデルの開発
Development of a coarse-grained model for charged amino acid residues
○川口 一朋, 中川 聖, 長尾 秀実 (金沢大学理工研究域数物科学系)
Kazutomo Kawaguchi, Satoshi Nakagawa, Hidemi Nagao (*Inst. Sci. Eng., Kanazawa Univ.*)
2F1525 Dimerization of full-length A β peptides by the Hamiltonian replica-permutation method
Satoru Itoh^{1,2}, Hisashi Okumura^{1,2} (¹IMS, ²SOKENDAI)
2F1537 クライオ電子顕微鏡像フィッティングのための新規 MD 法の開発と応用
Development of a new method for efficient cryo-EM fitting simulation
○森 貴治^{1,2}, 宮下 治³, Kulik Marta¹, Tama Florence^{3,4}, 杉田 有治^{1,2,3,5} (¹理研 杉田理論分子科学, ²理研 iTHESS, ³理研 AICS, ⁴名大院・理, ⁵理研 QBiC)
Takaharu Mori^{1,2}, Osamu Miyashita³, Marta Kulik¹, Florence Tama^{3,4}, Yuji Sugita^{1,2,3,5} (¹RIKEN Theor. Mol. Sci. Lab., ²RIKEN iTHESS, ³RIKEN AICS, ⁴Nagoya University, ⁵RIKEN QBiC)
2F1549 MD シミュレーションを用いた構造サンプリングによるドッキングタンパク質–タンパク質複合体結合自由エネルギー評価の精密化
Refining binding free energies of docked protein-protein complexes by sampling conformations during molecular dynamics simulations
○信夫 愛, 竹村 和浩, 北尾 彰朗 (東大・分子研)
Ai Shinobu, Kazuhiro Takemura, Akio Kitao (*Inst. Mol. Cell. Bio., Univ. Tokyo*)
2F1601 Improvement of PaCS-MD based Flexible Docking Methods
Phuoc Duy Tran¹, Akio Kitao^{1,2} (¹Graduate School of Frontier Sciences, The University of Tokyo, ²Institute of Molecular and Cellular Biosciences, The University of Tokyo)
2F1613 アミロイド核前駆体として機能する前駆中間凝集体のキャラクタリゼーション
A specific form of prefibrillar aggregates that functions as a precursor of amyloid nucleation
○山本 直樹, 津原 祥子, 田村 厚夫, 茶谷 紘理 (神戸大学大学院理学研究科)
Naoki Yamamoto, Shoko Tsuhara, Atsuo Tamura, Eri Chatani (*Grad. Sch. Sci.*)

13:55～16:25 H 会場 (全学教育棟 3 階 E303) / Room H (Room E303, General Education Bldg. 3F)

2H 光生物：光合成 II, 電子状態, ヘム蛋白質 II, 細胞生物学的課題 II, 筋肉 II /
Photobiology: Photosynthesis II, Electronic state, Heme proteins II, Cell biology II, Muscle II

- 2H1355** 光化学系 I の低温單分子分光: ブリンクングの起源
Single-Molecule Spectroscopy of Photosystem I at Low Temperature: the Origin of the Blinking
○ジャナ サンカー¹, 小林 誠宗¹, 杜 婷¹, 長尾 遼², 野口 巧³, ○柴田 穣¹ (¹東北大学理学研究科化学専攻, ²岡山大学異分野基礎科学研究所, ³名古屋大学大学院理学研究科物質理学専攻)
Sankar Jana¹, Takanori Kobayashi¹, Ting Du¹, Ryo Nagao², Takumi Noguchi³, **Yutaka Shibata**¹ (¹Grad. School of Sci. Tohoku Univ., ²Research Institute for Interdisciplinary Science, Okayama University, ³Graduate School of Science, Nagoya University)
2H1407 光化学系 II 酸素発生中心における酸素分子放出過程についての QM/MM 解析
QM/MM study on the O₂ release mechanism of the oxygen-evolving complex in photosystem II
○庄司 光男¹, 磯部 寛², 重田 育照¹, 中嶋 隆人³, 山口 兆⁴ (¹筑波大CCS, ²岡山大, ³理研AICS, ⁴阪大)
Mitsuo Shoji¹, Hiroshi Isobe², Yasuteru Shigeta¹, Takahito Nakajima³, Kizashi Yamaguchi⁴ (¹Univ. Tsukuba, ²Okayama Univ., ³RIKEN AICS, ⁴Osaka Univ.)
2H1419 単一分子分光で明らかになった光合成光保護機構
Photosynthetic photoprotection mechanism revealed by single-molecule spectroscopy
○近藤 徹^{1,2}, ピノーラ アルベルタ³, チエン ウェイジア¹, ダロスト ルカ³, バッシ ロベルト³, シュラウコーエン ガブリエラ^{1,2} (¹マサチューセッツ工科大, ²Mit-Harvard エキシントン工学センター, ³ヴェローナ大学)
Toru Kondo^{1,2}, Alberta Pinnola³, Wei Jia Chen¹, Luca Dall'Osto³, Roberto Bassi³, Gabriela Schlau-Cohen^{1,2} (¹Mit, ²Mit-Harvard Center for Excitonics, ³Univ. Verona)
2H1431 Monitoring of quinone reduction in the thermophilic purple bacterium Thermochromatium tedium by means of isotope-edited FTIR spectroscopy
Michie Imanishi¹, Rikako Kishi¹, Masayuki Kobayashi², Seiu Otomo³, **Yukihiro Kimura**¹ (¹Grad. Sch. Agro., Kobe Univ., ²Ariake Nat. Col. Tech, ³Fac. Sci., Ibaraki Univ.)

- 2H1443** 時間分解 EPR でとらえる光合成反応中心初期電荷分離の制御機構
 Regulation of Initial Charge Separation in Photosynthetic Reaction Center detected by Transient EPR
 ○三野 広幸¹, 佃野 弘幸¹, 武藤 理沙^{2,3}, 長嶋 宏樹^{1,4}, 小堀 康博⁴, 栗栖 源嗣², 大岡 宏造⁵ (¹名大院理, ²阪大蛋白研, ³福岡大理, ⁴神戸大フオト, ⁵阪大院理)
Hiroyuki Mino¹, Hiroyuki Tsukuno¹, Risa Mutoh^{2,3}, Hiroki Nagashima^{1,4}, Yasuhiro Kobori⁴, Genji Kurisu², Hirozo Oh-oka⁵ (¹Grad. School of Sci., Nagoya Univ., ²Inst. for Protein Res., Osaka Univ., ³Fac. of Sci., Fukuoka Univ., ⁴Mol. Photosci. Res., Kobe Univ., ⁵Grad. School of Sci., Osaka Univ.)
- 2H1455** 溶液中のクロロフィル a とフィオフィチン a の励起状態に関する理論的研究
 Theoretical Study on Excited States of Chlorophyll a and Pheophytin a in Solutions
 ○水谷 亮, 東 雅大 (琉球大・院理工)
Ryo Mizutani, Masahiro Higashi (Grad. Sch. Univ. The Ryukyus)
- 休憩 (Coffee Break) 15:07-15:13
- 2H1513** Crystal structure of biliverdin reductase shows unexpected substrate binding manner; two substrates bind to the one catalytic cleft
Masakazu Sugishima¹, Haruna Takao^{2,3}, Yoshinori Hagiwara⁴, Ken Yamamoto¹, Keiichi Fukuyama⁵, Kei Wada² (¹Kurume Univ. Sch. Med., ²Fac. Med., Univ. Miyazaki, ³Grad. Sch. Med. and Vet. Med., Univ. Miyazaki, ⁴Dept. Biochem. and Appl. Chem., Nat. Inst. Tech., Kurume College, ⁵Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)
- 2H1525** カンチレバーを用いた高感度多周波 EPR 測定法の開発とヘミンへの応用
 Development of cantilever-detected high-sensitive multi-frequency EPR method and its application to hemin
 ○岡本 翔¹, 高橋 英幸², 大道 英二¹, 太田 仁³ (¹神戸大・院理, ²神戸大・先端, ³神戸大・分子フオトセ)
Tsubasa Okamoto¹, Hideyuki Takahashi², Eiji Ohmichi¹, Hitoshi Ohta³ (¹Grad. Sch. Sci., Kobe Univ., ²Arg. Adv. Integ. Res., Kobe Univ., ³Mol. Photosci. Res. Ctr., Kobe Univ.)
- 2H1537** 高分解能二次イオン質量分析法による電気細菌代謝の一細胞レベル追跡
 NanoSIMS Analysis of Single Electrogenic Cell Reveals Feedback from Extracellular Electron Transport to Upstream Reactions
 ○岡本 章玄¹, 斎藤 淳貴², 橋本 和仁¹ (¹物材機構 エネルギー・環境材料, ²東京大学院応用化学)
Akihiro Okamoto¹, Junki Saito², Kazuhito Hashimoto¹ (¹National Institute for Material Sciences, ²Dept. Appl. Chem., Univ. of Tokyo)
- 2H1549** 海洋性ビブリオ菌極べん毛の側における形成を抑制する新規因子 SfIB の解析
 Characterization of SfIB, a novel factor that prevents peritrichous flagellar formation in marine *Vibrio*
 錦野 達郎, 三野 平, ○小島 誠司, 本間 道夫 (名大・院理・生命理学)
 Tatsuro Nishikino, Taira Mino, **Seiji Kojima**, Michio Homma (Div. of Biol. Sci., Grad. Sch. Sci., Nagoya Univ.)
- 2H1601** クライオ電子顕微鏡法で明らかになった、3.8 Å 分解能のアクチン-コフィリン複合体構造
 Actin-cofilin complex structure at 3.8 Å resolution revealed by cryo-EM
 田中 康太郎¹, 武田 修一¹, 光岡 薫³, 小田 俊郎², 前田 雄一郎¹, ○成田 哲博¹ (¹名大、理、構造生物学研究センター, ²東海学院大, ³阪大、超高压電子顕微鏡センター)
 Kotaro Tanaka¹, Shuichi Takeda¹, Kaoru Mitsuoka³, Toshiro Oda², Yuichiro Maeda¹, **Akihiro Narita**¹ (¹Struct. Biol. Res. Center, Nagoya Univ., ²Tokai Gakuin Univ., ³Res. Center for UHV EM, Osaka Univ.)
- 2H1613** 細胞性粘菌のアクチンのカルボキシ末端領域の二型性と Pro109 に導入した変異の関係
 The relationship between the dimorphism of the carboxyl-terminal region and the mutagenesis introduced to Pro109 of *Dictyostelium* actin
 ○五味渕 由貴¹, 上田 太郎², 若林 健之¹ (¹帝京大・理工, ²早稲田・先進理工)
Yuki Gomibuchi¹, Taro Q.P. Uyeda², Takeyuki Wakabayashi¹ (¹Teikyo Univ., ²Waseda Univ.)
- 13:55~16:25 I会場 (全学教育棟 3階 E305) / Room I (Room E305, General Education Bldg. 3F)
 2I 光生物: 視覚・光受容 II, 光遺伝学・光制御 II /
 Photobiology: Vision & Photoreception II, Optogenetics & Optical Control II
- 2I1355** 光駆動型ナトリウムイオンポンプドプシンで見られる弁別的な機能・光化学特性
 Distinctive functional and photochemical properties among light-driven sodium ion pumping rhodopsins
 ○栗原 真理恵¹, 橋本 美沙², 吉澤 晋³, 小島 慧一¹, 塚本 卓^{1,2}, 菊川 峰志^{4,5}, 須藤 雄気^{1,2} (¹岡大・院・医歯薬(薬), ²岡大・薬(薬), ³東大・大気海洋研, ⁴北大・院・先端生命, ⁵北大・国際連携研究教育局)
Marie Kurihara¹, Misa Hashimoto², Susumu Yoshizawa³, Keiichi Kozima¹, Takashi Tsukamoto^{1,2}, Takashi Kikukawa^{4,5}, Yuki Sudo^{1,2} (¹Grad. Sch. of Med. Dent. & Pharm. Sci., Univ. Okayama, ²Fac. of Pharm. Sci., Univ. Okayama, ³AORI, The Univ. of Tokyo, ⁴Fac. Adv. Life Sci., Univ. Hokkaido, ⁵GSS, GI-CoRE, Univ. Hokkaido)
- 2I1407** ナトリウムポンプ型ロドプシン中間体の過渡共鳴ラマン分光法による研究
 Transient Resonance Raman Spectroscopy of a Light-Driven Sodium-Ion-Pump Rhodopsin from *Indibacter alkaliphilus*
 ○梶本 航介¹ (¹佐賀大院工学系, ²北大先端生命科学研究院, ³北海道大国際連携研究教育局ソフトマターグローバルステーション)
Kosuke Kajimoto¹ (¹Grad. Sch. Sci. Eng. Saga-Univ, ²Fac. Adv. Life Sci., Hokkaido Uni, ³GSS, GI-CoRE, Hokkaido Univ.)

- 2I1419** 海洋性細菌 *Rubricoccus marinus* SG-29^T 株由来の内向き H⁺ポンプ型ロドプシン RmXeR の分光学的解析
 Spectroscopic analysis of RmXeR, an inward H⁺ pump rhodopsin from the marine bacterium *Rubricoccus marinus* SG-29^T
 ○井上 紗希¹, 吉澤 晋², 小島 慧一¹, 塚本 卓¹, 菊川 峰志^{3,4}, 須藤 雄気¹ (¹岡大・院・医歯薬(薬), ²東大・大気海洋研, ³北大・院・先端生命, ⁴北大・国際連携教育研究局)
Saki Inoue¹, Susumu Yoshizawa², Keiichi Kojima¹, Takashi Tsukamoto¹, Takashi Kikukawa^{3,4}, Yuki Sudo¹ (¹Grad. Sch. of Med. Dent. & Pharm. Sci., Okayama Univ., ²AORI, The Univ. of Tokyo, ³Fac. Adv. Life Sci., Hokkaido Univ., ⁴GSS, GI-CoRE, Hokkaido Univ.)
- 2I1431** ラマン光学活性分光を用いた微生物型ロドプシンにおけるレチナール発色団のコンフォメーション解析
 Raman optical activity probes the conformation of the retinal chromophore in microbial rhodopsins
 ○松尾 淳平¹, 菊川 峰志^{2,3}, 海野 雅司⁴, 藤澤 知績⁵ (¹佐賀大学大学院工学系研究科循環物質化学専攻, ²北海道大学 先端生命科学研究院, ³北海道大学国際連携研究教育局ソフトマーケティング・ラボ, ⁴佐賀大学 工学系研究科, ⁵佐賀大学 工学系研究科)
Junpei Matsuo¹, Takashi Kikukawa^{2,3}, Masashi Unno⁴, Tomotsumi Fujisawa⁵ (¹Grad. Sch. Eng. Saga Univ, ²Fac. Adv. Life Sci., Hokkaido Univ., ³GSS, GI-CoRE, Hokkaido Univ., ⁴Grad. Sch. Eng. Saga Univ, ⁵Grad. Sch. Eng. Saga Univ)
- 2I1443** Towards the structural study of the photocycle of bistable rhodopsin
Midori Murakami (Dept. Physics, Nagoya Univ.)
- 2I1455** In situ 光照射固体NMRによるバクテリオロドプシンとその変異体に生成する光反応中間体の定常捕捉
 Stationary trapping of photo-intermediates during the photo cycles of bR and its mutants by in situ photoirradiation solid-state NMR
 ○内藤 晶¹, 大島 恭介¹, 大谷 優人¹, 重田 安里寿¹, 横野 義輝¹, 川村 出¹, 沖津 貴志², 和田 昭盛², 辻 晓³, 岩佐 達郎⁴ (¹横浜国立大学 大学院工学研究院, ²神戸薬科大学, ³兵庫県立大学, ⁴室蘭工業大学)
Akira Naito¹, Kyosuke Oshima¹, Yuto Otani¹, Arisu Shigeta¹, Yoshiteru Makino¹, Izuru Kawamura¹, Takashi Okitsu², Akimori Wada², Satoru Tuzi³, Tatsuo Iwasa⁴ (¹Yokohama National University, ²Kobe Pharmaceutical University, ³University of Hyogo, ⁴Muroran Institute of Technology)

休憩 (Coffee Break) 15:07–15:13

- 2I1513** メラノプシンの3平衡状態光反応による光量感知
 Melanopsin tristability: a new model of photoresponse for irradiance detection
 ○松山オジョス 武¹, 高橋 政代¹, 七田 芳則² (¹理化学研究所CDB, ²京都大学理学研究科)
Takeshi Matsuyama Hoyos¹, Masayo Takahashi¹, Yoshinori Shichida² (¹RIKEN CDB, ²Kyoto University Graduate School of Science)
- 2I1525** 松果体オプシンパラピノプシンの分子特性の細胞応答への寄与
 Contribution of a molecular property of a pineal opsin parapinopsin to cellular responses
 和田 清二¹, 沈 宝国¹, 山下 (川野) 絵美¹, 永田 崇¹, 保 智己², 小柳 光正¹, ○寺北 明久¹ (¹大阪市大・院理, ²奈良女子大・理)
Seiji Wada¹, Baoguo Shen¹, Emi Kawano-Yamashita¹, Takashi Nagata¹, Satoshi Tamotsu², Mitsumasa Koyanagi¹, Akihisa Terakita¹ (¹Grad. Sch. Sci., Osaka City Univ., ²Fac. Sci., Nara Women's Univ.)
- 2I1537** 暗所視を司る錐体視物質の低い熱雑音の進化的獲得
 Evolutionary acquisition of low thermal noise of cone pigments for scotopic vision
 ○小島 慧一^{1,2}, 松谷 優樹², 柳川 正隆³, 山下 高廣², 今元 泰², 久富 修⁴, 山野 由美子⁵, 和田 昭盛⁵, 七田 芳則^{2,6} (¹岡山大学大学院医歯薬学総合研究科, ²京都大学大学院理学研究科, ³理研・細胞情報, ⁴大阪大学大学院理学研究科, ⁵神戸薬科大学, ⁶立命館大学・総研機構)
Keiichi Kojima^{1,2}, Yuki Matsutani², Masataka Yanagawa³, Takahiro Yamashita², Yasushi Imamoto², Osamu Hisatomi⁴, Yumiko Yamano⁵, Akimori Wada⁵, Yoshinori Shichida^{2,6} (¹Grad. Sch. of Med. Dent. Pharm. Sci., Okayama Univ, ²Grad. Sch. Sci., Kyoto Univ., ³Cell. Info. Lab., RIKEN, ⁴Grad. Sch. Sci., Osaka Univ., ⁵Kobe Pharm. Univ., ⁶Ritsumeikan Univ.)
- 2I1549** 光遺伝学に向けた長波長シフト型ナトリウムポンプロドプシンの作製
 Red-shifted sodium pump rhodopsin variants for optogenetic application
 ○井上 圭一^{1,2}, 中村 良子¹, 神取 秀樹¹ (¹名古屋工業大学, ²JST・さきがけ)
Keiichi Inoue^{1,2}, Ryoko Nakamura¹, Hideki Kandori¹ (¹Nagoya Inst. Tech., ²JST PRESTO)
- 2I1601** 光依存型グアニル酸シクラーゼである微生物型ロドプシン(BeGC1)の機能解析
 Functional characterization of rhodopsin-guanylylate cyclase, BeGC1
 ○角田 聰^{1,2,3}, 吉田 一帆², 神取 秀樹^{2,3} (¹JST さきがけ, ²名工大院工, ³オプトバイオ)
Satoshi Tsunoda^{1,2,3}, Kazuho Yoshida², Hideki Kandori^{2,3} (¹JST, PRESTO, ²NIT, ³OBTR)
- 2I1613** ハロロドプシンはヒドロキシオンを輸送できるか?
 Can halorhodopsin pump hydroxyl ions?
 ○神山 勉, 鈴木 健太, 成瀬 圭汰, Chan Siu Kit (名古屋大学大学院理学研究科)
Tsutomu Kouyama, Kenta Suzuki, Keita Naruse, Siu Kit Chan (Graduate School of Science, Nagoya University)

13:55～16:01 J会場 (全学教育棟4階C401) / Room J (Room C401, General Education Bldg. 4F)
 2J 発生・分化, 核酸II, ゲノム生物学 / Development & Differentiation, Nucleic acid II, Genome biology

- 2J1355** 細胞の異方的なメカノレスポンスが発生過程の精巣上体細管の径を維持する
 Anisotropic Cellular Mechanoresponse Maintains the Radial Size of Developing Epididymal Tubules
 ○平島 剛志¹, 安達 泰治² (¹京都大学大学院医学研究科 基礎病態学講座 病態生物学分野, ²京都大学 ウィルス・再生医科学研究所)
Tsuyoshi Hirashima¹, Taiji Adachi² (¹Grad Sch Med, Kyoto Univ, ²Inst Front Life Med Sci, Kyoto Univ)

- 2J1407** 3次元的な形態の多様性を説明する細胞の力学の理論的な推定
 Theoretical inference of cell mechanics for explaining 3-dimensional morphological diversity
 ○小山 宏史^{1,2}, 藤森 俊彦^{1,2} (¹基生研 初期発生, ²総研大)
Hiroshi Koyama^{1,2}, Toshihiko Fujimori^{1,2} (¹Div. Embryology, NIBB, ²SOKENDAI)
- 2J1419** マウスES細胞は、フラッシュラチエット様式をとりながら、集団で分化する
 Flashing ratchet-driven collective cell-state transition in mouse embryonic stem cells
 ○岡本 和子¹, ジエルモン アルノ¹, 藤田 英明^{1,2}, 古澤 力^{1,3}, 岡田 康志^{1,3,4}, 渡邊 朋信^{1,4} (¹理研 QBiC, ²阪大 免フロ, ³東大院理, ⁴阪大 生命機能)
Kazuko Okamoto¹, Arno Germond¹, Hideaki Fujita^{1,2}, Chikara Furusawa^{1,3}, Yasushi Okada^{1,3,4}, Tomonobu Watanabe^{1,4} (¹RIKEN QBiC, ²WPI, IFReC, Osaka Univ., ³Sch. of Sci, Univ. of Tokyo, ⁴FBS, Osaka Univ.)
- 2J1431** 植物組織では異方的な細胞成長が滑らかな境界形成を促進する。
 Anisotropic cell growth promotes smooth boundary formation of stem cell tissue in plant roots
 ○藤原 基洋, 藤本 仰一 (大阪大・理)
Motohiro Fujiwara, Koichi Fujimoto (Science Dept. Osaka Univ.)
- 2J1443** Bicistronic 2A-peptide-based co-expression reporter revealed the gene expression profiles in developing human photoreceptors
Kohei Homma (Keio Univ. Sch. of Med. Dpt. of Ophthalmol.)
- 2J1455** Two-dimensional fluorescence lifetime correlation spectroscopy reveals μ s-dynamics and distinct folding mechanisms of preQ₁ riboswitch
Bidyut Sarkar¹, Kunihiko Ishii^{1,2}, Tahei Tahara^{1,2} (¹Molecular Spectroscopy Laboratory, RIKEN, ²RIKEN Center for Advanced Photonics, RIKEN)

休憩 (Coffee Break) 15:07–15:13

- 2J1513** The reaction mechanism of pH-dependent RecA-mediated DNA strand exchange
Hsiu-Fang Fan (National Yang-Ming University)
- 2J1525** DNAナノデバイスの温度応答性能の設計
 Engineering thermal response of a DNA nanodevice
 ○小宮 健¹, 小林 聰², ローズ ジョン³ (¹東工大 情報理工, ²電通大 院情報理工, ³立命館APU APS)
Ken Komiya¹, Satoshi Kobayashi², John A. Rose³ (¹Sch. Comp., Tokyo Tech., ²Dept. Comp. Sci., The Univ. Electro-Commun., ³College APS, Ritsumeikan APU)
- 2J1537** Nucleosome Repositioning Investigated by Coarse-Grained MD Simulations and Markov State Modeling
Giovanni Brandani, Toru Niina, Cheng Tan, Shoji Takada (Dept Biophysics, Div Biology, Grad School Science, Kyoto University)
- 2J1549** Osmotic mechanism of loop extrusion process
Tetsuya Yamamoto¹, Helmut Schiessel² (¹Nagoya Univ., Dep. of Mat. Phys., ²Leiden U. Inst. Lorentz for Theo. Phys.)