

2SA

A 会場 (4 階 国際会議室) / Room A (4F, International Conference Hall)
6 月 27 日 (水) / June 27 (Wed.) 9:00 ~ 11:10

English Session

若手奨励賞シンポジウム

Young Scientist Award Symposium

座長：内山 進 (大阪大)、稲葉 謙次 (東北大)

Chairs: Susumu Uchiyama (Osaka Univ.), Kenji Inaba (Tohoku Univ.)

- 2SA-01** [9:00] **メディエーターの結晶構造から明らかになってきた転写開始のメカニズム**
(2P-043) **Core Mediator structure at 3.4 Å extends transcription initiation complex model**
○野澤 佳世¹ (Kayo Nozawa)、R. シュナイダー トーマス² (Thomas R. Schneider)、
クレイマー パトリック³ (Patrick Cramer)
¹早稲田大学・理工学術院 (Research Institute for Science and Engineering, Waseda University)、
²ドイツ電子シンクロトロン (Deutsches Elektronen Synchrotron)、
³マックス・プランク物理化学研究所 (Max Planck Institute for Biophysical Chemistry)
- 2SA-02** [9:15] **哺乳類概日時計における温度補償されたリン酸化反応の設計原理**
(2P-100) **Design principles of temperature-compensated phosphorylation in the mammalian circadian clock**
○篠原 雄太¹ (Yuta Shinohara)、小山 洋平¹ (Yohei Koyama)、上田 泰己^{1,2} (Hiroki Ueda)
¹理研・生命システム研究センター (RIKEN, QBiC)、²東大・医学 (Med., Univ. of Tokyo)
- 2SA-03** [9:30] **Vms1 is a cytosolic CAT-tailing antagonist to prevent aggregation of mitochondrial proteins**
(2P-079) ○井澤 俊明^{1,2} (Toshiaki Izawa)、Sae-Hun Park²、Liang Zhao²、Ulrich Hartl²、Walter Neupert^{1,2}
¹ミュンヘン大学・バイオメディカルセンター (Biomedical Center, Faculty of Medicine, University of Munich)、
²マックスプランク生化学研究所 (Max Planck Institute of Biochemistry)
- 2SA-04** [9:45] **リソソームにおける mTORC1 活性化の足場を提供する Ragulator-Rag GTPase 複合体の構造基盤**
(2P-044) **Structural basis for Ragulator-Rag GTPase complex providing a platform of mTORC1 activation on lysosomes**
○米原 涼¹ (Ryo Yonehara)、名田 茂之² (Shigeyuki Nada)、中井 友和² (Tomokazu Nakai)、
中井 昌弘² (Masahiro Nakai)、北村 彩佳² (Ayaka Kitamura)、小川 輝² (Akira Ogawa)、
中津海 洋一³ (Hirokazu Nakatsumi)、中山 敬一³ (Keiichi I. Nakayama)、Songling Li²、
Daron M. Standley²、山下 栄樹¹ (Eiki Yamashita)、中川 敦史¹ (Atsushi Nakagawa)、
岡田 雅人² (Masato Okada)
¹阪大・蛋白研 (Inst. for Protein Res., Osaka Univ.)、²阪大・微研 (RIMD, Osaka Univ.)、
³九大・生医研 (Med. Inst. of Bioregulation, Kyushu Univ.)
- [10:00] **蛋白質科学会アーカイブの紹介：www.pssj.jp/archives/**
PSSJ Archives: www.pssj.jp/archives/
- 2SA-05** [10:10] **大規模生体分子系に対するクライオ電顕フィッティングシミュレーションの高速化と応用**
(2P-067) **Acceleration of cryo-EM flexible fitting for large biomolecular systems by high-performance molecular dynamics simulations**
○森 貴治¹ (Takaharu Mori)、クリク マルタ¹ (Marta Kulik)、宮下 治¹ (Osamu Miyashita)、
ジョン ジェウン¹ (Jaewoon Jung)、タマ フロハンス^{1,2} (Florence Tama)、杉田 有治¹ (Yuji Sugita)
¹理化学研究所 (RIKEN)、²名大院・理 (Nagoya Univ.)

2SA-06 [10:25] **A designed L-lactate dehydrogenase derived from L-lactate oxidase by engineering of oxygen accessible channel**

(2P-126)

○平賀 健太郎¹ (Kentaro Hiraka)、小嶋 勝博² (Katsuhiko Kojima)、Chi-En Lin³、
吉田 裕美⁴ (Hiromi Yoshida)、津川 若子¹ (Wakako Tsugawa)、浅野 竜太郎¹ (Ryutarō Asano)、
Jeffrey La Belle³、早出 広司^{1,2,5} (Koji Sode)

¹東京農工大・院・工・生命工 (Dept. of Biotechnol. & Life Science, Grad. Sch. Eng., Tokyo Univ. of Agri. and Technol.)、
²有限会社アルティザイム・インターナショナル (Ultizyme International Ltd.)、³アリゾナ州立大学 (Arizona State Univ.)、
⁴香川大学・総合生命科学研究センター・医学部 (Life Science Research Center & Faculty of Medicine, Kagawa Univ.)、
⁵ノースカロライナ大学チャペルヒル校 (Univ. North Carolina at Chapel Hill)

2SA-07 [10:40] **MOAG-4 promotes the aggregation of α -synuclein by competing with self-protective electrostatic interactions**

(2P-099)

○吉村 優一¹ (Yuichi Yoshimura)、Mats A. Holmberg²、Predrag Kukic³、Camilla B. Andersen¹、
Alejandro Mata-Cabana²、S. Fabio Falsone⁴、Michele Vendruscolo³、Ellen A. A. Nollen²、
Frans A. A. Mulder^{1,2}

¹オーフス大学 (Aarhus Univ.)、²フローニンゲン大学 (Univ. of Groningen)、³ケンブリッジ大学 (Univ. of Cambridge)、
⁴グラーツ大学 (Univ. of Graz)

2SA-08 [10:55] **7つの精製蛋白質によって再構成されたリポ多糖の膜間輸送**

(2P-078)

Membrane-to-membrane transport of lipopolysaccharides reconstituted from seven purified proteins forming a protein bridge

○奥田 傑^{1,2} (Suguru Okuda)、David Sherman²、Daniel Kahne²

¹阪大・院・医 (Grad Sch. of Med., Osaka Univ.)、²Dept. of CCB, Harvard Univ.