

ランチョンセミナー / Luncheon Seminar

C 会場 (中会議室 302B) / Room C (Conference Room 302B)
6 月 26 日 (火) / June 26 (Tue.) 12:00 ~ 12:50

1LSC 日本電子(株) / JEOL Ltd.

司会: 遠藤 正庸 (日本電子株式会社)
Chairperson: Masanobu Endo (JEOL Ltd.)

新開発クライオ電子顕微鏡の紹介

Introduction of a newly developed dedicated cryo microscope

- ・ 新型クライオ電子顕微鏡を用いた蛋白質構造解析

Single particle analysis with a newly developed dedicated cryo microscope

細木 直樹 (Naoki Hosogi)

日本電子株式会社 (JEOL Ltd.)

D 会場 (中会議室 302A) / Room D (Conference Room 302A)
6 月 26 日 (火) / June 26 (Tue.) 12:00 ~ 12:50

1LSD (株)セントラル科学貿易 / CENTRAL SCIENTIFIC COMMERCE, INC.

司会: 朝生 浩司 (株式会社セントラル科学貿易)
Chairperson: Koji Aso (Central Scientific Commerce, inc.)

MicroScale Thermophoresis (MST) と Tycho NT.6 を用いた生体分子相互作用解析と迅速タンパク質安定性試験

Biomolecular Interaction Analysis and Quick Protein Stability Tests using MicroScale Thermophoresis (MST) and Tycho NT.6

アンドレアス・ランジャー (Dr. Andreas Langer)

ナノテンパーテクノロジーズ社 (NanoTemper Technologies GmbH)

E 会場 (中会議室 201) / Room E (Conference Room 201)
6 月 26 日 (火) / June 26 (Tue.) 12:00 ~ 12:50

1LSE マルバーン・パナリティカル (スペクトリス(株)) / Malvern Panalytical, A division of Spectris Co., Ltd.

司会: 廣瀬 雅子 (スペクトリス株式会社マルバーン・パナリティカル事業部)
Chairperson: Masako Hirose (Malvern Panalytical)

いくつかの溶液中サイズ解析法によるモデル蛋白質のデータ比較

Data comparison with various principles for protein size in solution

志波 公平 (Kohei Shiba)

マルバーン・パナリティカル (スペクトリス(株)) (Malvern Panalytical, A division of Spectris Co., Ltd.)

C 会場（中会議室 302B） / Room C（Conference Room 302B）
6 月 27 日（水） / June 27 (Wed.) 12:00 ~ 12:50

2LSC 東ソー(株) / Tosoh Corporation

司会：富澤 洋（東ソー株式会社）
Chairperson: Hiroshi Tomizawa (Tosoh Corporation)

Fc-FcR 相互作用の精密解析と医薬品開発への展開 Dissection of Fc-FcR interaction and its application to biopharmaceutics

津本 浩平（Kouhei Tsumoto）
東京大学大学院工学系研究科、医科学研究所 (School of Engineering, The Institute of Medical Science, The University of Tokyo)

D 会場（中会議室 302A） / Room D（Conference Room 302A）
6 月 27 日（水） / June 27 (Wed.) 12:00 ~ 12:50

2LSD サーモフィッシャーサイエンティフィック(株) / Thermo Fisher Scientific K.K.

司会：葦原 雅道（日本エフイー・アイ株式会社）
Chairperson: Masamichi Ashihara (Thermo Fisher Scientific FEI Company Japan)

クライオ電子顕微鏡法 - 技術的進展と試料作製における実践的方法 Cryo-EM: the advancements and practical lecture on sample preparation

- Approaches to GPCR complex formation for structure determination by single particle cryo-EM
Lynn Liang Ph.D.
Drug Discovery Biology, Monash Institute of Pharmaceutical Sciences, Monash University

E 会場（中会議室 201） / Room E（Conference Room 201）
6 月 27 日（水） / June 27 (Wed.) 12:00 ~ 12:50

2LSE マルバーン・パナリティカル（スペクトリス(株)） / Malvern Panalytical, A division of Spectris Co., Ltd.

司会：志波 公平（株式会社スペクトリス マルバーン・パナリティカル事業部）
Chairperson: Kohei Shiba (Malvern Panalytical, A division of Spectris Co., Ltd.)

熱測定 ITC を活用して天然変性蛋白質の相互作用様式を捉える Elucidation of binding manner for an intrinsically disordered protein using ITC

長門石 暁（Satoru Nagatoishi）
東京大学 (The University of Tokyo)

C 会場 (中会議室 302B) / Room C (Conference Room 302B)
6 月 28 日 (木) / June 28 (Thu.) 11:45 ~ 12:35

3LSC

日本蛋白質構造データバンク (PDBj) & 化学情報協会 (JAICI) /
Protein Data Bank Japan & Japan Association For International
Chemical Information

司会: 栗栖 源嗣 (大阪大学 蛋白質研究所)
Chairperson: Genji Kurisu (Institute for Protein Research, Osaka University)

PDBj & CCDC ランチョンセミナー
PDBj & CCDC Luncheon Seminar

- ・ **PDB と BMRB: データベースの高度化と機械学習への応用**
PDB and BMRB: Innovation of database and application to machine learning
小林 直宏 (Naohiro Kobayashi)
大阪大学 蛋白質研究所 (Institute for Protein Research, Osaka University)
- ・ **ケンブリッジ結晶構造データベース (CSD) - 創薬のための極めて重要なリソース**
The Cambridge Structural Database (CSD): An invaluable resource for drug discovery
Dr. Paul Sanschagrin
Cambridge Crystallographic Data Centre, USA

D 会場 (中会議室 302A) / Room D (Conference Room 302A)
6 月 28 日 (木) / June 28 (Thu.) 11:45 ~ 12:35

3LSD

沖縄プロテイントモグラフィー(株) / Okinawa Protein Tomography Ltd.

司会: 亀井 朗 (沖縄プロテイントモグラフィー (株) 代表取締役社長)
Chairperson: Akira Kamei (Okinawa Protein Tomography Ltd., CEO)

クライオ電子顕微鏡とプロテイントモグラフィー法による タンパク質 1 分子の構造解析
Protein Tomography is an innovative approach to protein 3D visualization, to produce images of individual proteins and/or macromolecular complexes

- ・ **Individual protein molecules in 3D seen with Molecular Electron Tomography**
Lars-Göran Öfverstedt
沖縄科学技術大学院大学 構造細胞生物学ユニット (Structural Cellular Biology (SCB) Unit, OIST Graduate University)
- ・ **酵素の構造ダイナミクスから紐解く基質認識の理解 — Protein Disulfide Isomerase を事例として**
Recognition of substrate recognition from structural dynamics of enzymes - Case of Protein Disulfide Isomerase
奥村 正樹 (Masaki Okumura)
東北大学 学際科学フロンティア研究所 (FRIS, Tohoku University)

Day 3 (June 28)
Luncheon Seminar